## TENT COOPERATION TRE. /

From the INTERNATIONAL BUREAU
То:
Assistant Commissioner for Patents United States Patent and Trademark Office Box PCT Washington, D.C.20231 ÉTATS-UNIS D'AMÉRIQUE
in its capacity as elected Office
Applicant's or agent's file reference P 50303
Priority date (day/month/year) 22 May 1998 (22.05.98)
e:  r Examining Authority on: 1999 (29.11.99)  ational Bureau on:  ate or, where Rule 32 applies, within the time limit under

The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland Authorized officer

A. Karkachi

Telephone No.: (41-22) 338.83.38

Form PCT/IB/331 (July 1992)

Facsimile No.: (41-22) 740.14.35

3052582

THIS PAGE BLANK USPIO

ţ





## **PCT**

#### INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

(Artikel 18 sowie Regeln 43 und 44 PCT)

Aktenzeichen des Anmelders oder Anwalts P 50303	Recherch	teilung über die Übermittlung des internationalen enberichts (Formblatt PCT/ISA/220) sowie, soweit d, nachstehender Punkt 5
Internationales Aktenzeichen	Internationales Anmeldedatum	(Frühestes) Prioritätsdatum (Tag/Monat/Jahr)
PCT/EP 99/03451	(Tag/Monat/Jahr) 20/05/1999	22/05/1998
Anmelder	<u></u>	
FORSCHUNGSZENTRUM BORSTEL	ZENTRUM FÜR MEDIZIN .	
Dieser internationale Recherchenbericht wurd Artikel 18 übermittelt. Eine Kopie wird dem In	de von der Internationalen Recherch ternationalen Büro übermittelt.	nenbehörde erstellt und wird dem Anmelder gemäß
	•	Blätter. ht genannten Unterlagen zum Stand der Technik bei.
		dlage der internationalen Anmeldung in der Sprache Punkt nichts anderes angegeben ist.
Die internationale Recherch Anmeldung (Regel 23.1 b))	ne ist auf der Grundlage einer bei de durchgeführt worden.	r Behörde eingereichten Übersetzung der internationalen
Recherche auf der Grundlage des S  in der internationalen Anme	Sequenzprotokolls durchgeführt word Idung in Schriflicher Form enthalten	ist.
=	onalen Anmeldung in computerlesba	•
	h in schriftlicher Form eingereicht w h in computerlesbarer Form eingere	
X Die Erklärung, daß das nac		quenzprotokoll nicht über den Offenbarungsgehalt der
	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	mationen dem schriftlichen Sequenzprotokoll entsprechen.
2. Bestimmte Ansprüche ha	ben sich als nicht recherchierbar	erwiesen (siehe Feld I).
3. Mangelnde Einheitlichkeit	der Erfindung (siehe Feld II).	
4. Hinsichtlich der Bezeichnung der Erfin	dung	
X wird der vom Anmelder eing	gereichte Wortlaut genehmigt.	
wurde der Wortlaut von der	Behörde wie folgt festgesetzt:	
5. Hinsichtlich der <b>Zusammenfassung</b>		
wurde der Wortlaut nach Re	e innerhalb eines Monats nach dem	enen Fassung von der Behörde festgesetzt. Der Datum der Absendung dieses internationalen
6. Folgende Abbildung der <b>Zeichnungen</b>	st mit der Zusammenfassung zu ver	öffentlichen: Abb. Nr
wie vom Anmelder vorgesch	nlagen	keine der Abb.
	ine Abbildung vorgeschlagen hat.	
	indung besser kennzeichnet.	•

THIS PAGE BLANN (USPIO)



ternationales Aktenzeichen

PCT/EP 99/03451

reig i bemerkungen zu den Anspruchen, die sich als nicht recherchierbar erwiesen haben (ronsetzung von runkt z auf blatt i)
Gemäß Artikel 17(2)a) wurde aus folgenden Gründen für bestimmte Ansprüche kein Recherchenbericht erstellt:
1. X Ansprüche Nr. weil sie sich auf Gegenstände beziehen, zu deren Recherche die Behörde nicht verpflichtet ist, nämlich Obwohl Anspruch 11 sich auf ein Verfahren zur Behandlung des menslichen/ tierischen Körpers bezieht, wurde die Recherche durchgeführt und gründete sich auf die angeführten Wirkungen der Verbindung/Zusammensetzung.
Ansprüche Nr. weil sie sich auf Teile der internationalen Anmeldung beziehen, die den vorgeschriebenen Anforderungen so wenig entsprechen, daß eine sinnvolle internationale Recherche nicht durchgeführt werden kann, nämlich
3. Ansprüche Nr. weil es sich dabei um abhängige Ansprüche handelt, die nicht entsprechend Satz 2 und 3 der Regel 6.4 a) abgefaßt sind.
Feld II Bemerkungen bei mangelnder Einheitlichkeit der Erfindung (Fortsetzung von Punkt 3 auf Blatt 1)
Die internationale Recherchenbehörde hat festgestellt, daß diese internationale Anmeldung mehrere Erfindungen enthält:
Da der Anmelder alle erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser internationale Recherchenbericht auf alle recherchierbaren Ansprüche.
2. Da für alle recherchierbaren Ansprüche die Recherche ohne einen Arbeitsaufwand durchgeführt werden konnte, der eine zusätzliche Recherchengebühr gerechtfertigt hätte, hat die Behörde nicht zur Zahlung einer solchen Gebühr aufgefordert.
3. Da der Anmelder nur einige der erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser internationale Recherchenbericht nur auf die Ansprüche, für die Gebühren entrichtet worden sind, nämlich auf die Ansprüche Nr.
Der Anmelder hat die erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren nicht rechtzeitig entrichtet. Der internationale Recherchenbericht beschränkt sich daher auf die in den Ansprüchen zuerst erwähnte Erfindung; diese ist in folgenden Ansprüchen erfaßt:
Bemerkungen hinsichtlich eines Widerspruchs  Die zusätzlichen Gebühren wurden vom Anmelder unter Widerspruch gezahlt.
Die Zahlung zusätzlicher Recherchengebühren erfolgte ohne Widerspruch.

THIS PACE BLANK (USPIO)

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

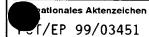
tional	les Aktenzeichen
Per/EP	99/03451

		61/EP 99/	703451
A. KLASSIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES IPK 6 C12N15/11 A61K31/70 C07H21/0	0		
Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klas	ssifikation und der IPK		
B. RECHERCHIERTE GEBIETE			
Recherchierter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbo IPK 6 C12N A61K C07H	ole)		
Recherchierte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, so	weit diese unter die recherc	hierten Gebiete	fallen
Während der internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (N	ame der Datenbank und ev	rti. verwendete S	Suchbegriffe)
C. ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN			
Kategorie° Dezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe	e der in Betracht kommende	en Teile	Betr. Anspruch Nr.
SCHLUETER, C. ET AL: "The cell proliferation-associated antigen antibody Ki-67: A very large ubiq nuclear protein with numerous rep elements, representing new kind o cycle-maintaining proteins"  J. CELL BIOL. (1993), 123(3), 513 XP000867381 in der Anmeldung erwähnt Seite 515, rechte Spalte, letzter Seite 520, linke Spalte, letzter	uitous Deated Of cell B-22 ,		1-12
Weitere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu entnehmen	Siehe Anhang Pate	entfamilie	
"A" Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist "E" älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist "L" Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie ausgeführt) "O" Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung, eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht	oder dem Prioritätsdatu Anmeldung nicht kollidi Erfindung zugrundelieg Theorie angegeben ist "X" Veröffentlichung von be kann allein aufgrund di erfinderischer Tätigkeit "Y" Veröffentlichung von be kann nicht als auf erfin werden, wenn die Verö	Im veröffentlicht lert, sondern nur jenden Prinzips sonderer Bedeu eser Veröffentlicheruhend betrasonderer Bedeu derischer Tätigkriffentlichung mit ser Kategorie in inen Fachmann tglied derselben ernationalen Rec	tung; die beanspruchte Erfindung eit beruhend betrachtet einer oder mehreren anderen Verbindung gebracht wird und naheliegend ist Patentfamilie ist
Name und Postanschrift der internationalen Recherchenbehörde	02/02/200 Bevollmächtigter Bedie		
Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk Tel. (-31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,	Andres. S		

1

CHANNE STORY OF THE STORY OF TH

### INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT



	TEI/EP 99/03451	
C.(Fortsetzung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN		
Kategorle° Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht komm	nenden Teile Betr. Anspruch	Nr.
MAESHIMA, YOHEI ET AL: "Antisense oligonucleotides to proliferating cell nuclear antigen and Ki-6 inhibit human mesangial cell proliferation"  J. AM. SOC. NEPHROL. 7(10), 2219-2229, Oktober 1996 (1996-10), XP000867392 Zusammenfassung; Abbildung 1	1-12	
A UHLMANN E ET AL: "ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES: A NEW THERAPEUTIC PRINCIPLE" CHEMICAL REVIEWS, Bd. 90, Nr. 4, 1990, Seite 543-584 XP000141412 ISSN: 0009-2665 in der Anmeldung erwähnt		

1

ANS PASSED AND ASSESSION OF THE PASSESSION OF TH

## VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM **GEBIET DES PATENTWESENS**

# **PCT**

REC'D 1 4 AUG 2000

**WIPO** 

PCT

# INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT

		(Artikel 36 und Reg	el 70 PC	-
Aktenzeichen	des Anmelders oder Anwalts	WEITERES VORGEHEN	siehe Mitteil vorläufigen	ung über die Übersendung des internationalen Prüfungsbericht (Formblatt PCT/IPEA/416)
Internationales	Aktenzeichen	Internationales Anmeldedatum(7	ag/Monat/Jahr)	Prioritätsdatum (Tag/Monat/Tag)
PCT/EP99/		20/05/1999		22/05/1998
		nationale Klassifikation und IPK		
C12N15/11				
Anmelder				
FORSCHU	NGSZENTRUM BORST	EL ZENTRUM FÜR MEDIZI	N	
1. Dieser in Behörde	nternationale vorläufige Pr e erstellt und wird dem Ann	üfungsbericht wurde von der mi nelder gemäß Artikel 36 übermi	t der internatio telt.	onale vorläufigen Prüfung beauftragt
2. Dieser E	BERICHT umfaßt insgesan	nt 6 Blätter einschließlich diese	s Deckblatts.	
und Beh	Vadar Zajahayagaa, dia ac	rändert wurden und diesem Ber richtigungen (siehe Regel 70.16	icht zuarunde	itter mit Beschreibungen, Ansprüchen liegen, und/oder Blätter mit vor dieser tt 607 der Verwaltungsrichtlinien zum PCT).
3. Dieser I	Bericht enthält Angaben zu	ı folgenden Punkten:		
ı	☑ Grundlage des Berich	nts		
11	☐ Priorität	•		b. Color - American allocate
111			nderische Tät	igkeit und gewerbliche Anwendbarkeit
IV	☐ MangeInde Einheitlich			t des estindericabo Tätigkoit und der
V	Begründete Feststellu gewerbliche Anwendt	ung nach Artikel 35(2) hinsichtlic parkeit; Unterlagen und Erkläru	ch der Neuhen ngen zur Stütz	t, der erfinderische Tätigkeit und der zung dieser Feststellung
VI	☐ Bestimmte angeführte	e Unterlagen		
VII	☐ Bestimmte Mängel de	er internationalen Anmeldung		
VIII		igen zur internationalen Anmeld	ung	
	100 mg			
Datum der E	inreichung des Antrags	Datu	n der Fertigstell	lung dieses Berichts
29/11/199	9	10.00 10.00 10.00 10.00	3.2000	
Name und P	ostanschrift der mit der interna	tionalen vorläufigen Bevo	ilmächtigter Bed	diensteter isous mice

A. M. Merlos

Name und Postanschrift der mit der internationalen vorläufigen

Europäisches Patentamt

D-80298 München

Prüfung beauftragten Behörde:

THIS PACE ELANGE (MOS)

•

1

٧

### INTERNATIONALER VORLÄUFIGER **PRÜFUNGSBERICHT**

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

i. Grunulay des benci	hts	ric	Ber	des	Grundlag	I.
-----------------------	-----	-----	-----	-----	----------	----

1. Dieser Bericht wurde erstellt auf der Grundlage (Ersatzblätter, die dem Anmeldeamt auf eine Aufforderung nach

1.	Artil	ser bericht wurde e kel 14 hin vorgelegt it beigefügt, weil sie	wurden, gelte	en im Rahmen die	eses Berichts	als "ursprünglich eing	vereicht" und sind ihm
	Bes	chreibung, Seiten	:				
	1-36	3	ursprüngliche	Fassung			
	Pate	entansprüche, Nr.	:				
	1-15	5	eingegangen	am	26/05/2000	mit Schreiben vom	25/05/2000
	Zei	chnungen, Blätter	:				
	1-6		ursprüngliche	Fassung			
2.	Auf	grund der Änderun	gen sind folge	nde Unterlagen f	ortgefallen:		
		Beschreibung,	Seiten:				
		Ansprüche,	Nr.:				
		Zeichnungen,	Blatt:				
3.		Dieser Bericht ist angegebenen Grü eingereichten Fas	inden nach Au	ıffassung der Bel	nörde über de	derungen erstellt word n Offenbarungsgehalt	len, da diese aus den i in der ursprünglich
4.	Etw	aige zusätzliche Bo	emerkungen:				
		<b>4</b>					
۷.	Beg	gründete Feststell verblichen Anwen	ung nach Art dbarkeit; Unt	ikel 35(2) hinsic erlagen und Erk	htlich der Ne därungen zur	uheit, der erfinderisc Stützung dieser Fe	chen Tätigkeit und der ststellung
1.	Fes	ststellung					
	Ne	uheit (N)	•	Ja: Ansprüch Nein: Ansprüch		15	
	Erfi	nderische Tätigkeit	(ET)	Ja: Ansprüch Nein: Ansprüch			
	Ge	werbliche Anwendt	oarkeit (GA)	Ja: Ansprüch Nein: Ansprüch			

THIS PACK BLAMM (LAMM)



Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

2. Unterlagen und Erklärungen

siehe Beiblatt

#### VIII. Bestimmte Bemerkungen zur internationalen Anmeldung

Zur Klarheit der Patentansprüche, der Beschreibung und der Zeichnungen oder zu der Frage, ob die Ansprüche in vollem Umfang durch die Beschreibung gestützt werden, ist folgendes zu bemerken:

siehe Beiblatt

THIS PAGE BLANN (1879)



## INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

1). Die neu eingereichten Ansprüche 1-14 scheinen die Erfordernisse des Art. 34(2,b) PCT zu erfüllen. Mit Hinblick auf Anspruch 15 wird der Anmelder jedoch darauf hingewiesen, dass die angegebene Sequenz in den ursprünglich eingereichten Unterlagen nicht offenbart ist. Die internationale mit der vorläufigen Prüfung beauftragte Behörde geht allerdings davon aus, dass die Sequenz irrtümlich in den Anspruch aufgenommen wurde und vielmehr beabsichtigt war, die im ursprünglichen Anspruch 6 offenbarte Sequenz aufzunehmen (s. auch geändereter Anspruch 6).

V

2). Ansprüche 1-8 und 10 erscheinen gegenüber dem zitierten Stand der Technik neu und erfinderisch zu sein (Art. 33(2), (3) PCT), da aus letzterem die zytotoxische Wirkung des Ki-67 antisense Oligo(desoxy)ribonukleotids auf proliferierende Zellen und somit seine Verwendung zur Herstellung eines entsprechenden Arzneimittels nicht zu entnehmen war. Schlüter et al., beschreiben lediglich die Inhibierung des Einbaus von markiertem Thymidin durch Ki-67 antisense Oligonukleotide in IM-9 Myelomazellen. Maeshima et al. demonstrieren die inhibitorische Wirkung von Ki-67 antisense Oligonukleotiden auf die Proteinexpression. Anhand der Versuchsergebnisse wird den antisense Oligonukleotiden eher ein antiproliferativer als ein unspezifisch zytotoxischer Effekt zugeschrieben.

Es wird allerdings darauf hingewiesen, dass die Beanspruchung einer zweiten medizinischen Indikation die eindeutige Definierung der therapeutischen Anwendung erforderlich macht (s. Anspruch 10).

Hingegen werden die Ansprüche 9, 14 und 15 zwar als neu, jedoch nicht als erfinderisch im Sinne von Art. 33(3) PCT angesehen.

Mit Hinblick auf das beanspruchte Arzneimittel ist die Behörde der Auffassung, dass das darin enthaltene Ki-67 antisense Oligonukleotid per se das wesentliche Merkmal darstellt, nicht aber die Angabe der Konzentration in der es darin enthalten ist, noch die üblichen Trägerstoffe und Hilfsmittel. Besagtes Oligonukleotid, sowie sein potentieller therapeutischer Nutzen als Arzneimittel aufgrund seiner antiproliferativen Wirkung ist aber bereits in Maeshima et al. beschrieben. Die zusätzlichen Merkmale, wie oben aufgeführt, führen zwar dazu dass das Mittel neu wird (insbesondere durch die Angabe der Konzentration),

THE PACE CLAME CONTROL



# INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

Internationales Aktenzeichen PCT/EP99/03451

einen erfinderischen Beitrag leisten sie allerdings nicht.

Gleiches gilt für die in den Ansprüchen 14 und 15 beanspruchten antisense Oligonukleotide. Das beanspruchte Oligonukleotid unterscheidet sich von den aus dem Stand der Technik bekannten lediglich durch vier bzw. zwei zusätzliche Nukleotide am fortlaufenden 3' Ende (vgl. Schlüter et al. und Maeshina et al.). Die Behörde vertritt die Meinung, dass dieser marginale Unterschied nicht den beobachteten zytotoxischen Effekt hervorrufen kann und somit auch nicht als erfinderischer Beitrag angesehen werden kann. Es sei auch darauf hingewiesen, dass die Erfindung nicht auf der Bereitstellung spezifischer Ki-67 antisense Oligonukleotide zur Hemmung der Ki-67 Expression beruht, sondern auf der Entdeckung, dass eine derartige Inhibierung in bestimmten Tumorzellen (z.B. RT4-Zellen) zum Zelltod führt und sich daher entsprechende Oligonukleotide für einen spezifischen therapeutischen Zweck (z.B. Tumortherapie) eignen.

Die Verfahrensansprüche 11-13 werden weder als neu noch als erfinderisch angesehen. Die Behörde ist der Ansicht, dass Maeshina et al. die nötige technische Information bereitstellen, die dem Fachmann umgehend die Herstellung eines Arzneimittels enthaltend ein Ki-67 antisense Oligonukleotid ermöglicht. Es sei darauf hingewiesen, dass im vorliegenden Fall die beabsichtigte nachfolgende Verwendung des Arzneimittels (zum Abtöten von proliferierenden Zellen) nicht dessen Herstellungsverfahren beeinflusst. Anders ausgedrückt, das hier erhaltene Arzneimittel entspricht in seinem wesentlichsten und das Mittel definierenden Bestandteil (antisense-Oligonukleotid) dem in Maeshina et al. beschriebenen Mittel, unabhängig von seinem weiteren therapeutischen Einsatz.

VIII

- 3). Die Behörde ist nach wie vor der Auffassung, dass die Ansprüche 2 und 3 mit Hinblick auf den Ausdruck Oligonukleotid unklar sind, da Moleküle mit einer Länge wie in den Ansprüchen angegeben, nicht unter den Begriff "Oligonukleotid" fallen.
  - Desweiteren ist nicht ganz eindeutig, ob Anspruch 4 auf ein Oligonukleotid gerichtet ist, das aus lediglich mindestens 12 bis höchstens 66 Nukleotiden besteht (vgl. Beschreibung, Seite 3, 5. Absatz). Dies gilt auch für die abhängigen

PHIS PACE DE ANTHOUSE OF ANTHOUSE OF THE PACE OF THE P

Ansprüche 5-8, 10 und Ansprüche 14 und 15.

THE PACE OLAWK USTO,

PCT/EP99/03451



### Patentansprüche

- 1. Verwendung eines Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes davon, zur Herstellung eines Arzneimittels zum Abtöten von proliferierenden Zellen.
- Verwendung nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß die Nukleotidsequenz des Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids zu der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 3. Verwendung nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, daß die Nukleotidsequenz des Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids zu dem Abschnitt von Position 197 bis 9962 der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 4. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 3, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid 12 bis 66 Nukleotide enthält.
- 5. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 4, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid 17 bis 46 Nukleotide enthält.
- 6. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 5, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid die Sequenz (5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT) aufweist.
- 7. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 6, dadurch gekennzeichnet, daß eine oder mehrere Phosphatgruppen des
  Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids durch Phosphothioat-, Methylphosphonat-, Phosphoramidat-, Methylen(methylimino)- und/oder Guanidingruppe(n) ausgetauscht
  sind.

THE STATE OF THE S

- 2 -

- 8. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch gekennzeichnet, daß das Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid eine terminale 3'-3'- und/oder 5'-5'-Internukleotidverknüpfung aufweist.
- 9. Arzneimittel, gekennzeichnet durch einen Gehalt an einem Oligoribo- und/oder Oligodesoxyribonukleotid, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das zellcyclusassoziierte Protein Ki-67 kodiert, oder einem physiologisch verträglichen Salze davon, neben üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen, wobei die Oligonukleotid-Menge so eingestellt ist, daß eine Applikation von 0,001 bis 100 mg/kg Körpergewicht erzielt wird.
- 10. Verwendung nach einem der Ansprüche 1 bis 8 zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen, Abwehrreaktionen nach Transplantationen.
- 11. Verfahren zur Herstellung eines Arzneimittels zum Abtöten von proliferierenden Zellen, gekennzeichnet durch die Verwendung von Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotiden, die in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes.
- 12. Verfahren nach Anspruch 11 zur Herstellung eines Arzneimittels zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen oder Abwehrreaktionen nach Transplantationen.
- 13. Verfahren nach Anspruch 11 oder 12 umfassend das Kombinieren eines Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotids, das in
  der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das
  Protein Ki-67 kodiert, mit üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen.

THIS PAGE OF AMINIMAN (USPA)

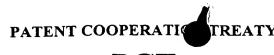
- 14. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid, dadurch gekennzeichnet, daß es in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert und daß es 22 bis
  46 Nukleotide enthält, oder eine physiologisch verträglichen Salzes davon.

3 -

15. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach Anspruch 14, dadurch gekennzeichnet, daß es die Sequenz (5'-ACC AGG TGA GCC GAG GAC GCC AT) aufweist.

Mills of the state of the state

.



**PCT** 

## INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

(PCT Article 36 and Rule 70)

Applicant's or agent's file reference P 50303	FOR FURTHER ACTION		cation of Transmittal of International Examination Report (Form PCT/IPEA/416)
International application No. PCT/EP99/03451	International filing date (day/m 20 May 1999 (20.05		Priority date (day/month/year)  22 May 1998 (22.05.98)
International Patent Classification (IPC) or no C12N 15/11, A61K 31/70, C07H	ational classification and IPC I 21/00		
Applicant FORSCHUNGSZENTRUM BO	RSTEL ZENTRUM FÜR	MEDIZIN	UND BIOWISSENSCHAFTEN
This international preliminary example Authority and is transmitted to the a	mination report has been prep applicant according to Article 36.	ared by this	International Preliminary Examining
2. This REPORT consists of a total of	6 sheets, including	ig this cover s	heet.
been amended and are the b	nied by ANNEXES, i.e., sheets of this report and/or sheets to 607 of the Administrative Instru	containing re	ion, claims and/or drawings which have ctifications made before this Authority the PCT).
These annexes consist of a t	total of sheets.		
3. This report contains indications rela	iting to the following items:		
I Basis of the report	· ·		
II Priority			
III Non-establishmen	t of opinion with regard to novel	lty, inventive s	step and industrial applicability
IV Lack of unity of in	nvention		
V Reasoned statemen	nt under Article 35(2) with regar anations supporting such stateme	rd to novelty, i	inventive step or industrial applicability;
VI Certain documents	s cited		
VII Certain defects in	the international application		
VIII Certain observation	ons on the international application	on	
		···	
Date of submission of the demand	Date o	f completion of	of this report
29 November 1999 (29	.11.99)	10 A	August 2000 (10.08.2000)
Name and mailing address of the IPEA/EP	Author	rized officer	
Facsimile No.	Teleph	one No.	

en dunte delle de la compension de la co

WALL OF THE STATE OF THE STATE

### INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

International application No. PCT/EP 99/03451

Supplemental Box

(To be used when the space in any of the preceding boxes is not sufficient)

Continuation of:

1

1). The newly-filed Claims 1-14 appear to meet the requirements of PCT Article 34(2)(b). However, as regards Claim 15, the applicants should note that the indicated sequence was not disclosed in the originally-filed documents. Nevertheless, the International Preliminary Examining Authority assumes that the sequence was erroneously included in the claim and that the applicants intended to include the sequence disclosed in the original Claim 6 (see also the amended Claim 6).

tend carry list to bit there to the settlement to the continue of the con

State of the state of

THIS PREE BLANK USPIO

Ĩ.

V. Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement

Statement			
Novelty (N)	Claims	1-10, 14, 15	YES
	Claims	11-13	NO
Inventive step (IS)	Claims	1-8, 10	YES
	Claims	9, 11-15	NO
Industrial applicability (IA)	Claims	1-15	YES
	Claims		NO

#### 2. Citations and explanations

1.

2). When compared with the cited prior art, Claims 1-8 and 10 appear to be novel and inventive (PCT Article 33(2) and (3) since the prior art does not suggest the cytotoxic action of the Ki-67 antisense oligo(deoxy)ribonucleotide on proliferated cells, and hence its use for producing a corresponding drug.

Schlüter et al. merely describe the inhibition of the insertion of marked thymidine by Ki-67 antisense oligonucleotides in IM-9 myeloma cells.

Maeshima et al. demonstrate the inhibitory effect of Ki-67 antisense nucleotides on protein expression. An anti-proliferative rather than an unspecific cytotoxic effect is attributed to the antisense oligonucleotides on the basis of the results of the experiments.

Nevertheless, the applicants should note that the therapeutic use should be clearly defined since a second medical indication has been claimed (see Claim 10).

In contrast, Claims 9, 14 and 15 are considered to be novel but not inventive (PCT Article 33(3)). As regards the claimed drug, the Examining Authority is of the opinion that the Ki-67 antisense

THIS PREE BLANK USE OF



INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPO

oligonucleotide per se that is contained therein represents the essential feature and not details regarding the concentration in which it is present or the customary carrier materials and auxiliary agents. However, said oligonucleotide and its potential therapeutic use as a drug owing to its anti-proliferative action has already been described in Maeshima et al. The additional features, as specified above, do lead one to the conclusion that the agent is novel (in particular the details of the concentration); however, those features do not involve an inventive step.

This applies analogously to the antisense oligonucleotides claimed in Claims 14 and 15. claimed oligonucleotide differs from that known from the prior art only by four or two additional nucleotides on the continuous 3' end (see Schlüter et al. and Maeshima et al.). The Examining Authority is of the view that this marginal difference cannot lead to the observed cytotoxic effect, and thus also cannot be regarded as an inventive contribution. It should also be pointed out that the invention is not based on the provision of specific Ki-67 antisense nucleotides for inhibiting Ki-67 expression, but is rather based on the finding that such inhibition in specific tumour cells (e.g. RT4 cells) leads to cell death and that the corresponding oligonucleotides are thus suitable for a specific therapeutic purpose (e.g. tumour therapy).

Process Claims 11-13 are therefore not considered to be novel or inventive. The Examining Authority considers the document by Maeshima et al. to contain the necessary technical information to permit a

្ត

THIS PACE OF THE PROPERTY.

## INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPOR

International application No. PCT/EP 99/03451

person skilled in the art to produce a drug containing a Ki-67 antisense oligonucleotide immediately. It should be noted that in the present instance, the intended subsequent use of the drug (to kill proliferating cells) does not influence its process of preparation. In other words, the drug contained in this instance and the constituent defining the agent (antisense oligonucleotide) correspond essentially to the agent described in Maeshima et al., independently of its additional therapeutic use.

THIS PACE BLANK USPIO

# INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REP

International application No. PCT/EP 99/03451

# VIII. Certain observations on the international application

The following observations on the clarity of the claims, description, and drawings or on the question whether the claims are fully supported by the description, are made:

3). The Examining Authority is still of the opinion that in view of the term oligonucleotide, Claims 2 and 3 are unclear, since molecules of a length as indicated in the claims do not fall under the term "oligonucleotide".

Moreover, it is not entirely clear whether or not Claim 4 relates to an oligonucleotide that consists merely of at least 12 nucleotides up to a maximum of 66 nucleotides (see page 3, fifth paragraph of the description). This applies analogously to dependent Claims 5-8, 10 and Claims 14 and 15.

THIS PREKE OF WHITE HOLD

Ì

#### Claims

- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide, characterized in that it is capable of hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki-67, and physiologically acceptable salts thereof.
- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to claim
   characterized in that its nucleotide sequence is
   complementary to SEQ ID NO 1.
- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to claim
   characterized in that its nucleotide sequence is complementary to the section from position 197 to 9962 of
   SEQ ID NO 1.
  - 4. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 3, characterized in that it contains 12 to 66 nucleotides.

20

- 5. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 4, characterized in that it contains 17 to 46 nucleotides.
- Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 5, characterized in that it has the sequence (5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT).
- 7. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to any one of claims 1 to 6, characterized in that one or more phosphate groups are replaced by phosphothicate, methylphosphonate, phosphoramidate, methylene(methylimino) and/or guanidine group(s).
- 35 8. Oligoribo- or oligodeoxyribonucleotide according to one of claims 1 to 7, characterized in that it has a terminal 3'-3' and/or 5'-5' internucleotide linkage.

THIS PACE OF THE PARTY OF THE P

9. Medicaments, characterized by a content of an oligoriboand/or oligodeoxyribonucleotide which is capable of
hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki67, or of a physiologically acceptable salt thereof, in
addition to conventional carrier substances, auxiliaries
and/or additives.

5

20

- 10. Medicament according to claim 9, characterized in that the amount of oligonucleotide is adjusted such that an administration of 0.001 to 100 mg/kg of body weight is achieved.
- 11. Use of oligoribo- or oligodeoxyribonucleotides which are capable of hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki-67, or of a physiologically acceptable salt thereof, for treatment of tumours, autoimmune diseases, cicatrization, inflammations, allergies, rheumatic diseases or rejection reactions following transplantations.
- 12. Use of oligoribo- or oligodeoxyribonucleotides which are capable of hybridizing with the mRNA which codes for the protein Ki-67, or of a physiologically acceptable salt thereof, for the preparation of a medicament for treatment of tumours, autoimmune diseases, cicatrization, inflammations, allergies or rheumatic diseases.

THIS PACE BLANK USPIO

# DEUTSCHES PATENTAMT

<u> Deutsches Patentamt - 80297 München</u>

Patentanwälte yexküll & Stolberg Beselerstr. 4

22607 Hamburg

München, den 13. Oktober 1998

**2** (089) 2195 - 4267

Aktenzeichen: 198 22 954.2-44 P 47646 Ihr Zeichen: 9159959 Anmeldernr.: Forschungszentrum Borstel Zentru m für Medizin und Biowissenschaf

ten

Bitte Aktenzeichen und Anmeider bei Eingaben und Zahlungen angeben Zutreffendes ist angekreuzt 🔀 und/oder ausgefüllt!

UEXKULL & STOLBERG

Prüfungsantrag, wirksam gestellt am 11. Juni 1998

Eingabe vom

eingegangen am

Die weitere Prüfung der oben genannten Patentanmeldung hat zu dem nachstehenden Ergebnis geführt. Zur Äußerung wird eine Frist

#### von vier Monaten

gewährt, die mit der Zustellung beginnt.

Für Unterlagen, die der Äußerung gegebenenfalls beigefügt werden (z.B. Patentansprüche, Beschreibung, Beschreibungsteil , Zeichnungen), sind je zwei Ausfertigungen auf gesonderten Blättern erforderlich. Die Äußerung selbst wird nur in einfacher Ausfertigung benötigt.

Werden die Patentansprüche, die Beschreibung oder die Zeichnungen im Laufe des Verfahrens geändert, so hat der Anmelder, sofern die Änderungen nicht vom Patentamt vorgeschlagen sind, im einzelnen anzugeben, an welcher Stelle die in den neuen Unterlagen beschriebenen Erfindungsmerkmale in den ursprünglichen Unterlagen offenbart sind.

🔀 In diesem Bescheid sind folgende Entgegenhaltungen erstmalig genannt (bei deren Numerierung gilt diese auch für das weitere Verfahren): - siehe nächste Seite -

#### Hinweis auf die Möglichkeit der Gebrauchsmusterabzweigung

Der Anmelder einer nach dem 1. Januar 1987 mit Wirkung für die Bundesrepublik Deutschland eingereichten Patentanmeldung kann eine Gebrauchsmusteranmeldung, die den gleichen Gegenstand betrifft, einreichen und gleichzeitig den Anmeldetag der früheren Patentanmeldung in Anspruch nehmen. Diese Abzweigung (§ 5 Gebrauchsmustergesetz) ist bis zum Ablauf von zwei Monaten nach dem Ende des Monats möglich, in dem die Patentanmeldung durch rechtskräftige Zurückweisung, freiwillige Rücknahme oder Rücknahmefiktion erledigt, ein Einspruchsverfahren abgeschlossen oder - im Falle der Erteilung des Patents - die Frist für die Beschwerde gegen den Erteilungsbeschluß fruchtlos verstrichen ist. Ausführliche Informationen über die Erfordernisse einer Gebrauchsmusteranmeldung, einschließlich der Abzweigung, enthält das Merkblatt für Gebrauchsmusteranmelder (G 6181), das kostenios beim Patentamt und den Patentauslegestellen erhältlich ist.

P 2401.1 (EDV-L) 01/98 Pat 1a Kzl.

Annahmestelle und Nachtbriefkasten Zweibrückenstraße 12

Dienstgebäude Zweibrückenstraße 12 (Hauptgebäude) Zweibrückenstraße 5-7 (Breiterhof) Winzererstraße 47a/Saarstraße 5

Hausadresse (für Fracht) Deutsches Patentamt Zweibnickenstraße 12 80331 München

Telefon (089) 2195-0

Bank: Telefax (089) 2195-2221 Landeszentralbank München 700 010 54 (BLZ 700 000 00)

Internet-Adresse http://www.deutsches-patentamt.de

Zweibrückenstraße 12 (Hauptgebäude), Zweibrückenstraße 5-7 (Breiterhof): S1 - S8 Isartor

THIS PACE BLANK USPO

- (1) Chem. Abstr. 126(1997)14507c
- (2) Chem. Abstr. 124(1996)138711t
- (3) Chem. Abstr. 120(1994)50987u
- (4) Chem.Abstr. 129(1998)134428 (derzeit im DPA nur als Datenbankauszug zugänglich)
- (5) Chem. Abstr. 122(1995)260142g

Dem Bescheid liegen die ursprünglichen Ansprüche 1 bis 12 zugrunde.

Wie die Anmelderin in der Beschreibung S.2, Abs.2, selbst ausführt, ist die Nukleotidsequenz der cDNA des Ki-67 bekannt (vgl. hierzu auch (3)). Demzufolge liegt auch die Möglichkeit, Oligo(desoxy)nukleotide beliebiger Größe, jedoch mit zur bekannten cDNA von Ki-67 komplementärer Sequenz, bereitzustellen, für den Fachmann auf der Hand.

Darüberhinaus wird auf den im Zuge der Recherche ermittelten vorveröffentlichten Stand der Technik hingewiesen, demgemäß bereits Antisense-Oligonukleotide, auch in der Phosphothioate-Form, gegen Ki-67 mRNA bekannt sind (vgl. (1)).

Inwiefern auch die auf die Anmelderin zurückgehende, in (2) zitierte Publikation dem Anmeldungsgegenstand neuheitschädlich entgegensteht, ist derzeit mangels Vorliegen der Originalschrift zu (2) im DPA nicht überprüfbar.

THIS OF THE BUT OF THE

Es ist jedoch bereits aufgrund des Abstracts (1) festzustellen, daß die Stoffansprüche 1 bis 5 sowie 7 sowie entsprechende darauf rückbezogene Mittel- und/oder Verwendungsansprüche 9 bis 12 mangels Neuheit oder mangels erfinderischer Tätigkeit nicht gewährbar sind.

Inwiefern die Patenterteilung auf Basis eines auf Stoffe gemäß Anspruch 6 eingeschränkten Erteilungsantrags in Aussicht gestellt werden kann, ist erst nach Vorliegen sämtlicher in (1) bis (3) zitierten Originalschriften abschließend zu entscheiden.

Im Falle einer Fortführung der vorliegenden Anmeldung wird der Anmelderin daher einheimgestellt, zum Zwecke der Förderung des Prüfungsverfahrens Kopien der in (1) bis (3) zitierten Originalschriften zur Akte zu reichen.

Der Vollständigkeit halber wird noch auf die Druckschriften (4) und (5) hingewiesen.

Bei dieser Sachlage kann die Patenterteilung mit den vorliegenden Unterlagen nicht in Aussicht gestellt werden. Die Anmeldung
ist nach Fristablauf aus den ausgeführten Gründen zurückzuweisen, falls die aufgezeigten Mängel nicht oder nur teilweise beseitigt werden.

Prüfungsstelle für Klasse C 07 H

Dr.rer.nat.Egerer

Hausruf: 4273 Als Anlage: Kopie der D(1)-(5) - zweifach

THIS PACE OLD WALLER TO



# WELTORGANISATION FÜR GEISTIGES EIGENTUM Internationales Büro

OMP OMP

#### INTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation 6:

C12N 15/11, A61K 31/70, C07H 21/00

**A3** 

(11) Internationale Veröffentlichungsnummer: WO 99/61607

(43) Internationales

Veröffentlichungsdatum:

2. Dezember 1999 (02.12.99)

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP99/03451

(22) Internationales Anmeldedatum:

20. Mai 1999 (20.05.99)

(30) Prioritätsdaten:

198 22 954.2

22. Mai 1998 (22.05.98)

DE

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten ausser US):
FORSCHUNGSZENTRUM BORSTEL ZENTRUM
FÜR MEDIZIN UND BIOWISSENSCHAFTEN [DE/DE];
Parkallee 1-40, D-23845 Borstel (DE).

(72) Erfinder; und

- (75) Erfinder/Anmelder (nur für US): FLAD, Hans-Dieter [DE/DE]; Parkallee 1, D-23845 Borstel (DE). GERDES, Johannes [DE/DE]; Steinfeld 79, D-23858 Feldhorst (DE). BÖHLE, Andreas [DE/DE]; Fasanenring 2, D-23627 Groß Grönau (DE). DEINERT, Irina [-/DE]; Otternweg 12, D-23560 Lübeck (DE).
- (74) Anwälte: MUTH, Heinz-Peter usw.; Uexkull & Stolberg, Beselerstrasse 4, D-22607 Hamburg (DE).

(81) Bestimmungsstaaten: AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CH, CN, CU, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MD, MG, MK, MN, MW, MX, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA, ZW, ARIPO Patent (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, UG, ZW), eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), europäisches Patent (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI Patent (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

#### Veröffentlicht

Mit internationalem Recherchenbericht.

Vor Ablauf der für Änderungen der Ansprüche zugelassenen Frist. Veröffentlichung wird wiederholt falls Änderungen eintreffen.

(88) Veröffentlichungsdatum des internationalen Recherchenberichts: 23. März 2000 (23.03.00)

- (54) Title: ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES FOR TREATING PROLIFERATING CELLS
- (54) Bezeichnung: ANTISENSE-OLIGONUKLEOTIDE ZUR BEHANDLUNG VON PROLIFERIERENDEN ZELLEN

#### (57) Abstract

The invention relates to oligoribo- and oligodesoxyribonucleotides which are suitable for treating pathological conditions that are accompanied by increased cell proliferation. Said oligoribo- and oligodesoxyribonucleotides are characterised in that they are able to hybridise with the mRNA which codes the protein Ki-67, this protein being associated with the cell cycle.

#### (57) Zusammenfassung

Die Erfindung betrifft Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide, die sich zur Behandlung von Krankheitszuständen eignen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen. Die Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide sind dadurch gekennzeichnet, daß sie in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das zellzyclusassoziierte Protein Ki-67 kodiert.

**[**]





## LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Codes zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

			•				
AL	Albanien	ES	Spanien	LS	Lesotho	SI	Slowenien
AM	Armenien	FI	Finnland	LT	Litauen	SK	Slowakei
AT	Österreich	FR	Frankreich	LU	Luxemburg	SN	Senegal
ΑU	Australien	GA	Gabun	LV	Lettland	SZ	Swasiland
AZ	Aserbaidschan	GB	Vereinigtes Königreich	MC	Monaco	TD	Tschad
BA	Bosnien-Herzegowina	GE	Georgien	MD	Republik Moldau	TG	Togo
BB	Barbados	GH	Ghana	MG	Madagaskar	ТJ	Tadschikistan
BE	Belgien	GN	Guinea	MK	Die ehemalige jugoslawische	TM	Turkmenistan
BF	Burkina Faso	GR	Griechenland		Republik Mazedonien	TR	Türkei
BG	Bulgarien	HU	Ungarn	ML	Mali	TT	Trinidad und Tobago
BJ	Benin	IE	Irland	MN	Mongolei	UA	Ukraine
BR	Brasilien	IL	Israel	MR	Mauretanien	UG	Uganda
BY	Belarus	IS	Island	MW	Malawi	US	Vereinigte Staaten von
CA	Kanada	IT	Italien	MX	Mexiko		Amerika
CF	Zentralafrikanische Republik	JP	Japan	NE	Niger	UZ	Usbekistan
CG	Kongo	KE	Kenia	NL	Niederlande	VN	Vietnam
CH	Schweiz	KG	Kirgisistan	NO	Norwegen	YU	Jugoslawien
Cl	Côte d'Ivoire	KP	Demokratische Volksrepublik	NZ	Neuseeland	ZW	Zimbabwe
CM	Kamerun		Korea	PL.	Polen		
CN	China	KR	Republik Korea	PT	Portugal		
CU	Kuba	KZ	Kasachstan	RO	Rumänien		

RU

SD

SE

Russische Föderation

Sudan Schweden Singapur

LC

LI

LK

St. Lucia

Sri Lanka

Liberia

Liechtenstein

CZ

DE

DΚ

EE

Tschechische Republik

Deutschland

Dänemark

Estland

A. CLASSI IPC 6	FICATION OF SUBJECT MATTER C12N15/11 A61K31/70 C07H21/	/00			
According to	o International Patent Classification (IPC) or to both national classif	fication and IPC			
	SEARCHED  currentation searched (classification system followed by classification system)	ation symbols)			
IPC 6		audri symbols)			
Documenta	tion searched other than minimum documentation to the extent tha	t such documents are included in the fields s	earched		
Electronic d	lata base consulted during the international search (name of data I	base and. where practical, search terms used	d)		
C. DOCUM	ENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		•		
Category °	Citation of document, with indication. where appropriate, of the	relevant passages	Relevant to claim No.		
X	SCHLUETER, C. ET AL: "The cell proliferation—associated antiger antibody Ki-67: A very large ubmuclear protein with numerous relements, representing new kind cycle—maintaining proteins"  J. CELL BIOL. (1993), 123(3), 5: XP000867381  cited in the application page 515, right—hand column, last paragraph page 520, left—hand column, last ———	iquitous epeated of cell 13-22 ,	1-12		
X Fun	ther documents are listed in the continuation of box C.	Patent family members are listed	in annex.		
"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)  "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed		or priority date and not in conflict with cited to understand the principle or the invention  "X" document of particular relevance; the cannot be considered novel or cannot involve an inventive step when the description of the cannot be considered to involve an indocument is combined with one or ments, such combination being obvious the art.	<ul> <li>"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone</li> <li>"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled</li> </ul>		
İ	actual completion of the international search	Date of mailing of the international se	earch report		
	21 January 2000	02/02/2000			
Name and	mailing address of the ISA  European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2  NL - 2280 HV Rijswijk  Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,	Andres S			

1

## INTERNA NAL SEARCH REPORT

tional Application No

		PCT/EP 99	7 0 3 4 3 1
	ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		In the state No.
Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages		Relevant to claim No.
X	MAESHIMA, YOHEI ET AL: "Antisense oligonucleotides to proliferating cell nuclear antigen and Ki-6 inhibit human mesangial cell proliferation" J. AM. SOC. NEPHROL. 7(10), 2219-2229, October 1996 (1996-10), XP000867392 abstract; figure 1		1-12
A	UHLMANN E ET AL: "ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES: A NEW THERAPEUTIC PRINCIPLE" CHEMICAL REVIEWS, vol. 90, no. 4, 1990, page 543-584 XP000141412 ISSN: 0009-2665 cited in the application		



International application No.

PCT/EP 99/03451

Box I	Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet)					
This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:						
1. <b>X</b>	Claims Nos.: because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:					
	Although claim no. 11 relates to a method for treating the human/animal body, the search was carried out and was based on the cited effects of the compound/composition.					
2.	Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:					
3.	Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).					
Box II	Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet)					
1.	As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.					
2.	As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.					
3.	As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:					
4.	No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:					
Remark	k on Protest  The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.  No protest accompanied the payment of additional search fees.					

THE PACE DE MINISTROY

A. KLASSII IPK 6	FIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES C12N15/11 A61K31/70 C07H21/0	0	
Nach der Int	ternationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klas	sifikation und der IPK	
	RCHIERTE GEBIETE		
Recherchier	ter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbol C12N A61K C07H	le )	
Recherchier	te aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, so	weit diese unter die recherchierten Gebiete	fallen
Während de	r internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Na	ame der Datenbank und evtl. verwendete S	Suchbegnffe)
C. ALS WE	SENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN		
Kategorie®	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe	der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
Х	SCHLUETER, C. ET AL: "The cell		1-12
	proliferation-associated antigen antibody Ki-67: A very large ubig		
	nuclear protein with numerous rep		
	elements, representing new kind o		
	cycle-maintaining proteins"	22	
	J. CELL BIOL. (1993), 123(3), 513 XP000867381	-22 ,	
	in der Anmeldung erwähnt		
	Seite 515, rechte Spalte, letzter		
	Seite 520, linke Spalte, letzter		
1			
}	·		
	tere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu nehmen	Siehe Anhang Patentfamilie	
	3.3	"T" Spätere Veröffentlichung, die nach dem oder dem Prioritätsdatum veröffentlicht	worden ist und mit der
abern	ntlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist	Anmeldung nicht kollidiert, sondern nu Erfindung zugrundeliegenden Prinzips	
	Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen idedatum veröffentlicht worden ist	Theorie ängegeben ist "X" Veröffentlichung von besonderer Bedeu	
1 scheir	entlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft er- nen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer	kann allein aufgrund dieser Veröffentlic erfinderischer Tätigkeit beruhend betra	chtet werden
3011 00	en im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden der die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie	"Y" Veröffentlichung von besonderer Bedeu kann nicht als auf erfinderischer Tätigk	itung; die beanspruchte Erfindung eit beruhend betrachtet
"O" Veröffe	əführl) entlichung, die sich auf eine mündliche. Offenbarung,	werden, wenn die Veröffentlichung mit Veröffentlichungen dieser Kategorie in	einer oder mehreren anderen Verbindung gebracht wird und
"P" Veröffe	Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht entlichung, die vor dem internationalen Anmeldedatum, aber nach beanspruchten Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist	diese Verbindung für einen Fachmann "&" Veröffentlichung, die Mitglied derselber	
	Abschlusses der internationalen Recherche	Absendedatum des internationalen Re	
2	21. Januar 2000	02/02/2000	
Name und	Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde	Bevollmächtigter Bediensteter	
1	Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk		
	Tel. (+31-70) 340-2040. Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	Andres, S	

1

0 (5 - 4 - 4		99/03451
C.(Fortsetz Kategorie <sup>c</sup>	ung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN  Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
X	MAESHIMA, YOHEI ET AL: "Antisense oligonucleotides to proliferating cell nuclear antigen and Ki-6 inhibit human mesangial cell proliferation" J. AM. SOC. NEPHROL. 7(10), 2219-2229, Oktober 1996 (1996-10), XP000867392 Zusammenfassung; Abbildung 1	1-12
A	UHLMANN E ET AL: "ANTISENSE OLIGONUCLEOTIDES: A NEW THERAPEUTIC PRINCIPLE" CHEMICAL REVIEWS, Bd. 90, Nr. 4, 1990, Seite 543-584 XP000141412 ISSN: 0009-2665 in der Anmeldung erwähnt	
	-	

1



## INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

...ternationales Aktenzeichen

PCT/EP 99/03451

Feld I E	Bemerkungen zu den Ansprüchen, die sich als nicht recherchierbar erwiesen haben (Fortsetzung von Punkt 2 auf Blatt 1)
Gemäß Ar	rtikel 17(2)a) wurde aus folgenden Gründen für bestimmte Ansprüche kein Recherchenbericht erstellt:
, v	Ansprüche Nr. veil sie sich auf Gegenstände beziehen, zu deren Recherche die Behörde nicht verpflichtet ist, nämlich Dbwohl Anspruch 11 sich auf ein Verfahren zur Behandlung des menslichen/ zierischen Körpers bezieht, wurde die Recherche durchgeführt und gründete sich auf die angeführten Wirkungen der Verbindung/Zusammensetzung.
\ \ \	Ansprüche Nr. veil sie sich auf Teile der internationalen Anmeldung beziehen, die den vorgeschriebenen Anforderungen so wenig entsprechen. laß eine sinnvolle internationale Recherche nicht durchgeführt werden kann, nämlich
	Ansprüche Nr. veil es sich dabei um abhängige Ansprüche handelt, die nicht entsprechend Satz 2 und 3 der Regel 6.4 a) abgefaßt sind.
Feld II	Bemerkungen bei mangelnder Einheitlichkeit der Erfindung (Fortsetzung von Punkt 3 auf Blatt 1)
Die interna	ationale Recherchenbehörde hat festgestellt, daß diese internationale Anmeldung mehrere Erfindungen enthält:
1.	Da der Anmelder alle erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser nternationale Recherchenbericht auf alle recherchierbaren Ansprüche.
2	Da für alle recherchierbaren Ansprüche die Recherche ohne einen Arbeitsaufwand durchgeführt werden konnte, der eine zusätzliche Recherchengebühr gerechtfertigt hätte, hat die Behörde nicht zur Zahlung einer solchen Gebühr aufgefordert.
Lir	Da der Anmelder nur einige der erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser nternationale Recherchenbericht nur auf die Ansprüche, für die Gebühren entrichtet worden sind, nämlich auf die Ansprüche Nr
— c	Der Anmelder hat die erforderlichen zusätzlichen Recherchengebühren nicht rechtzeitig entrichtet. Der internationale Recher- chenbericht beschränkt sich daher auf die in den Ansprüchen zuerst erwähnte Erfindung; diese ist in folgenden Ansprüchen er- aßt:
Bemerku	ngen hinsichtlich eines Widerspruchs  Die zusätzlichen Gebühren wurden vom Anmelder unter Widerspruch gezahlt.  Die Zahlung zusätzlicher Recherchengebühren erfolgte ohne Widerspruch.

THIS PACE BLANK USPO

WO 99/61607 PCT/EP99/03451

# <u>Antisense-Oligonukleotide zur Behandlung von</u> <u>proliferierenden Zellen</u>

Die Erfindung betrifft Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide, die sich zur Therapie von Krankheitszuständen eignen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen.

Als Antisense-Oligonukleotide werden Nukleinsäurefragmente bezeichnet, deren Sequenz komplementär zum kodierenden oder "Sense"-Strang der DNA oder einer Messenger-RNA (mRNA) ist und die somit in der Lage sind, spezifisch an diese komplementären Zielsequenzen zu binden (hybridisieren). Hierdurch ist eine selektive Beeinflussung zellulärer Prozesse möglich. Antisense-Oligonukleotide haben als Werkzeuge in der Forschung sowie als potentielle Mittel zur antiviralen und Tumortherapie Interesse gefunden (E. Uhlmann, A. Peyman, Chemical Reviews, 90 (1990) 544-584; S. Agrawal, TIBTECH 10 (1992) 152-158) und haben zum Teil bereits das Stadium der klinischen Forschung erreicht (M.D. Matteucci, R.W. Wagner, Nature 384 (196) 20-22).

Ki-67 ist ein zelluläres Protein, das in allen aktiven Phasen des Zellzyklus  $(G_1, S, G_2 \text{ und Mitose})$  nicht aber während der

Ruhephase  $(G_0)$  produziert wird. Die Ruhe- oder  $G_0$ -Phase beschreibt den Zustand, in dem die Teilungsaktivität der Zelle ruht, d.h die Zellen die aktiven Phasen des Zellzyklusses verlassen haben und sich nicht teilen. Ki-67 ist ein humanes, nukleäres Protein, dessen Expression streng mit der Zellproliferation assoziiert ist. Spezifische Antikörper gegen das Ki-67 Protein werden in der Histopathologie zur Bestimmung des Anteils wachsender Zellen in humanen Tumoren verwendet (J. Gerdes, Seminars in Cancer Biology 1 (1990) 199-206).

Es wurde zudem gezeigt, daß durch ein 21 Basen umfassendes Ki-67 Protein Antisense-2'-Desoxyoligonukleotid die Proliferation von humanen IM-9-Zellen konzentrationsabhängig inhibiert werden kann (C. Schlüter et al., The Journal of Cell Biology, 123 (1993) 513-522). Die vollständige Nukleotidsequenz der cDNA des Ki-67-Proteins sowie die abgeleitete Aminosäuresequenz sind bekannt (Schlüter et al., a.a.O.). Figur 1 (SEQ ID NO 1) zeigt den sense-Strang der Ki-67 cDNA.

Aufgabe der vorliegenden Erfindung ist die Bereitstellung von Antisense-Oligonukleotiden, die sich zur Therapie von Krankheitszuständen eignen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen. Beispiele solcher Krankheitszustände sind Tumoren, Allergien, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen und rheumatische Erkrankungen sowie die Unterdrückung von Abwehrreaktionen bei Transplantationen.

Diese Aufgabe wurde durch Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotide sowie deren physiologisch verträgliche Salze gelöst, die in der Lage sind, mit der für das Protein Ki-67 kodierenden mRNA zu hybridisieren.

Es wurde gefunden, daß die erfindungsgemäßen Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotide eine zytotoxische und nicht nur inhibierende Wirkung auf proliferierende Zellen wie beispielsweise Tumorzellen haben und den Tod der Zellen bewirken. Dieser Befund

ist insofern überraschend, als das Ki-67-Protein in nicht-proliferierenden Zellen nicht nachweisbar und somit für das Überleben der Zellen offensichtlich nicht erforderlich ist.

Bevorzugt sind Oligonukleotide, die bei 37 °C und bei physiologischer Salzkonzentration mit Ki-67 mRNA hybridisieren.

Besonders bevorzugt sind Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide und insbesondere Oligodesoxyribonukleotide, deren Sequenz zu
der in Figur 1 (SEQ ID NO: 1) gezeigten Nukleotidsequenz des
sense-Stranges der cDNA von Ki-67 komplementär ist, d.h. bei
einer Kettenlänge von 10 Basen maximal 0 bis 4, vorzugsweise 0
bis 2 und ganz besonders bevorzugt keine Fehlpaarungen (mismatches) aufweist.

Als besonders wirksam erwiesen sich weiterhin Oligoribo- und Oligodesoxyribonukleotide, die mit einer Nukleotidsequenz aus dem 5'-Bereich der Ki-67 mRNA hybridisieren, d.h. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotide, die zu dem 5'-Bereich der in Figur 1 gezeigten Sequenz, vorzugsweise zu einem Abschnitt aus dem Bereich von Position 197 bis 2673 oder 2673 bis 9962, besonders bevorzugt 197 bis 220 komplementär sind.

Die erfindungsgemäßen Oligonukleotide weisen vorzugsweise eine Kettenlänge von 12 bis 66 Nukleotiden, besonders bevorzugt 17 bis 46 und ganz besonders bevorzugt 22 bis 46 Nukleotiden auf.

Ganz besonders bevorzugt ist die Sequenz (SEQ ID NO: 3):

(5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT)

Unmodifizierte Oligonukleotide und insbesondere unmodifizierte Oligoribonukleotide sind in hohem Maße dem nukleolytischem Abbau unterworfen und weisen daher nur eine geringe Stabilität und biologische Halbwertszeit auf. Zur Verbesserung der Membrangängigkeit und zur Erhöhung der biologischen Halbwertszeit sind die

Basen, Zucker- und/oder Phosphatreste der erfindungsgemäßen Oligonukleotide vorzugsweise modifiziert.

Bevorzugt sind Oligonukleotide, bei denen eine oder mehrere Phosphatgruppen durch Phosphothioat-, Methylphosphonat-, Phosphoramidat-, Methylen(methylimino)- (MMI) und/oder Guanidingruppen ausgetauscht sind. Die Struktur dieser Gruppen ist in Figur 2 gezeigt. Besonders bevorzugt sind thiolierte Oligonukeotide, d.h. Oligonukleotide bei denen Phosphatgruppen durch Phospho-thioatgruppen ausgetauscht sind. Es können eine oder mehrere der Phosphatgruppen des Oligonukleotids modifiziert sein. Bei einer teilweisen Modifikation werden vorzugsweise endständige Gruppen modifiziert, Oligonukleotide bei denen alle Phosphatgruppen modifiziert sind, sind jedoch am meisten bevorzugt.

Bevorzugte Zuckermodifikationen umfassen den Austausch einer oder mehrerer Ribosereste des Oligonukleotids durch Hexose (Figur 2) oder durch Aminosäuren (Peptidnukleinsäure, PNA, Figur 2).

Modifikationen der Basen umfassen die Verwendung von 5-Propinyl-Uracyl, 5-Propinylcytosin und tricyclischen Cytosinanalogs Phenoxazin.

Die Synthese modifizierter Oligonukleotide sowie weitere geeignete Modifikationsmöglichkeiten sind in der Literatur beschrieben (vgl. beispielsweise E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.; M.D. Matteucci, R.W. Wagner, a.a.O.).

Darüber hinaus können die erfindungsgemäßen Oligonukleotide durch terminale 3'-3'- und/oder 5'-5'-Internukleotidbindungen gegen einen Abbau durch Exo-Nukleasen geschützt werden (H. Seliger et al., Nucleosides & Nucleotides 10 (1-3), 469-477 (1991)).

Ferner können die erfindungsgemäßen Oligonukleotide zusätzlich durch Gruppen substituiert sein, die die intrazelluläre Aufnahme begünstigen, die *in vivo* oder *in vitro* als Reportergruppen dienen, und/oder Gruppen, die bei der Hybridisierung des Oligoribonukleotids an die Ziel-RNA diese unter Bindung oder Spaltung angreifen.

Beispielhaft für Gruppen, die die intrazelluläre Aufnahme begünstigen, sind lipophile Reste wie Alkylreste, beispielsweise mit 1 bis 18 C-Atomen, Cholesteryl- oder Thiocholesterylgruppen (E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.) oder Konjugate, die natürliche Carriersysteme ausnutzen, wie z.B. Gallensäure oder Peptide für den entsprechenden Rezeptor (z.B. Rezeptor-vermittelte Endocytose).

Beispiele für Reportergruppen sind fluoreszierende Gruppen (z.B. Acridinyl-, Dansyl-, Fluorescinylgruppen) oder chemilumineszierende Gruppen wie z.B. Acridiniumester-Gruppen.

Beispiele für Oligonukleotid-Konjugate, die an Nukleinsäuren binden und/oder spalten, finden sich in E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.). Konjugatpartner sind unter anderem Acridin, Psolaren, Chlorethylaminoaryl, Phenanthredin, Azidophenacyl, Azidoproflavin, Phenazin, Phenanthrolin/Cu, Porphyrin/Fe, Benzo[e]pyridoindol, EDTA/Fe (Mergny et al., Science 256 (1992) 1681).

Die Darstellung der erfindungsgemäßen Oligonukleotide erfolgt auf an sich bekannte Weise (vgl. z.B. E. Uhlmann, A. Peyman, a.a.O.). Bevorzugt ist die Synthese an fester Phase unter Zuhilfenahme eines automatischen Synthesegeräts.

Zur Herstellung von Arzneimitteln werden die erfindungsgemäßen Oligonukleotide mit üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen kombiniert. Die Oligonukleotide eignen sich zur systemischen, lokalen, subkutanen, intrathekalen und topischen Anwendung und zur Applikation durch Einlauf. Hierzu

können sie gelöst in geeigneten Lösungsmitteln, vorzugsweise wäßrigen Lösungen, in Form von Liposomen, als Emulsion oder in fester Form, beispielsweise als Puder oder in mikroverkapselter Form vorliegen.

Die Menge der Oligonukleotide in den Arzneimitteln richtet sich nach der gewünschten Anwendung und wird vorzugsweise so eingestellt, daß eine Applikation von 0,001 bis 100 mg Oligonukleotid pro kg Körpergewicht, vorzugsweise 0,001 bis 10 mg/kg Körpergewicht, besonders bevorzugt 0,01 bis 3 mg/kg Körpergewicht erreicht wird. Die Behandlung erfolgt vorzugsweise durch wiederholte Anwendung über einen Zeitraum von einem Tag bis 6 Wochen, in einer Dosis von vorzugsweise 0,01 bis 3 mg/kg pro Tag.

Die erfindungsgemäßen Oligonukeotide eignen sich zur Behandlung von Krankheitszuständen, die mit einer erhöhten Zellproliferation einhergehen, insbesondere zur Behandlung von benignen und malignen Tumoren, wie Hodentumoren, Lymphomen, Magenkarzinomen, Blasenkarzinomen, Mammakarzinomen, Bronchialkarzinomen, Sarkomen, Nierenkarzinomen, Melanomen, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen und Abwehrreaktionen bei Transplantationen.

Ein besonderer Vorteil der erfindungsgemäßen Oligonukleotide ist darin zu sehen, daß sie die Behandlung von Tumoren erlauben, die gegen herkömmliche Chemotherapeutika resistent sind. Solche Resistenzen treten bei unspezifischen Zytostatika wie beispiels-weise Vinblastin oder Cisplatin entweder sekundär, d.h. nach mehrfacher Applikation auf, oder sind bei bestimmten Tumoren wie beispielsweise dem Nierenkarzinom bereits primär vorhanden.

Besonders überraschend war die Feststellung, daß die erfindungsgemäßen Oligonukleotide nicht nur das Wachstum von Zellen inhibieren, sondern auch eine cytotoxische Wirkung aufweisen, d.h. zum Absterben der behandelten Tumorzellen führen. Die zytotoxische Wirkung tritt im allgemeinen nach einer Behandlungszeit von etwa 5 bis 12 Tagen ein. Zur vollständigen Abtötung aller proliferierenden Zellen kann eine Behandlungszeit von einigen Wochen erforderlich sein, wobei die Behandlungszeit von Zeiträumen der Nichtbehandlung unterbrochen sein kann.

Im folgenden wird die Erfindung anhand von Ausführungsbeispielen näher erläutert.

### Beispiel 1

# Wirkung auf das Wachstums von RT4-Zellen im Multizellsphäroid-Test

Es wurde die Wirkung erfindungsgemäßer Oligonukleotide auf Blasenkarzinomzellen der Zell-Linie RT4 an Multizellsphäroiden untersucht und mit entsprechenden sense- und missense-Strängen als Kontrolle verglichen.

Hierzu wurden auf bekannte Weise (Uhlmann und Peyman, a.a.O) 2'-Desoxyoligonukleotide mit den folgenden Sequenzen hergestellt:

start-2-anti	5'-ACC	AGG	CGT	CTC	GTG	GGC	CAC	ΑT	
start-2-sense	5'-ATG	TGG	CCC	ACG	AGA	CGC	CTG	GT	
missense	5'-AGT	ACT	CAG	TAA	CGC	СТА	CGG	TAA	G

Alle Oligonukleotide wurden, wenn nicht anders angegeben, in thiolierter Form eingesetzt, d.h. ein Sauerstoffatom der Phosphorsäurereste war durch ein Schwefelatom ersetzt.

Gemäß der Methode von Carlsson & Yuhas (J. Carlsson und J.M. Yuhas, Liquid-overlay culture of cellular spheroids, Recent Results in Cancer Research 95; 1-23, 1984) wurden Multizellsphäroide der Zell-Linie RT-4 (ATCC Nr.: HTB2) hergestellt. Nach vier Tagen zeigten die Multizellsphäroide eine kugelige Morphologie mit einer ausgeprägten, scharfen Abgrenzung. Anschließend

wurden die RT4-Multizellsphäroide in Anwesenheit von 120  $\mu$ mol/l der jeweiligen Oligonukleotide in Kulturmedien bei 37 °C, 5 % CO<sub>2</sub> inkubiert und die Veränderung des Sphäroiddurchmessers gemessen. Die Oligonukleotide wurden direkt nach der Zeitspanne, die für das Entstehen der Sphäroide notwendig war, in das Medium gegeben. Als Negativkontrollen dienten zum einen eine Probe, der keine Oligonukleotide zugesetzt wurden (Kontrolle), zum anderen die Missense- und Sense-Oligonukleotidproben. Danach wurde der Durchmesser der Multizellsphäroide in Abständen von 2 Tagen gemessen. Pro Test wurden drei gleiche Ansätze untersucht und anschließend der Mittelwert gebildet. Die Ergebnisse sind in Figur 3 graphisch dargestellt.

In der Kontrolle wurde eine Zunahme des Sphäroiddurchmessers auf 132 % des Ausgangswertes beobachtet, während die Zugabe des thiolierten missense-Oligonukleotids einen Wachstumsstillstand bewirkte. Die Zugabe des sense-Oligodesoxynukleotids bewirkte eine geringfügige Verringerung des Sphäroiddurchmessers auf 90 %, während das Antisense-Oligonukleotid zu einer rapiden Abnahme des Sphäroiddurchmessers bis hin zur vollständigen Auflösung des Sphäroids am 12. Tag der Inkubation führte.

Nach der Co-Inkubation der Multizellsphäroide mit Oligonukleotiden wurden diese außerdem unter Zuhilfenahme von Fluoreszenzfarbstoffen in bezug auf ihre Vitalität geprüft. Die dazu verwendeten Farbstoffe waren Fluoreszein-markiertes Dinatriumacetat (FITC-FDA) und Propidium-Iodid (PI). Jedes Multizellsphäroid wurde mit 2  $\mu$ l FITC-FDA der Konzentration 1  $\mu$ mol/l für 20 Minuten und mit 10  $\mu$ l PI (Konzentration: 20  $\mu$ g/ml) für 10 Minuten inkubiert. Unter dem Fluoreszenzmikroskop erscheinen lebende Zellen durch die FITC-FDA-Färbung grün, tote Zellen durch die PI-Färbung rot. Es zeigte sich eine ausgeprägte zytotoxische Reaktion der untersuchten Zellen in der Antisense-behandelten Gruppe.

- 9 -

Die Ergebnisse zeigen, daß das erfindungsgemäße Antisense-Oligonukleotid für die getestete Tumorzellinie zytotoxisch ist und eine irreversible Zellschädigung bewirkt, die zum Tod der Zelle führt.

Um auszuschließen, daß das Lösungsmittel allein Einfluß auf das Wachstum besaß, wurden entsprechende Kontrollversuche mit dem Solvens durchgeführt (Solvent; es wurde nur das Lösungsmittel der Oligonukleotide, nicht jedoch die Oligonukeotide selbst zugesetzt), die zeigten, daß diese Einflußgröße zu vernachlässigen war (vgl. Figur 4).

## Beispiel 2

# Wirkung auf das Wachstums von RT4-Zellen bei Mikroinjektion

Es wurde die Wirkung der in Beispiel 1 genannten Oligonukleotide auf RT4-Zellen bei direkter Injektion der Verbindungen in die Zelle untersucht. Hierzu wurden die Oligonukleotide in unmodifizierter (nicht-thiolierter Form) eingesetzt. Durch diesen Test soll einerseits die Wirksamkeit unmodifizierter Oligonukleotide gezeigt und andererseits ausgeschlossen werden, daß eine unspezifische Bindung der Oligodesoxynukleotide an Zellmembranrezeptoren für die in Beispiel 1 beschriebenen Effekte verantwortlich ist.

RT4-Zellen wurden auf speziellen Deckgläsern (CELLocate  $^{\circledR}$ -Deckgläser, Fa. Eppendorf) ausgesät. Bei diesen Deckgläsern erleichtert ein in der Mitte eingeätztes Raster das Wiederfinden der injizierten Zellen. Vor der Aussaat der Zellen wurden die Deckgläser in Petrischalen mit einem Durchmesser von 3,5 cm plaziert und mit je l  $\mu$ l Fibronektin benetzt, das für ein besseres Anheften der Zellen sorgt. Pro Schale wurden dann 1.5  $\times$  10 $^5$  Zellen, die vorher mittels Trypsin gelöst worden waren, in 2,5 ml supp-

lierten RPMI 1640 Medium ausgesät und bei 37 °C über Nacht im Brutschrank kultiviert.

Die Mikroinjektion wurde mit Hilfe des Transjektors 5246 und des Mikromanipulators 5171 (Firma Eppendorf) unter lichtmikroskopischer Kontrolle durchgeführt (inverses Mikroskop Typ Leitz DMIL, Firma Leica). Die Mikroinjektionskapillaren wurden mit Hilfe von Mikroloader® Pipettenspitzen (Fa. Eppendorf) mit jeweils 2,0 µl Oligonukleotidlösung (Konzentration 120 µmol/l) befüllt. Die Konzentrationseinstellung erfolgte mit steril filtriertem phosphatgepufferter Salzlösung (phosphate buffered saline, PBS). Um die Durchlässigkeit der befüllten Kapillare zu überprüfen, wurde die Clean-Funktion des Transjektors unter mikroskopischer Kontrolle eingesetzt. Bei offener Kapillare war nach dem Eintauchen in das Kulturmedium ein gleichmäßiger Ausstrom an Injektionsflüssigkeit zu beobachten. Der Injektionsdruck wurde empirisch auf 130 hPa festgelegt und nach den ersten Injektionen so korrigiert, daß die Injektion zu einer deutlichen Größenzunahme der Zelle führte, ohne sie zu zerstören. Die Injektionszeit betrug zwischen 0,3 und 0,5 Sekunden.

Für zytoplasmatische Injektionen wurde die Kapillarspitze solange an das Zytoplasma herangeführt, bis ein druckbedingter Lichtreflex an der Zelle zu beobachten war. Dann wurde die Kapillare wieder um einige µm angehoben und mittels Knopfdruck die automatische Injektionsbewegung ausgelöst. Während der Injektion konnte das Injektionslimit in 0,14 µm Schritten nach oben oder unten korrigiert werden, so daß Unebenheiten des Zelluntergrundes ausgeglichen werden konnten. Für vergleichende Untersuchungen wurden Mikroinjektionskapillaren verwendet, die in einem Arbeitsgang gezogen wurden, um bei gleichen Injektionsparametern die ausströmende Flüssigkeitsmenge pro Injektion möglichst konstant zu halten. Dennoch variierte das initiierte Volumen von Zelle zu Zelle, da sich der Injektionsdruck- und damit die zu injizierende Lösung, je nach getroffenem Bereich besser oder schlechter ausbreiten konnte. Um die Auswirkungen von Auskühlung

und pH-Verschiebung des Kulturmediums auf das Wachstumsverhalten der Zellen zu minimieren, wurde die Gesamtinjektionszeit pro Zellkulturschälchen auf 15 Minuten beschränkt.

Die Ergebnisse des Tests sind in Fig. 5 graphisch dargestellt. Es zeigte sich, daß die Injektion von Antisense-Oligonukleotiden und nachfolgende 22stündiger Inkubationszeit zu einem Verlust der Adhäsion bei ca. 70 % der Zellen zur Folge hatte. Da nur lebende Zellen am Deckglas haften bleiben, ist dieses Ergebnis mit einem Absterben von 70 % der Zellen gleichzusetzen. Die Injektion des sense- oder missense-Oligonukleotids führte lediglich bei jeweils 30 % der Zellen und die alleinige Injektion des Lösungsmittels (PBS) bei 10 % der Zellen zum Adhäsionsverlust.

### Beispiel 3

## Wirkung auf das Wachstum von J82-Zellen

Analog zu Beispiel 1 wurde die Wirkung der Oligonukleotide auf die humane Blasentumorzellinie J82 untersucht. Das thiolierte Antisense-Oligonukleotid führte in einer Konzentration von  $120~\mu\text{mol/l}$  nach 11~Tagen zu einer Abnahme des Sphäroiddurchmessers um 20~%, während der Sphäroiddurchmesser der Kontrolle im gleichen Zeitraum um etwa 30~% zunahm (Fig. 6).

## Patentansprüche

- Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid, dadurch gekennzeichnet, daß es in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert sowie dessen physiologisch verträglichen Salze.
- Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß seine Nukleotidsequenz zu der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 3. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, daß seine Nukleotidsequenz zu dem Abschnitt von Position 197 bis 9962 der SEQ ID NO 1 komplementär ist.
- 4. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 3, dadurch gekennzeichnet, daß es 12 bis 66 Nukleotide enthält.
- 5. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 4, dadurch gekennzeichnet, daß es 17 bis 46 Nukleotide enthält.
- 6. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 5, dadurch gekennzeichnet, daß es die Sequenz (5'-ACC AGG CGT CTC GTG GGC CAC AT) aufweist.
- 7. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 6, dadurch gekennzeichnet, daß eine oder mehrere Phosphatgruppen durch Phosphothioat-, Methylphosphonat-, Phosphoramidat-, Methylen(methylimino)- und/oder Guanidingruppe(n) ausgetauscht sind.

- 8. Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotid nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch gekennzeichnet, daß es eine terminale 3'-3'- und/oder 5'-5'-Internukleotidverknüpfung aufweist.
- 9. Arzneimittel, gekennzeichnet durch einen Gehalt an einem Oligoribo- und/oder Oligodesoxyribonukleotid, das in der Lage ist, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder einem physiologisch verträglichen Salzes davon, neben üblichen Trägerstoffen, Hilfsmitteln und/oder Zusatzstoffen.
- 10. Arzneimittel gemäß Anspruch 9, dadurch gekennzeichnet, daß die Oligonukleotid-Menge so eingestellt ist, daß eine Applikation von 0,001 bis 100 mg/kg Körpergewicht erzielt wird.
- 11. Verwendung von Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotiden, die in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes davon zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen, Abwehrreaktionen nach Transplantationen.
- 12. Verwendung von Oligoribo- oder Oligodesoxyribonukleotiden, die in der Lage sind, mit der mRNA zu hybridisieren, die für das Protein Ki-67 kodiert, oder eines physiologisch verträglichen Salzes davon zur Herstellung eines Arzneimittels zur Behandlung von Tumoren, Autoimmunerkrankungen, Narbenbildung, Entzündungen, Allergien, rheumatischen Erkrankungen.

THIS PREE OLD WE USE OF

WO 99/61607 PCT/EP99/03451

#### 1/15

#### Figur 1

Vollständige Nukleotidsequenz der cDNA des Proteins Ki-67 sowie die davon abgeleitete Aminosäuresequenz des Proteins

CTACCGGGCGGAGGTGAGCGCGGCGCCGGCTCCTCCTGCGGCGACTTTGGGTGCGACTT	60
GACGAGCGGTGGTTCGACAAGTGGCCTTGCGGGCCGGATCGTCCCAGTGGAAGAGTTGTA	120
AATTTGCTTCTGGCCTTCCCCTACGGATTATACCTGGCCTTCCCCTACGGATTATACTCA [-DIRECT REPEAT BOX 1 -][-DIRECT REPEAT BOX 2 -]	180
ACTTACTGTTTAGAAAATGTGGCCCACGAGACGCCTGGTTACTATCAAAAGGAGCGGGGT	240
HWPTRRLVTIKRSGV	15
CGACGGTCCCCACTTTCCCCTGAGCCTCAGCACCTGCTTGTTTGGAAGGGGTATTGAATG	300
DGPHFPLSLSTCLFGRGIEC	35
TGACATCCGTATCCAGCTTCCTGTTGTGTCAAAACAACATTGCAAAATTGAAATCCATGA	360
DIRIQLPVVSKQHCKIEIHE	55
GCAGGAGGCAATATTACATAATTTCAGTTCCACAAATCCAACACAAGTAAATGGGTCTGT	420
Q E A I L H N F S S T N P T Q V N G S V	75
TATTGATGAGCCTGTACGGCTAAAACATGGAGATGTAATAACTATTATTGATCGTTCCTT	480
IDEPVRLKHGDVITIIDRSF	95
CAGGTATGAAAATGAAAGTCTTCAGAATGGAAGGAAGTCAACTGAATTTCCAAGAAAAAT	540
RYENESLQNGRKSTEFPRKI	115
ACGTGAACAGGAGCCAGCACGTCGTGTCTCAAGATCTAGCTTCTCTTCTGACCCTGATGA	600
REQEPARRVSRSSFSSDPDE	135
GAAAGCTCAAGATTCCAAGGCCTATTCAAAAATCACTGAAGGAAAAGTTTCAGGAAATCC	660
KAQDSKAYSKITEGKVSGNP BEGIN OF EXON 7 (EXCLUDED IN THE SHORT TYPE CDNA)>	155
TCAGGTACATATCAAGAATGTCAAAGAAGAAGACAGTACCGCAGATGACTCAAAAGACAGTGT	720
Q V H I K N V K E D S T A D D S K D S V	175
TGCTCAGGGAACAACTAATGTTCATTCCTCAGAACATGCTGGACGTAATGGCAGAAATGC	780
AQGTTNVHSSEHAGRNGRNA	195
AGCTGATCCCATTTCTGGGGATTTTAAAGAAATTTCCAGCGTTAAATTAGTGAGCCGTTA	840
ADPISGDFKEISSVKLVSRY	215
TGGAGAATTGAAGTCTGTTCCCACTACACAATGTCTTGACAATAGCAAAAAAAA	900
G E L K S V P T T Q C L D N S K K N E S	235
TCCCTTTTGGAAGCTTTATGAGTCAGTGAAGAAAGAGTTGGATGTAAAATCACAAAAAGA	960
PFWKLYESVKKELDVKSQKE	255
AAATGTCCTACAGTATTGTAGAAAATCTGGATTACAAACTGATTACGCAACAGAGAAAGA	1020
NVLQYCRKSGLQTDYATEKE	275
AAGTGCTGATGGTTTACAGGGGGAGACCCAACTGTTGGTCTCGCGTAAGTCAAGACCAAA	1080
SADGLQGETQLLVSRKSRPK	295
ATCTGGTGGGAGCGGCCACGCTGTGGCAGAGCCTGCTTCACCTGAACAAGAGCTTGACCA	1140
SGGSGHAVAEPASPEQELDQ	315
GAACAAGGGGAAGGGAAGACGTGGAGTCTGTTCAGACTCCCAGCAAGGCTGTGGGCGC	1200
N K G K G R D V E S V Q T P S K A V G A	335
CAGCTTTCCTCTCTATGAGCCGGCTAAAATGAAGACCCCTGTACAATATTCACAGCAACA	1260
CURCE TECT FOR THE TOTAL CONTRACTOR OF THE TOTAL CONTR	

THIS PAGE BLANK USPOI

#### Figur l (Fortsetzung)

AAA	TTC'	TCC.	ACA	AAA	ACA'	AAT	GAA	CAA	AGA	CCT	GTA	TAC	rac	TGG	TAG	AAG	AGA	ATC	TGT	1320
N	s	P	Q	ĸ	H	ĸ	N	ĸ	D	L	Y	T	T	G	R	R	E	s	V	375
GAA	TCT	GGG	TAA	AAG	TGA	AGG	CTT	CAA	GGC	TGG	TGA	TAA	AAC	TCT	TAC	TCC	CAG	GAA	GCT	1380
N												ĸ				P		K		395
TTC	AAC:	rag	AAA	TCG	AAC.	ACC.	AGC	TAA	AGT	TGA	AGA	TGC	AGC	TGA	CTC	TGC	CAC	TAA	GCC	1440
S			N									A						ĸ		415
AGA	AAA'	CT	CTC	TTC	CAA	AAC	CAG	AGG	AAG	TAT	TCC	TAC	AGA	TGT	GGA	AGI	TCT	GCC	TAC	1500
												T							Ť	435
GGA	AAC'	TGA	AAT	TCA	CAA	TGA	GCC	ATT	TTT	AAC	TCI	GTG	GCT	CAC	TCA	AGI	TGA	GAG	GAA	1560
E			I									W								455
GAT	CCA	AAA	GGA	TTC	CCT	CAG	CAA	GCC	TGA	GA.	ATI	'GGG	CAC	TAC	AGC	TGG	ACA	GAT	GTG	1620
I	Q	ĸ	D	S	L	s	K	P	E	ĸ	L	G	T	T	A	G	Q	M	С	475
ርሞር	ጥርር	ست	ארכ	TGG	יייריי	TAG	טידים:	AGT	TGA	TAT	'CAA	CAA	CTT	TGG	TGA	TTC	CAT	TAA	TGA	1680
												N							E	495
												END	OF	EX	ON	7 -		> ]		
GAG	TGA	GGG	AAT	ACC	TTT	GAA	AAG	AAG	GCG	TGI	GTC	CTT	TGG	TGG	GCA	CCI	'AAG	AČC	TGA	1740
S	_		I			۱ –				] N	UCI	F LEAR	TA	RGE	TIN	G S	EQU	ENC	E	515
ACT	ATT	TGA	TGA	AAA	CTT	GĊC	TCC	TAA	TAC	ĠCC	TCI	CAA	AAG	GGG	AGA	AGC	:ccc	AAC	CAA	1800
L	F	D	E	N	L	P	P	N	T	P	L	K	R	G	E	A	₽		K	535
AAG	AAA	GTC	TCI	GGT	'AAT	GCA	CAC	TCC	ACC	TGI	CCI	GAA	GAA	AAT	CAT	CAA	GGA	ACA	GCC	1860
R	K	s	L	v	M	H	T	P	P	v	L	K	K	I	I		E			555
[ -		BIP	ART	TE	NU	CLE	AR	TAF	GET	ING	SE	QUE	NCE		1					
TČA	ACC	ATC	AGG	AAA	ACA	AGA	GTC	AGG	TTC	AGA	<b>LAA</b> J	CCA	TGT	GGA	AGI	'GAA	LGGC	ACA		1920
												H							S	575
CTT	GGT	TAT	'AAG	ccc	TCC	AGC	TCC	TAG	TCC	TAG	GA	LAAC	TCC	AGT	TGC	CAG	TGA	TCA	ACG	1980
L	V	I	S	P	P	A	P	\$	P	R	K	T	P	<b>V</b> .	A	s	D	Q		595
CCG	TAG	GTC	CTG	CAA	LAAC	AGC	ccc	TGC	TTC	CAG	CAG	CAA	ATC	TCA	GAC	AGA	GGT	TCC	TAA	2040
R	R	S	C	ĸ	T	A	P	A	s	s	s	ĸ	s	Q	T	E	V	P	K	615
GAG	AGG	AGG	AGA	AAG	AGT	GGC	AAC	CTC	CCI	TCA	LAAJ	AGAG	AGT	GTC	TAT	CAC	CCG	AAG	TCA	2100
R			E.	R	v	A	T	С	L	Q	K	R	v	S	I	s	R	s	Q	635
ACA	TGA	TAI		'ACA	GAT	'GAT	ATO	TTC	CA	AAG	AAC	SAAG	TGG	TGC	TTC	GG	AGC	AAA	TCT	2160
H	D	I		0	À	I	С	s	K	R	R	s	G	A	s	E	A			655
				_																
												rtgg								2220
								0				G					Q	T	K	675
AGT	CAI	AAA	AC	TGG	TCC	TCA	AAC	GTO	CAAS	CGA	CA	AAAG	GCA	AAC	AAC	ACC	TGC	TAC	TCC	2280
v	I	K	H	G	P	Q	R	ร์	M	N	K	R	Q	R	R	P	A	T	P	695
AAZ	GAA	GCC	TG	rgga	CGA	AGT	TC	ACAG	STC	ATT	TAC	STAC	AGG	CCA	, ć G C	AA:	ACTO	TCC	TTG	2340
																3.7				716

THIS PACE BLANK USPIC

#### Figur 1 (Fortsetzung)

TAC	CAT	AAT	AAT	'AGG	GAA	AGC	TCA	TAC	TGA	LAAA	AGT	ACA	TGI	GCC	TGC	TCG	ACC	CTA	CAG	2400
T	I	I	I	G	X	A	H	T	E	K	V	H.	v	P	A	R	P	Y	R	735
AGT	GCT	CAA	CAA	CTI	CAT	TTC	CAA	CCA	AAA	AAT	GGA	CTI	TAA	GGA	AGA	TCT	TTC	AGG	AAT	2460
													K		D	L			I	755
								_					_		_	_	•		_	755
																CAC	ATG	TCA	CAT	2520
A	E	M	F	K	T	P	V	X	E	Q	P	Q	L	T	S	T	С	H	I	775
CGC	TAT	TTC	AAA	TTC	AGA	GAA	TTI	GCI	TGG	AAA	ACA	GTI	TCA	AGG	AAC	TGA	TTC	AGG	AGA	2580
																D		G	E	795
AGA	TACC	TCT	GCT	CCC	CAC	CTC	AGA	GAG	111	TGG	AGG	AAA	TGT	GIT	CTI	CAG	TGC		GAA	2640
E	₽_	L	L	. P	Ţ	S	E	_S		Ğ	G	N	V	F	F	s	A	Q	N	815
										.3 [										
TGC	AGC	AAA	ACA	.GCC	ATC	TGA	TAA.	ATG	CTC	TGC	AAG	CCC	TCC	CIT	AAG	ACG	GCA	GTG	TAT	2700
A	A	K	Q	₽	S	D	K	С	S	A	S	P	P	L	R	R	Q	C	I	835
TAG	AGA	AAA	TGG	AAA	CGT	'AGC	AAA	AAC	:GCC	CAG	GAA	CAC	CTA	CAA	AAT	GAC	TTC	TCT	CC 2	2760
														K				L		855
																			_	-
																TGT		CAG	GTC	2320
T	K	T	S	D	T	E	T	E	P	S	K	T	V	s	T	V	N	R	s	875
AGG	AAG	GTC	TAC	AGA	GTI	CAG	GAA	TAI	'ACA	GAA	GCT	ACC	TGT	GGA	AAG	TAA	GAG	TGA	AGA	2880
													v		s		s	E	E	895
AAC	AAA	TAC	AGA	AAT	TGT	TGA	GTG	CAT	CCI	'AAA	AAG	AGG	TCA	GAA	GGC	AAC	ACT	аст	202	2940
																T		L		915
													-						-	
																ATA		GGA	AAA	3000
Q	R	R	E	G	E	н	K	E	I	E	R	P	F	E	T	Y	K	E	Я	935
TAT	TGA	ATT	AAA	AGA	AAA	CGA	TGA	AAA	GAT	GAA	AGC	AAT	GAA	GAG	ATC	AAG	AAC	TTG	GGG	3060
																R				955
GC 2	CAN	ATG	TEC	1	"א מ ב	- ا	TY = 3		cac	, T C P	CCT	~ A A	GAG			TGA	T 2 C	3 ~ 3	<b>3</b> C T	3120
																D		AGA E		975
																		_	_	9/3
																TGC				3180
Н	K	D	T	A	R	G	Q	N .	L	L	Q	T	Q	D	H	A	K	A	P	995
AAA	GAG	TGA	GAA	AGG	CAA	AAT	CAC	TAA	AAT	GCC	CTG	CCA	GTC	ATT	ACA	ACC	AGA	ACC	AAT	3240
K	S	E	K	G	K	Ī	T	K	М	P	c	0	s	ī.	0	P	E	P	I	1015
				ſ-		> B	EGI	N C	F	Ki-	67	REP	EAT	" N	o 🚡		>	_		
AAA	CAC	ccc	AAC													AGT		TGT	GAA	3300
N	T	P	T	H	T	K	Q	Q	L	ĸ	A	s	L			v			x	1035
AGA	AGA	GCT	יככייי	אכר	'AGT	יריבי	CAB	بست	יכאר	. ארני	GAC	ינייר. ינייר	AGG	CC >	GAC	CAC	CC »	C 2 C	GC 3	3360
													G		T		GCA H		H	1055
															_	_		_	**	-
																TCC				3420
R	E	P	A	G	ם	G	K	S	I	R	T	F	ĸ	ĸ	S	7	K	0	T	1075

THIS PAGE BLANK USPIO

# Figur 1 (Fortsetzung)

CCT	GGA	CCC	AGC.	AGC	CCC.	TGT	AAC:	rgg.	VVI	BAAC	JAAC	a T. C.	عاتاه	AAG	AAC	CCC	TAA	3 G A	AGA	3480
L	D	P	A	A	R	V	T	Ģ	н	K	K	W	P	R	T	P	K	E	E	1095
_																				
GGC	~~ ×	~~~	3 ~ <del>~</del>		x ~ x			rcc	مكسلام	~ > > :	2626									3540
GGC	CCA	التات م	ALT.	AGA.	MGM		<del>.</del> .	-	-= -		NGA.	3010	'		3AC.	ACC.	AGG.		-10	
A 	Q	S	L	K	D	L	_ A.	G	r	K	E	٠.	F	Q	T	P	G	P	5	1115
		"Ki	-67	MO	TIF	_ N,	<b>1</b>										]			
TGA	GGA	ATC	AAT	GAC'	TGA'	TGA	GAA	AAC'	TAC	CAA	LAT	AGC	TG	CAA	ATC	TCC	ACC	ACC.	AGA	3600
		· · ·	м .	~~	D	<b>T</b>	Y	77	T	×	T	A	_	K	S	P	P	P		1135
4	£	3	л	-	ט	-	Α.				_ <b></b> .	<u>.</u>	,			· ·	ດ້າ	-		1133
						[-		> B	EGI	M O	F 1	77-6	<b>&gt;</b> / .	KEP.	LAI	N	° 2		>	
ATC	AGT	GGA	CAC	TCC.	AAC.	<b>AAG</b>	CAC	AAA	GCA.	ATG	GCC:	CAAC	GAG.	AAG:	ICI	CAG	GAAJ	AGC.	AGA	3660
S	v	D	T	P	T	s	T	K	0	W	P	ĸ	R	S	L	R	K	A	D	1155
_	•	_	_	_	_	_	_		_											
										. ~~						~ > >	AGC	~ . ~		3720
	AGA	GGA	AGA	ATT	CII.	MGC.	AC II	-NG	JAA	MC I	MAC.	4CC2	arc.	ngc.	<b>400</b>	GAA.	AGC	-41	3C 1	
V	E	E	E	F	L	A	L	R	K	L	T	P	S	A	G	K	A	M	L	1175
TAC	GCC	CAA	ACC	AGC	AGG	AGG'	TGA	TGA	GAA	AGA	CAT	CAA	AGC.	ATT	TAT	GGG	AAC:	rcc.	AGT	3780
																	T			1195
_	-		-	^	G	G	ט	-		ב	_			•	11	•	+	-	٧	1193
GCA	GAA	ACT	GGA	CCT	GGC	AGG.	AAC'	TTT	ACC	TGG	CAG	CAAJ	AAG.	ACA	GCT	ACA	GAC:	rcc.	IAA	3840
0	ĸ	ī.	D	I.	A	G	T	L	P	G	s	ĸ	R	0	L	0	T	P	ĸ	1215
-		_	_	_		-	_							_						
														~~~						
GGA	AAA	GGC	CCA	GGC	TCT	AGA	AGA	CCT	GGC	TGG	CIT	LAA	AGA	GCT	CTT	CCA	GAC'	rec	TGG	3900
E	K	A	Q	A	L	E	D	L	A	G	F	K	E	L	F	Q	T	₽	G	1235
					* K	i-6	7 H	OTI	F"	Nº :	2								1	
																	CTC			3960
103	CAC	COA	- COA	~; -	701	330	-50	-	7	- m		~	T			20.1	S	~~~	~~	1255
n	T	E	E	1	V	A	A	G	<b>Y</b>	<u> </u>		. <u>^</u>		<del>.</del>			_ 5	_ P	, Q	1235
								[ -		> B	EGI	N O		KI-	67	REP	EAT	_ N	3	
GTC	:AGA	CCC	AGT	GGA	CAC	CCC	AAC.	AAG	CAC	AAA	GCA	ACG	ACC	CAA	GAG	AAG	TAT	CAG	GAA	4020
																	I			1275
		-	•	_	-	-	_	_	_		-		_		•	_	_			
											~				. ma					4000
AGC	AGA	TGT	AGA	GGG	AGA	ACT	CTT	AGC	GTG	CAG	GAA	TCT	AAT	الالالا	ATC	AGC	AGG	LAA	AGC	4080
A	D	V	E	G	E	L	L	A	C	R	N	L	Н	₽	S	A	G	ĸ	Ä	1295
CAT	CCA	CAC	ecc	<b>TAA</b>	ACC	אדכ	ACT	166	TGA	AGA	GAA	AGA	CAT	CAT	CAT	ATT	TGT	GGG	244	4140
																	v			1315
T.	н	1.	P	Τ.	P	3	V	G	E	E.	Δ.	D	_	-	-	F	V	G	-	1313
TCC	AGT	GCA	GAA	ACT	'GGA	CCT	GAC	AGA	.GAA	CTT	AAC	CGG	CAG	CAA	GAG	ACG	GCC.	ACA	AAC	4200
P	v	O	ĸ	T.	D	T.	T	E	N	I.	T	G	S	ĸ	R	R	P	0	T	1335
-	•	¥		_		_	-	_	••	_	-		_							
																	ι –			
			LAGA	.GGC		GGC	TCT													
P	K																CTT			
		Ε	E	A	Q	A	L	E	D	L	T	G	F	K	E	L	F			
		_E	E	A	Q	A	L	E	D	L	T	G	F	K	E	L	F			4260 1355
CCC				A	Q	A	L K	E 1-6	D 7 M	L OTI	T F	G No :	F 3 -	K	E 	L 	F	Q	T 	1355
CCC	TGG	TCA	TAC	A TGA	Q AGA	A	L K AGT	E i-6	D 7 M TGC	L OTI TGG	T F CAA	G N° : AAC'	F 3 - TAC	K TAA	E AAT	L	F	Q CGA	T  ATC	1355 4320
P	TGG	TCA H	TAC	A TGA	Q LAGA E	A LAGO	L K AGT V	E i-6 ggc a	D 7 M TGC A	L OTI TGG	T F CAA K	G N° : AAC' T	F 3 - TAC	K TAA K	E  AAT M	L GCC P	F CTG C	Q CGA E	T  ATC S	1355 4320 1375
P	TGG G	TCA H	TAC	A TGA B	Q AGA E	A LAGC A	L KAGT	E i-6 ggc	D 7 M TGC A	L OTI TGG G	T F CAA K	G N° : AAC' T > B:	F TAC T EGI	K TAA K N O	E AAT M	L GCC P Ki-	F CTG C 67	Q CGA E REP	T ATC S EAT	1355 4320 1375
P	TGG G	TCA H	TAC	A TGA B	Q AGA E	A LAGC A	L KAGT	E i-6 ggc	D 7 M TGC A	L OTI TGG G	T F CAA K	G N° : AAC' T > B:	F TAC T EGI	K TAA K N O	E AAT M	L GCC P Ki-	F CTG C 67	Q CGA E REP	T ATC S EAT	1355 4320 1375
P	TGG G -]	TCA H	TAC T	TGA E,	Q AGA E	A LAGC A	L KAGT V	E i-6 GGC A	D 7 M TGC A	L TGG G G [-	T F CAA K CAC	G NO : AAC' T > B: AAG	F TAC T EGI AAG	K TAA K N O	AAT M F	GCC P Ki-	CTG C 67 GAC	Q CGA E REP ACC	T ATC S EAT'	1355 4320 1375 4380
P TTC S	G G -] CTCC	TCA H ACC	TAC T CAGA	A TGA E ATC	Q AGA E AGC	A LAGO A R RAGA	L *K *AGT V .CAC	E i-6 GGC A	D 7 M TGC A	L TGG G G [-	T F CAA K CAC	G NO : AAC' T > B: AAG	F TAC T EGI AAG	K TAA K N O	AAT M F	GCC P Ki-	CTG C 67 GAC	Q CGA E REP ACC	T ATC S EAT	1355 4320 1375 4380
TTC S N°	G G TCC	H ACC P	TAC TAGA EAGA	A TGA E ATC	Q LAGA E ; LAGC	A AGC A :AGA	L *K *KAGT V *CAC	E i-6 GGC A	D 57 M TGC A EAAC	L OTI G G [- ]	T CAA K CAC	G NO : AAC' T > B: AAG: R	F TAC T EGI AAG R	TAA K N O GCA	AAT M F GCC P	EGCC P Ki-	ECTG C 67 GAC	CGA E REP ACC P	T ATC S EAT' TTT	1355 4320 1375 4380 1395
TTC S N° GGI	TGG  TCG  P  AGA	ACC P	TAGA	A E E ATC S	Q LAGA E LAGC A	A LAGC A LAGA D	L AGT V CAC	E i - 6 GGC A CCC P	D TGC A CAAC T	L OTI G G -] - SAAG	T CAA K CAC T	G AAC T > B AAG R GAA	F TAC T EGI AAG R	TAA K N O GCA Q	AAT M F GCC P	L GCC P Ki- CAA K	ECTG C 67 GAC T	Q CGA E REP ACC P	T ATC S EAT' TTT L	1355 4320 1375 4380 1395
TTC S N° GGI	TGG  TCG  P  AGA	ACC P	TAGA	A E E ATC S	Q LAGA E LAGC A	A LAGC A LAGA D	L AGT V CAC	E i - 6 GGC A CCC P	D TGC A CAAC T	L OTI G G -] - SAAG	T CAA K CAC T	G AAC T > B AAG R GAA	F TAC T EGI AAG R	TAA K N O GCA Q	AAT M F GCC P	L GCC P Ki- CAA K	ECTG C 67 GAC T	Q CGA E REP ACC P	T ATC S EAT' TTT L	1355 4320 1375 4380 1395
TTC S N° GGI	TGG  TCG  P  AGA	ACC P	TAGA	A E E ATC S	Q LAGA E LAGC A	A LAGC A LAGA D	L AGT V CAC	E i - 6 GGC A CCC P	D TGC A CAAC T	L OTI G G -] - SAAG	T CAA K CAC T	G AAC T > B AAG R GAA	F TAC T EGI AAG R	TAA K N O GCA Q	AAT M F GCC P	L GCC P Ki- CAA K	ECTG C 67 GAC T	Q CGA E REP ACC P	T ATC S EAT' TTT L	1355 4320 1375 4380 1395
TTC S N° GGI	G G -] ETCC P 4 AGAN	AAAG	TAGA E S GGA	A TGA E ATC S	AGA E AGC A	A LAGO A LAGA D LGAA	L AGT V CAC T AGGA	E GGC A CCC P	D STGC A CAAC T	L TGG G [- AAG S AGC	T F CAA K CAC T	G AAC' T > B AAG R GAA	F TAC T EGI AAG R GAA	TAA K N O GCA Q .GCT	AAT H GCC P	EGCC P Ki- CAA K	ECTG C 67 GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC	T ATC S EAT' TTT L AGG	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415
P TTC S NO GGI E	TGG G TCG P 4 AGAN	ACC P	TAGA E SGGA D	A E A TO	AGA E AGA CACA Q	A LAGC A CAGA D LGAA K	L KAGT	E i-6 GGC A CCC P	D ST M STGC A SAAC T CTC S	L TGG G [- SAAG SAGC	T CAA K CAC T CCT L	G N° : AAC' > B: AAG. R GAA K	F TAC T EGI AAG R GAA K	K TAA K N O GCA Q GCT L	AAT M GCC P CAC	L GCC P Ki- CAA K	ECTG C 67 GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC S	TAG	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415
P TTC S NO GGI E	TGG G TCG P 4 AGAN	ACC P	TAGA E SGGA D	A E A TO	AGA E AGA CACA Q	A LAGC A CAGA D LGAA K	L KAGT	E i-6 GGC A CCC P	D ST M STGC A SAAC T CTC S	L TGG G [- SAAG SAGC	T CAA K CAC T CCT L	G N° : AAC' > B: AAG. R GAA K	F TAC T EGI AAG R GAA K	K TAA K N O GCA Q GCT L	AAT M GCC P CAC	L GCC P Ki- CAA K	ECTG C 67 GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC S	T ATC S EAT' TTT L AGG	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415
TTC S N° GGI E GGI	TGG  F  AGAI  AAAG  T	AACO P AAAC R	TAC TESSEGGA DCACA	A E E ATC S CGT V	Q EAGC A CACA Q CAGA	A CAGAA	L KAGT	E GGC A CCC P GCT L	D STGC A CAAC T CCTC S	L TGG G [- :AAG S AGG G	T FCAA K CAC T CCT L	G N°; AAC' > B; AAG. R GAA K .GGA	F TAC T EGI AAG R GAA K	TAA K N O GCA Q .GCT L	AAT M F GCC P CAC	L GCC P Ki- CAA K ACA Q	F CTG C 67 GAC T GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC S	TAGG	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TTC S N° GGI E GGI	TGG  F  AGAI  AAAG  T	AACO P AAAC R	TAC TESSEGGA DCACA	A E E ATC S CGT V	Q EAGC A CACA Q CAGA	A CAGAA	L KAGT	E GGC A CCC P GCT L	D STGC A CAAC T CCTC S	L TGG G [- :AAG S AGG G	T FCAA K CAC T CCT L	G N°; AAC' > B; AAG. R GAA K .GGA	F TAC T EGI AAG R GAA K	TAA K N O GCA Q .GCT L	AAT M F GCC P CAC	L GCC P Ki- CAA K ACA Q	F CTG C 67 GAC T GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC S	TAGG	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TTO S NO GGI	TGG F AGAI K AAAC	EACO P LAAO R CCAO	EACA	A E A C A C A C A C A C A C A C A C A C	AGA	A CTAA	L KAGT	E CCC	D 57 M CTGC A CAAC T CCTC S CAGG	L TGG TGG (- SAAG SAGG	T CAA K CAC T CCT L CTGA	G AAG K GAA GGA	F TAC T EGI AAG R GAA K TAA	K TAA K N O GCA Q GCT L AAG	E AAT M GCC P CAC T	EGCC P Ki- CAA K CACA Q CAA	F CTG C 67 GAC T GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC S GTT F	ATC S EAT' TTT L AGG G TAG	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TTO S NO GGI	TGG F AGAI K AAAC	EACO P LAAO R CCAO	EACA	A E A C A C A C A C A C A C A C A C A C	AGA	A CTAA	L KAGT	E CCC	D 57 M CTGC A CAAC T CCTC S CAGG	L TGG TGG (- SAAG SAGG	T CAA K CAC T CCT L CTGA	G AAG K GAA GGA	F TAC T EGI AAG R GAA K TAA	K TAA K N O GCA Q GCT L AAG	E AAT M GCC P CAC T	EGCC P Ki- CAA K CACA Q CAA	F CTG C 67 GAC T GAC T	Q CGA E REP ACC P ATC S GTT F	ATC S EAT TTT L AGG G TAG R .CCC	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TTC S NO GGI E GGI E	TGG F AGAI  AAAC T	AACC P AACC R CCAC T	AGA SGGA H CAA:	A E A C A C A C A C A C A C A C A C A C	AGALAGA	A CTAR	L T K CAC	E i-6 GGC A CCCC P GCT L CCCC P ACCC	D 37 M CTGC A CAAC T CCTC S CAGC A	L OTI G G EAAG S A CAGC A	T FCAA KCAC T CCT L STGA E	G AAC'  AAG  AAG  GAA  GGA  CGA  TU	F TAC T EGI AAG R AAC T AAC T AAC	K TAA K N O GCA Q GCT L AAG S TGG	E AAT H GCC P CAC T CAT I S	EGCC P Ki- CAA K ACA Q CAA N	ECTG C 67 GAC T GAC T ACGC A	CGA E REP ACC P ATC S GTT F	TATC S EAT TTT L AGG G TAG R .CCC P [-	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TTC S NO GGI E GGI E	TGG F AGAI  AAAC T	AACC P AACC R CCAC T	AGA SGGA H CAA:	A E A C A C A C A C A C A C A C A C A C	AGALAGA	A CTAR	L T K CAC	E i-6 GGC A CCCC P GCT L CCCC P ACCC	D 37 M CTGC A CAAC T CCTC S CAGC A	L OTI G G EAAG S A CAGC A	T FCAA KCAC T CCT L STGA E	G AAC'  AAG  AAG  GAA  GGA  CGA  TU	F TAC T EGI AAG R AAC T AAC T AAC	K TAA K N O GCA Q GCT L AAG S TGG	E AAT H GCC P CAC T CAT I S	EGCC P Ki- CAA K ACA Q CAA N	ECTG C 67 GAC T GAC T ACGC A	CGA E REP ACC P ATC S GTT F	TATC S EAT TTT L AGG G TAG R .CCC P [-	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435
TTC S NO GGI E GGI E	TGG  TCG  AGAI  AAAG  T	TOACCAC	EAAL	A CACACALANA CACACACALANA CACACACALANA CACACACACACALANA CACACACACACACACACACACACACACACACACACA	Q EAGA	A CTAA	L KAGT	E i-6 GGC A CCCC P GCT L CCCC P	D 57 M TTGC A LAAC T CCTC S G G LAGG A	L TGG G [- AAG A AAGA	T F* CAAA K CCAC T CCCT L CCCT L	G NO C AAC T AAAG R R GAA T T T T T T T T T T T T T T T T T T	F TAC	K TAA K N O O GCA Q GCT L AAG S TTGG	E AAT M FFGCC P CAC T CAT I S GAF	L GCC P Ki- CAA K LACA Q CCAA N K	F CTG C 67 GAC T A CGC A	Q CGA E REPPACC P ATC S GTT F GCA H	TATC S EAT TTT L AGG G TAG R .CCC P [-	1355 4320 1375 4380 1395 4440 1415 4500 1435 4560 1455

AND SOLVE SO

### Figur 1 (Fortsetzung)

									GAC											4680
T	P	V	C	T	D	K	P	T	T	H	E	ĸ	T	T	K	I	λ	C	R	1495
											۱ –		> B	EGI	N O	r ·	Ki-	67		
ATC	ACA.	ÁCC.	AGA	ccc	AGT	GGA	CAC	ACC											TCT	4740
S	0	P	ח	<b>D</b>	v	ח	T	P	T		5	K	ם	0	٠	Y	פר		L	1515
REP	ቸልጥ	້ນ	ວັς	<u>-</u>	>	_	•	-	-	•	_	••	•	×	•	•	•	•		1313
						202			CTT	~~~		~~~	~	. ~~	~					
																				4800
R																₽	5	A	G	1535
									GET											
CAA	AGC	CAT	GCA	CAC.	ACC	CAA	ACC.	AGC	AGT	AAG	TGG	TGA	GAA	AAA	CAT	CTA	CGC	ATT	TAT	4860
K	λ	ж	Ħ	T	P	K	P	A	V.	S	G	E	K	N	I	Y	A	F	H	1555
GGG	AAC'	TCC.	AGT	GCA	SAA	ACT	GGA	CCT	GAC	AGA	GAA	CTT	AAC'	rgg	CAG	CAA	GAG	ACG	GCT	4920
									T										ī.	1575
•	-	_	•	_		_	_		_	_	•		_	_	_		••	••	Ī-	
	* * *	T	T 3 3 4	- A - D			~~ a	ccc	TCT	n C n	3 C 3	~~ <del>~</del>	ece:	rcc	_	<b>~</b> ~ ~	3 ( 3		~	4000
																				4980
Q	T	P	K	4	V.	A	Q	. А "	L.	_=_			- A	G	E	Y	E	T	r	1595
									7 H											
									LAAT											5040
Q	T	R	G	H	T	K	K	S	M	T	N	D	K	T	A	K	V	A	C	1615
			1						M			[ -		> B	EGI	N O	f •	Xi-	67	
									AAA											5100
ĸ	S	s	0	P	D	L	D	K	N	P	A	S	S	ĸ	R	R	L	ĸ	T	1635
REP	EAT	* N	∘ ີ ∈		>	_	_			_			_			•			_	
ATC	CCT	ece.	<b>633</b>	ACT		CCT	2 h h	363	AGA	CCT	CCT	acc	ACT	rcci	c a a	CCT	C 3 C	3/73	GAC	5160
									E											1655
3	1	G	V	٧	G	٧	~	2	4	1	14	^	٧	G	~	-	1	Q	1	1 622
									AGA											5220
s	G	E	T	T	H	T	H	T	E	P	T	G	D	G	K	S	М	X	A	1675
ATT	TAT	GGA	GTC	TCC.	AAA	GCA	GAT	CTI	AGA	CTC	AGC	AGC	AAG'	TCT.	AAC	TGG	CAG	CAA	GAG	5280
F	М	E	S	P	K	Q	I	L	D	S	A	A	s	L	T	G	S	ĸ	R	1695
						_														
GCA	GCT	GAG	AAC	TCC	TAA	GGG.	AAA	GTC	TGA	AGT	ccc	TGA	AGA	CCT	GGC	CGG	CTT	CAT	CGA	5340
									E											1715
~	7-		_	-		•		••:	67	WO	m T S		ິ້ເ		^	•	•	-	5	1/13
~~~									GGA											E 4 0 0
																				5400
						H	T	K	E	5	М	T	N	ĸ	K	T_	T	K	V	1735
																	EGI			
									'AGT											5460
S	Y	R	A	S	Q	P	D	I,	v	D	T	P	T	S	S	X	P	Q	P	1755
*Ki	-67	RE	PEA	T i	No .	7		>												
CAA	GAG	AAG	TCT	CAG	GAA	AGC.	λGA	CAC	TGA	AGA	AGA	ATT	TTT.	AGC.	ATT	TAG	GAA	ACA	AAC	5520
									E											1775
••	• `	_	_	••	••		_	-	_		_	•	_		-		••	*	-	
ccc	3 m/	200	»cc	~ * *	300	<b>س</b> د ب	~~×	C> C	. 3	~ 3 3	300	אכר	3 GT	s Ger	د تابل	103	GBB	203	CAT	5580
																				1795
r	3	A	9	*	A	M	n,	. Ι	P	V	7	A	٧	3	=	Δ	V	ע	<b>T</b>	7/33
																			CAG	5640
3.7	77	7	7	~	•	Ð	47	$\sim$	v	T	Τ.	$\sim$	70	C	M	7	73	_		1915

WHE ORCH OLD WE LIST OF

# Figur 1 (Fortsetzung)

CAA	TAG	ACG							AAA											5700
N	R	R	L	Q	T	R	X	E	K	A	Q	A	L	E	E	L	T	G	F	1835
			f -							"Ki-	-67	MO	TIF	" N'	7					
CAG	363	CCT	<del></del>	CC3	GAC	a c c	A TC	~ > ~	TGA'	TAAC	-66	-10	AGC'	TGA	TGA	CAA	220	<b>-2</b>	~ a a	5760
CAG	'AGA	<u>.                                    </u>		CCA	JAC.	ACC.	7.0	CAC m	-01		7		2		. <del>.</del>	~	~~~.	EAC.	-~~	
								T	a	24	P.,	1	A	ט	=		T.	T	K	1855
															[-		> B	<b>ZGI</b>	H	
AAA	AAT	ACT	CTG	CAA	ATC	TCC	GCA	ATC	AGA	CCC	AGC	GGA!	CAC	CCC.	AAC.	AAA	CAC.	AAA	<b>GCA</b>	5820
									ם											1875
	"Ki		~~	~~.	~ *	ō	, <b>*</b>			•		_	-	_	_	••	-	••	~	10/5
OF	Kı	-6/	RE	PEA	<u></u>	N -	<b>-</b>		<i>-</i>											
									AGA											5880
R	P	K	R	s	L	K	K	A	D	v	E	E	E	F	L	A	F	R	K	1895
3.00		3.00	2 700	* ~~	3.00	C 3 3	3.00	C 3 T	GCA	~ > ~ (		T 3 3	360	360	ACT	NGG	TC 3	8686	CAA	5940
L	T	P	5	A	G	K	A	M	H	T	P	K	A	A	V	G	K	.5	K	1915
AGA	CAT	CAA	CAC	ATT	TGT	GGG	GAC	TCC	AGT	GGA	GAA	ACT	GGA	CCT	GCT	AGG.	AAA	TTT.	ACC	6000
	I								V											1935
ט	-	f.a	_	E	٧	G	-	-	•	-				_		J	74		-	1933
TGG	CAG	CAA	GAG	ACG	GCC	ACA	AAC	TCC	TAA	<b>AGA</b>	AAA	GGC	CAA	GGC	TCT	AGA	AGA'	rct	GGC	6060
G	s	x	R	R	P	0	T	P	K	E	ĸ	A	K	A	L	E	D	L	Α	1955
•	_	••	••		-	-	_					"Ki	-67	MO	ייד אר די די די	= "u	ວ ໘			
					!_						 -:-	~~~	-01	100						
TGG	CTT	CAA	AGA	GCI	CTT	CCA	GAC	ACC	AGG	TCA	CAC	TGA	CCA	ATC	AAT	GAC				6120
G	F	ĸ	E	L	F	Q	T	P	G	H	T	K	K	S	M	T	D	D	K	1975
																		ſ -	>	
3 3 7		3.03	3.07	3 mc	-	C 3 3	3 770	<b>~~</b> ~	ÁCA	ACC	263	ccc	AGT	CAA	110	~~~	220	sic	CTC	6180
WVI	CAC	AGA	AG I	MIC.	1 6	~~~	~		ACA	ACC.	~~	~~	77	~~	~		<i>-</i>	~~		
I	T	K	V	5	C	K	S	ב	Q	ע	ט	2	•		T	P	T	>	5	1995
BEG	IN	OF	*Ki	67	RE	PEA	T	No	9 -	:	>									
CAA	<b>IGCA</b>	ACG	ACT	CAA	GAT	ATC	CTI	'GGG	GAA	AGT.	AGG	TGT	GAA	AGA	AGA	GGT	CCT	ACC.	AGT	6240
Y	0	Ð	₹.	K	т	S	T.	G	ĸ	v	G	v	K	E	E	v	T.	P	v	2015
	¥		_	10	-		_	_	••	•	_	•	••	_	_	•	_	-	•	
CGG	CAA	GCI	CAC	ACA:	GAC	GTC	AGG	GAA	GAC	CAC	ACA	GAC	ACA	CAG	AGA	GAC	AGC.	AGG.	AGA	6300
G	ĸ	L	T	Q	T	s	G	ĸ	T	T	Q	T	H	R	E	T	A	G	D	2035
				_																
mc c	-333	C30	C 3 T		300	CTT.	T 3 3	GGS	ATC	TCC	2 2 2	GC 3	CAT	CCT	GGA	ccc	360		2 بترت	6360
160	3 M.M.H	CAC	CAL		MGC	. G . L		-	MIC	100	~~~		<u> </u>		202		700	~~~		
G	K	5	I	K	A	F	K	E	S	A	K	Q	м	مذ	ט	2	A	N	¥	2055
TGG	SAAC	TGG	GAI	GGA	GAG	GTG	GCC	AAC	AAC	ACC	TAA	GGA	AGA	GGC	CCA	ATC	ACT	AGA	AGA	6420
6	T)	G	¥	F	ъ	<b></b>	70	R	T	P	K	R	R	Δ	0	S	Ť.	ĸ	D	2075
•	_	G	A	2	K	**	-		T	-	•	_	:		vo		– .,	ວ້າ	_	20.5
							į -						Y.7	-0/	MO	1111	N	- 9		
CCI	recc	CGG	CTI	CAP	LAGA	\GCI		CC	GAC	ACC	AGA	CCA	CAC	TGA	GGA	ATC	AAC	AAC	TGA	6480
L	A	G	F	K	E	L	F	Q	T	P	D	H	T	E	E	S	T	T	D	2095
									LATO			300	363	N.T.C	2 2 7		C3C	<del>~</del> ~~	220	6540
TGA	ACA	MAC	TAC	محب	MA.	AGC		3 C.A.	wic		ACC	ACC	AGA	AIC	~~;	GGA	CAC	100		
D	K	T	T	K	I	A	C	K	s	P	P	P	15	5	M	D	T	₽	T	2115
ſ-							67	D 127												
•		.> 1	BEGI	N C	)F	KI-	.0,	KE	PEAT	'- N	0 1	0 -		>						
A A C		-> E	BEGI	מו כ	OF CCC	-בא גמס:	AAC	REI	PEAT TTTT	GGG	O 1	O -		> Tat	AGT	'GGA	AGA	GCT	CTC	6600
	GCAC	AAC	GAC	GCC	GCC	CAA	AAC	CACC	TTI	'GGG	GAA	AAG	GGA	TAT						
	GCAC	AAC	GAC	GCC	GCC	CAA	AAC	CACC	TTI	'GGG	GAA	AAG	GGA	TAT					CTC S	6600 2135
s	GCAC T	R R	GAC R	GCC R	GCC P	CAA K	T	P	TTI L	GGG G	gaa K	AAG R	GGA D	TAT I	V	E	E	L	S	2135
S AG	CCC1	R R	GAG R	GCC R	GGCC P	CAA K	T GA	P	TTT L L	GGG G LCAC	GAA K AGA	AAG R .CAA	GGA D AGT	TAT I	V :AGG	E Baga	e Ltga	L .GGA	S	2135
S AG	CCC1	R R	GAG R	GCC R	GGCC P	CAA K	T GA	P	TTT L L	GGG G LCAC	GAA K AGA	AAG R .CAA	GGA D AGT	TAT I	V :AGG	E Baga	e Ltga	L .GGA	S	2135
S AG	CCC1	R R	GAG R	GCC R	GGCC P	CAA K	T GA	P	TTT L L	GGG G LCAC	GAA K AGA	AAG R .CAA	GGA D AGT	TAT I	V :AGG	E Baga	e Ltga	L .GGA	S	2135
S AGO A	SCAC T CCC1	R R GAI	R R AGC!	GCC R AGCT L	GCC P CCAC T	K.S. K.S. Q.	T GAC	P CAC	L CACA H	GGG G ACAC T	KAD K AGA D	AAG R CAA K	GGA D AGT V	TAT I ACC P	V :AGG G	E AGA D	E LTGA E	L GGA D	S TAA K	2135 6660 2155
AGO A	SCAC T CCC1 L	R R IGAI K	R R AGC! Q	GCC R AGCT L	GGCC P CCAC T	CAACA CACA Q	IAAC T IGAC T	EACO P ECAC T	L L CACA H	GGGG G LCAC T	KAGA KAGA D	AAG R CAA K ACT	GGA D AGT V	TAT I P CCC	V :AGG G :AGC	E AGA D AGC	E LTGA E :AAG	L GGA D	S TAA K 'AAC	2135 6660 2155 6720
AGO A	SCAC T CCC1 L	R R IGAI K	R R AGC! Q	GCC R AGCT L	GGCC P CCAC T	CAACA CACA Q	IAAC T IGAC T	EACO P ECAC T	L L CACA H	GGGG G LCAC T	KAGA KAGA D	AAG R CAA K ACT	GGA D AGT V	TAT I P CCC	V :AGG G :AGC	E AGA D AGC	E LTGA E :AAG	L GGA D	S TAA K 'AAC	2135 6660 2155 6720
AGO A	SCAC T CCC1 L	R R IGAI K	R R AGC! Q	GCC R AGCT L	GGCC P CCAC T	CAACA CACA Q	IAAC T IGAC T	EACO P ECAC T	L L CACA H	GGGG G LCAC T	KAGA KAGA D	AAG R CAA K ACT	GGA D AGT V	TAT I P CCC	V :AGG G :AGC	E AGA D AGC	E LTGA E :AAG	L GGA D	S TAA K	2135 6660 2155 6720
AGO A AGO G	GCAC T CCC1 L GCA1	R R TGAI K TCAI	GAG R AGC! Q ACG!	GCC R AGCT L TGTT	GGCC P CCAC T CAC	KACI KACI Q Q GGGI	LAAC T T LAAC T	CACC P CCAC T CTGC	L CACA H CAAA	CACA T	GAA K AGA D AGAA K	AAG R ACAA K ACT L	AGTA D AGT V V	TAT I P CCC P	V :AGG G :AGC A	B BAGA D BAGO A	E ATGA B CAAG	L GGA D TGT V	S TAA K 'AAC T	2135 6660 2155 6720 2175
AGG A AGG G	GCAC  GCAC  GTAC	CAAC R CGAI K CCAI N	GAG	GCC R AGCT L TGTT F	GGCC P CCAC T CAC R	KADI KI Q Q EGGI B	LAAC T LGAC T LAAC T	EACO P ECAC T ETGC	L CACA  AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	GGGG G LCAC T LACA Q	GAA K AGA D AGAJ K	AAG R ACAA K L ACT L	AGTA   TAT I P CCC P	V G G A A CCT	E JAGA D CAGO A	E ATGA B CAAG S AAGA	L GGA D TGT V	S TAA K TAAC T	2135 6660 2155 6720 2175	
AGG A AGG G	GCAC T CCC1 L GCA1	CAAC R CGAI K CCAI N	GAG	GCC R AGCT L TGTT F	GGCC P TCAC TCAC R	CAACA CACA Q GGGA E CAAC	AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	CACC P CCAC T CTCC A	L CACA H CAAA K CTAA	CAC T LACA Q LACA Q	GAA K AGA D GAJ K	AAG R ACAA K LACT L	AGD AGT V AGD AGD:	ACCO	V :AGG :AGC :AGC :A	E AGA D AGA A	E ATGA B CAAG AAGA	L GGA D TGT V	S TAA K AAC T	2135 6660 2155 6720 2175
AGG A AGG G TGG	SCAC T CCC1 L GCA1 I GTAC	CAAC R CGAI K CCAI N SCAI	AGAG	GCC R AGCT L TGTT F GCC Q	GGCC P CCAC T CAC R AGCC	CAACA CACA Q GGGA B CAAC	LAAC T LAAC T EAAC	EACO T CTGC A	EACA H CAAA K CTAA	CAC T LACA Q LGGG	GAA K AGA D AGAA K	AAG R ACAA K ACT L AGG A Ki-	AGT V CGA D CCA	TAT I P CCC P LACC	V SAGO SAGO A SCCT	E AGA A A A A	E ATGA B AAGA AAGA	L GGA D TGT V .CTT	S TAA K AAC T GGC A	2135 6660 2155 6720 2175 6780 2195
AGG A AGG G TGG	CCC1  CCC1  CCC1  GCA1  GTA1  STA1	CAAC R CAAC N CAAC K	AGAC	GCC R AGCT F GCC AGCT	GGCC T TCAC R AGCC	CAACA CACA Q GGGA E CAAC R	LAAC T LAAC T EAAC T	EACO T CTGC A CTCC P	L CACA  H CAAA  K CTAA	CACACACACACACACACACACACACACACACACACACA	GAA K D GAA K K GAA	AAG R ACAA K LACT L LAGO A Ki-	AGT V CGA CCA	TAT  ACC  P  ACC  P  ACC  P  ACC  ACC  A	V SAGG SAGG A SCCT L SCAG	EAGA	E ATGA E AAGA LAGA LAGA IO 1	L GGA D TGT V .CTT	TAA K TAAC T GGC A	2135 6660 2155 6720 2175 6780 2195
AGG A AGG G TGG	CCC1  CCC1  CCC1  GCA1  GTA1  STA1	CAAC R CAAC N CAAC K	AGAC	GCC R AGCT F GCC AGCT	GGCC T TCAC R AGCC	CAACA CACA Q GGGA E CAAC R	LAAC T LAAC T EAAC T	EACO T CTGC A CTCC P	L CACA  H CAAA  K CTAA	CACACACACACACACACACACACACACACACACACACA	GAA K D GAA K K GAA	AAG R ACAA K LACT L LAGO A Ki-	AGT V CGA CCA	TAT  ACC  P  ACC  P  ACC  P  ACC  ACC  A	V SAGG SAGG A SCCT L SCAG	EAGA	E ATGA E AAGA LAGA LAGA IO 1	L GGA D TGT V .CTT	TAA K TAAC T GGC A	2135 6660 2155 6720 2175 6780 2195
AGG A AGG G TGG	CCC1  CCC1  CCC1  GCA1  GTA1  STA1	CAAC R CAAC N CAAC K	AGAC	GCC R AGCT F GCC AGCT	GGCC T TCAC R AGCC	EACA Q EGGA B EAAC R	LAAC T LAAC T EAAC T	EACO P ECAC T ETCO A ETCO P EACO	L CACA  H CAAA  K CTAA	CACACACACACACACACACACACACACACACACACACA	GAA K D GAA K K GAA	AAG R ACAA K LACT L LAGO A Ki-	AGT V CGA CCA	TAT  ACC  P  ACC  P  ACC  P  ACC  ACC  A	V SAGG SAGG A SCCT L SCAG	EAGA	E ATGA S AAGA D I 1 1 ETCA H	L GGA TGT V CTT L CGA	TAA K TAAC T GGC A	2135 6660 2155 6720 2175 6780 2195 6840 2215

THIS PACE BLANK USPIO

#### Figur 1 (Fortsetzung)

AACTACCAAAATAGCCTGCAGATCTCCACAACCAGACCCAGTGGGTACCCCAACAATCTT	6900
TTKIACRSPOPDPVGTPTIF	2235
BEGIN OF "Ki-67 REPEAT" Nº 11> -	
CAAGCCACAGTCCAAGAAGTCTCAGGAAAGCAGACGTAGAGGAAGAATCCTTAGCACT	6960
K P Q S K R S L R K A D V E E E S L A L	2255
[BIPARTITE NUCLEAR TARGETING	
CAGGAAACGAACACCATCAGTAGGGÀAAGCTATGGACACACCCAAACCAGCAGGAGGTGA	7020
RKRTPSVGKAHDTPKPAGGD	2275
SEQUENCE-]	
TGÁGAAAGAČATGAAAGCATTTATGGGAACTCCAGTGCAGAAATTGGACCTGCCAGGAAA	7080
EKDHKAFHGTPVQKLDLPGH	2295
TTTACCTGGCAGCAAAAGATGGCCACAAACTCCTAAGGAAAAGGCCCAGGCTCTAGAAGA	7140
LPGSKRWPQTPKEKAQALED	2315
[K1-6/ MOTIF N 11	
CCTGGCTGGCTTCAAAGAGCTCTTCCAGACACCAGGCACTGACAAGCCCACGACTGATGA	7200
LAGFKELFQTPGTDKPTTDE	2335
GAAAACTACCAAAATAGCCTGCAAATCTCCACAACCAGACCCAGTGGACACCCCAGCAAG	7260
K T T K I A C K S P O P D P V D T P A S	2355
[> BEGIN OF "Ki-67 REPEAT" No 12>	
CACAAAGCAACGGCCCAAGAGAAACCTCAGGAAAGCAGACGTAGAGGAAGAATTTTTAGC	7320
TKORPKRNLRKADVESEFLA	2375
[BIPARTITE NUCLEAR TARGETING	
ACTCAGGAAACGAACACCATCAGCAGGCAAAGCCATGGACACCCCAAAACCAGCAGTAAG	7380
LRKRTPSAGKAHDTPKPAVS	2395
SEQUENCE]	
TGATGAGAAAAATATCAACACATTTGTGGAAACTCCAGTGCAGAAACTGGACCTGCTAGG	7440
DEKNINTFVETPVQKLDLLG	2415
	7500
AAATTTACCTGGCAGCAAGAGACAGCCACAGACTCCTAAGGAAAAAGGCTGAGGCTCTAGA	7500 2435
N L P G S K R Q P Q T P K S K A S A L S	7500 2435
N L P G S K R Q P Q T P K S K A S A L S [ "Ki-67 MOTIF" N° 12	2435
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E [ "Ki-67 MOTIF" N° 12 GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC	2435 7560
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S H T	2435 7560 2455 7620 2475 7680
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [ "Ki-67 MOTIF" N° 12  GGACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC  D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535
N L P G S X R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980 2595
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  GACCTGGTTGGCTTCAAAGAACTCTTCCAGACACCAGGTCACACTGAGGAATCAATGAC D L V G F K E L F Q T P G H T E E S M T  TGATGACAAAATCACAGAAGTATCCTGTAAATCTCCACAGGCCAGAGTCATTCAAAAACCTC D D K I T E V S C K S P Q P E S F K T S  [> BEGIN OF "Ki-67 REPEAT" N° 13>  AAGAAGCTCCAAGCAAAGGCTCAAGATACCCCTGGTGAAAGTGGACATGAAAGAAGCC R S S K Q R L K I P L V K V D M K E E P  CCTAGCAGTCAGCAAGGCTCACACGGACATCAGGGGGAGACTACGCAAACACACAGAGCC L A V S K L T R T S G E T T Q T H T E P  AACAGGAGATAGTAAGAGCATCAAAGCGTTTAAGGAGTCTCCAAAGCAGAACACACAGAGCC T G D S K S I K A F K E S P K Q I L D P  AGCAGCAAGTGTAACTGGTAGCAGGAGGCAGCTGAGAACTCCTAAGGAAAAAGGCCCGTGC A A S V T G S R R Q L R T R K E K A R A  TCTAGAAGACCTGGTTGACTTCAAAGAGCTCTTCACACAGGAACACACAGAGTC L E D L V D F K E L F S A P G H T E E S  "Ki-67 MOTIF" N° 13	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980 2595
N L P G S K R Q P Q T P K E K A E A L E  [	2435 7560 2455 7620 2475 7680 2495 7740 2515 7800 2535 7860 2555 7920 2575 7980 2595

THIS PACE BLANK USPIO!

#### Figur 1 (Fortsetzung)

						GCT														8100
L	8	λ	V	E	R	L	T	Q	T	5	G	Q	S	T	H	T	H	X	E	2635
ACC	AGC	AAG	CGG	TGA	TGA	rece	CAT	CAA	AGI	ATI	'GAA	.GCA	ACG	TGC	AAA	GAA	GAA	ACC	AAA	8160
						G													N	2655
_												-				B			_	
	AGT	aca	AGA	GGA	ACC	:CAG	CIG	CAC	244	ccc	' A A G	160	200	TA 1						8220
200		aua T	7	7	20	S		one G	- TO	200	~~	70-C	ACC D		*	Y	× ×		77	2675
NUC	LEA	r T	ARG	ETI	NG	SEQ	JEN	CE-		.1[-										20/3
CCT	GGA	AGA	CCT	YGGC	CGG	CII	CAC	AGA	CCT	عبيت	TGA	110	ATC	AGG	TCA	CAC	TCA	GG A	ATC	8280
7.	T.	ח	7.	À	6	Ţ.	T	T.	T.	5	T.	*	~~~	 	น	T		7	S	2695
	•=:	. 57	- W		٠. ٠	F 10 1	, -			-	-	•		, "		*	¥	₩	3	2055
		mcc	- AC	<b>'</b>	100	CYC						\ mc					٠	~~		0346
																				8340
L	T	A	G	K	. A	T	. K	_I_	P	C		5	. P	`₽	_ 1	E	V	V	D	2715
						EGI														
CAC	CAC	AGC	AAG	CAC	AA	GAG	GCA	TCI	CAG	GAC	:ACG	TGT	GCA	GAA	GGT	'YCY	AGT	AAA	AGA	8400
T	T	A	S	T	K	R	H	L	R	T	R	V	Q	K	V	Q	V	x	E	2735
			3.00		~~.	GTT	~ . ~							<b>~</b> ~ ~				٠.,		0466
								_												8460
£	2	5	•	V	K	F	T	Q	T	5	G	E	T	T	B	A	D	K	Ľ	2755
ACC	AGC	AGG	TGA	AGA	TAR	AGG	CAT	CAA	AGC	ATI	GAA	GGA	ATC	TGC	AAA	ACA	GAC	ACC	GGC	8520
P	A	G	E	D	ĸ	G	I	K	A	L	K	K	S	A	K	Q	T	P	A	2775
#CC	acc	»ec	A A G	7427	יא אי	TGG	C ) C	CAG	C N G	200		336	»cc	3.00	CAG	cc »	N N C	TOO	CCX	8580
						G														2795
	^	^	3	٧	1	G	3	л	ж	Д	-		A	-	л	E	2	A	Q	2/93
						TGG:														8640
A	I.	_ E	D	T.	A	G I <sup>o</sup> 1	F	K	D	P	A	A	, G	H	T	K	K	S	H	2815
	- T			1115		TAA	<del>.</del>						]		100					8700
GAC	TON	TON		MAC.	CAL	TAA	AAT	ACC	CIG		LATC	ATC	ACC	nga —	ACI	AGA	AGA —	CAC	CGC	
T	ע	ם	v	_ <b>T</b> _	T	K	_ <u> </u>	٠,	2	_ K	_ S		<u>ر</u> ۲	.5	T	_ <u>K</u>	D	T	A	2835
						O K														
						GCC														8760
T	S	S	K	R	R	P	R	T	R	A	Q	K	V	E	V	K	E	E	L	2855
GTT	AGC	AGT	TGG	CAA	CCT	CAC	202	220		AGC	cca	CAC	C & C	CCA	CAC	CGA	~ A A	AGA	GCC	8820
						T													P	2875
	_	•	G	Δ.	**		¥	•	3	G	E.	_	-	п	_	ע	v	E	r	2012
GGT	,y CC	TCA	ccc	.c. a a	ACC	CAC	CAA	» cc	ب ا	אידיי א פ	CCA	200	TCC		ece	CAA	CCT	cc x	cec	8880
٧	G	Ł	G	7	G	T		^	F	V	Q	*	A							2895
																			LEAR	
						CAG														8940
E	D	V	I	G	5	R	R	Q	₽	R	A	P	K	E	K	A	Q	P	L	2915
TAK	GET	TNG	SE	QUE	NCI	:			-][-											
GGA	<b>J</b> GA	CCI	GGC	:CAG	CI	CCA.	AGA	GCI	CIC	TC		CACC	AGG	CCA	CAC	TGA	.GGA	ACT	GGC	9000
E	D	L	A	S	F	Q	E	L	S	Q	T	P	G	H	T	E	E	L	A	2935
	"Ki	-67	HC	TIF		Q 1°1	6 -						3							
AAA	TGG	TGC	TGC	TGA	TAG	CTT	TAC	AAG	CGC	TCC	:AAA	GCA	ÃAC	ACC	TGA	CAG	TGG	AAA	ACC	9060
						F														2955
		1 8	ND	OF	• K	L-67	RE	PEI	T"	No	16	-	_	_	_	_	-		-	

THIS PACE BLANK USPID!

### Figur 1 (Fortsetzung)

TCT.	w	MT.	ATC	CAG.	AAG.	AGT	CT	TCG	GGC	CCC.	TXX.	AGT.	<b>NGA</b>	ACC	CĢI	GGG.	<b>AGA</b>	CGT	GGT	9120
L	K	I	5	R	R	V	L	R	٨	P	X	V	E	P	V	G	D	V	V	2975
AAG	CAC	E A G	AGA(	ccc	TGT	ندد	ATC	ACA	AAG		<b>AA</b> G	دعما	CXC.	TTC	CCT	GCC	CCC.	ACT	GCC	9180
g	T	R	ם	P	v	K	ß	0	5	ĸ	8	М	T	S	L	P	P	L	P	2995
CII	CAA	GAG	GGG.	<b>XGG</b>	TGG	CAA	AGA	TGG	<b>AA</b> G	CGT	CAC	GGG.	AAC	CAA	GAG	GCT	CCG	CTG	CAT	9240
F	ĸ	R	G	G	G	K	D	G	S	V	I	G	T	X	Ŗ	L	R	C	М	3015
	{ -·		BIP.	art	ITE	NU	CLE	<b>A</b> R	TAR	get	ING	SE	QUE	NCE		1				
GCC	AĞC.	ACC.	<b>XGX</b>	GGA	AAT	IGI	GGA	GGA	GCT	GCC	AGC	CAG	CXY	GAA	GCX	GAG	GGT	IGC	TCC	9300
	A																	[-		3035
CAG	GGC.	NG	AGG	CAA	ATC	ATC	CGA	ACC	CGT	GGT	CAI	CAT	GAA	GAG	AAG	III	GAG	GÀC	TIC	9360
R	λ	R	G	K	8	S	K	P	V	V	I	H	K	R	S	L	R	T	S	3055
						] ]	IP/	GTP	-BI	וסא	ЯG	HOT	IF	<b>A</b> (	P-L	∞P	)			
TGC	XXX	AAG	<b>W</b> I	TGA	ACC	TGC	GGA	YCY	CT	<b>GYY</b>	CAG	CYY	CCY	CAT	GAA	عيد		CXX	AGA	9420
	K																			3075
GGA	ACA	CAA	ATT	<b>XCX</b>	AGA	CTC	GGT	200	TGA	ممد	AAT.	GGG	AAT	ATC	CCT	GCG	CTC	CAG	ACG	9480
E	H	K	L	Q	D	s	V	P	E	М	K	G	I	S	L	R	S	R	R	3095
		EN	D 0	FI	HE	LAR	GE	EXC	IN L	.3 →		. ]								
CCA	AGA	TAA	GAC	TGA	GGC	:AGA	スこス	GCA	LAI	AAC	TGA	GGT	CII	TGT	YII	XGC	YCY	AAG	AAT	9540
Q	D	x	T	E	λ	K	0	Q	I	T	E	V	F	V	L	λ	K	R	I	3115
AGA	AAT	ندد	CAG	***	TGA	س	لدي	GCC	CAI	CAN	GAC	CTC	ccc	AGA	GAT	GGA	CAT	TCA	GAA	9600
E	I	Н	R	H	X	K	K	P	H	K	T	S	P	E	H	Đ	I	Q	H	3135
TCC	:AGA	TGA	TGG	AGC	:ccg	GAA	ACC	CAI	CACC	TAG	λGλ	CAA	AGT	CAC	TGA	مدى	CAA	AAG	GTG	9660
P	ם	ם	G	A	R	x	7	Ī	P	R	D	K	V	T	- 🗷	Ж	X	R	C	3155
					ſ.		RII	PART	ri wa	NU	icl.	LAR	TAR	:GZI	ING	52	CUE	אכז		
CIT	:GAG	GTC	TGC	TAG	LŻA:	GA	TG	GAC	CTC	CC2	GCC	TAA	GGT	GGC	LAGA	GGA	GAG	CGG	AGG	9720
L	R	3	λ	R	Q	H	Z	S	s	Q	2	x	V	A	E	Z	S	G	G	3175
ĞC.	<b>IGAA</b>	GAG	TGC	:GAJ	LGG1	TC:	CAT	rgc;	<b>S</b> GA	LTCJ	GAJ	LAGG	GAA	AGG	AGA	AGC	:AGG	W	LIC	9780
Q	ĸ	S	A	ĸ	v	L	H	Q	H	Q	x	G	ĸ	G	K	λ	G	N	S	3195
AG.	ACTO	CAT	GTO	cci	CGAC	ATC	: 330	ندد	AGAC	ىدد:	LA.	KDD:	GCC	TGC	:AGC	:XXC	CAC	TI	:GGA	9840
ם	5	н	С	L	R	S	R	K	T	ĸ	S	Q	P	A	À	\$	T	L	E	3215
GAG	-C L 3	A TY	-767	دحر :		3361	72.20	ccc	GAC	TG	יכא	AGAG	GTG	TGC	:AGZ	w	TCC	:للد:	<b>IGAA</b>	9900
S	K	···s	v	Q	R	v	T	R	s	V	ĸ	R	C	λ	K	Н	P	K	ĸ	3235
cci	-TG1	احدا		N TOTAL	7	-TT	~~ x	AGA	111	TAAG	CAAC	CAC	SAAG	TC	TAC	GGJ	CAC	TG	<b>LAGA</b>	9960
3	Z L G.F	ת	H	. v	Ċ	v.	X	K	I	T	T	R	s	н	R	D	s	Z	D	3255
TA	rrrc	:AC	AGA.	AAA	ATC	GAAG	TG	GGA.	AAA.	ATA:	CAA:	LAA	AGT	'AG1		CGTC	LTA	LAG:	TTCT	10020
Ţ	• • • •												-							3256
•	•					 														
						1.44														
							• :													

THIS PAGE BILANK USPIO



# Figur 1 (Fortsetzung)

AGTGCAGTTTTTGTCATAAATTACAAGTGAATTCTGTAAGTAA	10080
AGGGAAGAAACTTTGGATTTGCTGGGTCTGAATCGGCTTCATAAACTCCACTGGGAGCA	10140
	10200
	10260
	10320
	10380
	10440
	10500
	10560
	10620
	10680
GAATCTCAGGGTCCCAGGCTGTGGGCCATCACGACCTCAAACTGGCTCCTAATCTCCAGC	10740
	10800
	10860
	10920
	10980
GACTTGTAGATATAACTCGTTCATCTTCATTTACTTTCCACTTTGCCCCCTGTCCTCTCT	11040
	11100
	11160
CAAAATGTGCCCTGTGCGGGCAGTGCCCTGTCTCCACGTTTGTTT	
GGGAGCCAGGTGACATCATAAATACTTGCTGAATGAATGCAGAAATCAGCGGTACTGACT	11280
TOTACIAINI TOTAL CONTINUOUS TOTAL CONTINUOUS	11340
ATGACATTCTGCTTGAGGGAGGGAATAGAAAGGGGCAGGGAGGG	11400
ACAGGGCTGCAAAGGGTACAGGGATTGCACCAGGGCAGAACAGGGGAGGGTGTTCAAGGA	11460
AGAGTGGCTCTTAGCAGAGGCACTTTGGAAGGTGTGAGGCATAAATGCTTCCTTC	11520
VOCCIWCCICIPRESTATIONICALISTATI	11580
OUCT THE THE THE CHANGE OF THE PROPERTY OF THE	11640
GTGGAATATTCTGTTTAGTAGAAAAATCCTTTAGAGTTCAGCTCTAACCAGAAATCTTGC	11700
TGAAGTATGTCAGCACCTTTTCTCACCCTGGTAAGTACAGTATTTCAAGAGCACGCTAAG	11760
GGTGGTTTCATTTTACAGGGCTGTTGATGATGGGTTAAAAATGTTCATTTAAGGGCTAC	11820
CCCCGTGTTTAATAGATGAACACCACTTCTACACAACCCTCCTTGGTACTGGGGAGGGA	11880
GAGATCTGACAAATACTGCCCATTCCCCTAGGCTGACTGGATTTGAGAACAAATACCCAC	11940
CCATTTCCACCATGGTATGGTAACTTCTCTGAGCTTCAGTTTCCAAGTGAATTTCCATGT	12000
AATAGGACATTCCCATTAAATACAAGCTGTTTTTACTTTTTCGCCTCCCAGGGCCTGTGC	12060
GATCTGGTCCCCCAGCCTCTCTTGGGCTTTCTTACACTAACTCTGTACCTACC	12120
GCCTCCCTTAGGCAGGCACCTCCAACCACCACACACTCCCTGCTGTTTTTCCCTGCCTG	12180
ACTITCCCACCAGCCCCACCAAGATCATTTCATCCAGTCCTGAGCTCAGCTTAAGGGAGG	12240
CTTCTTQCCTQTCCCTCVCCCCCCCCTTTTTTTTTTTTT	12300
GITIGCCIQQUVIIGITCIGITCCICITITCINGONGO INGIGITATICICITE CONTRACTOR OF THE CONTRACTOR	12360
WITTOWGITTCIAGCTCCTCCTCCTCCTCCTTCTTTTTTTTTTTTT	12420
GTATTTCCTGGTTACTGTATCCCAGTGACCAGCCACAGGAGATGTCCAATAAAGTATGTG	12480
	17493

THIS PACE BLANK USPION

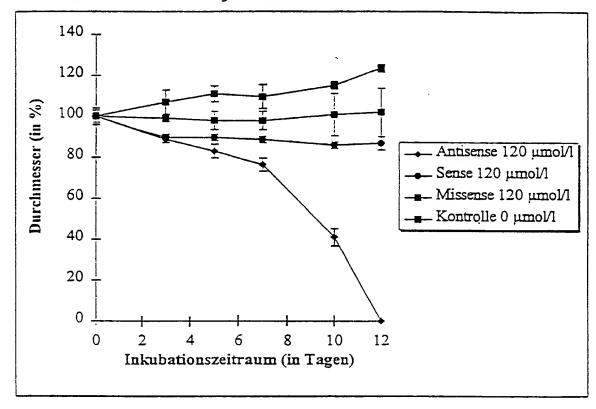
### Figur 2

Struktur zucker- und phosphatmodifizierter Oligonukleotide

THIS PACE BLANK USPO

Figur 3

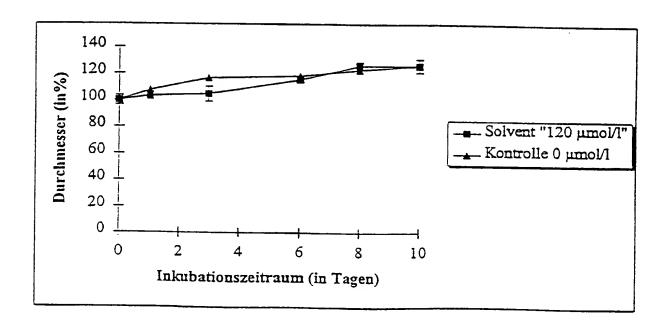
Einfluß von Oligonukleotiden auf RT4 Zellen



THIS PACE BLANK USPION

Figur 4

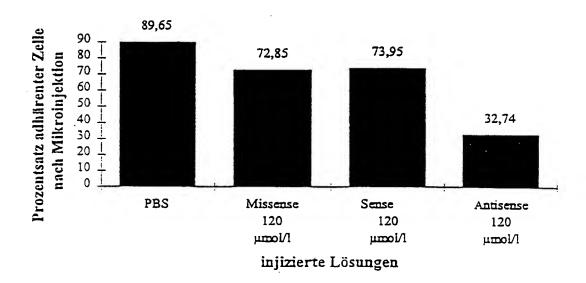
Einfluß des Lösungsmittels auf RT4 Zellen (Negativkontrolle)



THE TREETE BLENK USPIO

Figur 5

# Einfluß von Oligonukleotiden auf RT4 Zellen bei Mikroinjektion

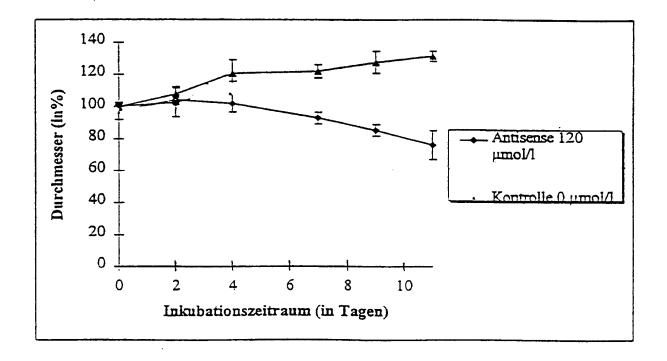


THIS PACE BLANK USPO

15/15

Figur 6

Einfluß von Oligonukleotiden auf J82 Zellen



THIS PACE BLANK USPO

#### SEQUENZPROTOKOLL

(1)	ALLGEMEINE	ANGABEN:
-----	------------	----------

_			
(i)	ANI	MEL.	DER:

- (A) NAME: Forschungszentrum Borstel
- (B) STRASSE: Parkallee 1-40
- (C) ORT: Borstel
- (D) BUNDESLAND: Schleswig-Holstein
- (E) LAND: Deutschland
- (F) POSTLEITZAHL: D 23845
- (ii) BEZEICHNUNG DER ERFINDUNG: Antisense-Oligonukleotide zur Behandlung von proliferierenden Zellen
- (iii) ANZAHL DER SEQUENZEN: 3
- (iv) COMPUTER-LESBARE FASSUNG:
  - (A) DATENTRÄGER: Floppy disk
  - (B) COMPUTER: IBM PC compatible
  - (C) BETRIEBSSYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
  - (D) SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version #1.30 (EPA)

#### (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 1:

- (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
  - (A) LÄNGE: 12493 Basenpaare
  - (B) ART: Nucleotid
  - (C) STRANGFORM: Doppelstrang
  - (D) TOPOLOGIE: linear
- (ii) ART DES MOLEKÜLS: cDNS
- (ix) MERKMAL:
  - (A) NAME/SCHLÜSSEL: CDS
  - (B) LAGE: 197..9964
- (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 1:

CTACCGGGCG	GAGGTGAGCG	CGGCGCCGGC	TCCTCCTGCG	GCGGACTTTG	GGTGCGACTT	60
GACGAGCGGT	GGTTCGACAA	GTGGCCTTGC	GGGCCGGATC	GTCCCAGTGG	AAGAGTTGTA	120
AATTTGCTTC	TGGCCTTCCC	CTACGGATTA	TACCTGGCCT	TCCCCTACGG	ATTATACTCA	180
ACTTACTGTT	TAGAAA ATG	TGG CCC ACC	G AGA CGC C	TG GTT ACT	ATC AAA	229

ACTTACTGTT TAGAAA ATG TGG CCC ACG AGA CGC CTG GTT ACT ATC AAA 229

Met Trp Pro Thr Arg Arg Leu Val Thr Ile Lys

1 10

AGG AGC GGG GTC GAC GGT CCC CAC TTT CCC CTG AGC CTC AGC ACC TGC

Arg Ser Gly Val Asp Gly Pro His Phe Pro Leu Ser Leu Ser Thr Cys

277

287

298

299

297

TTG TTT GGA AGG GGT ATT GAA TGT GAC ATC CGT ATC CAG CTT CCT GTT
Leu Phe Gly Arg Gly Ile Glu Cys Asp Ile Arg Ile Gln Leu Pro Val
30 35 40

GTG TCA AAA CAA CAT TGC AAA GTT GAA ATC CAT GAG CAG GAG GCA ATA
Val Ser Lys Gln His Cys Lys Val Glu Ile His Glu Gln Glu Ala Ile
45

THIS PACE BLANK USPO

TTA Leu 60	CAT His	AAT Asn	TTC Phe	AGT Ser	TCC Ser 65	ACA Thr	AAT Asn	CCA Pro	ACA Thr	CAA Gln 70	GTA Val	AAT Asn	GGG Gly	TCT Ser	GTT Val 75	421
ATT Ile	GAT Asp	GAG Glu	CCT Pro	GTA Val 80	CGG Arg	CTA Leu	AAA Lys	CAT His	GGA Gly 85	GAT Asp	GTA Val	ATA Ile	ACT Thr	ATT Ile 90	ATT Ile	469
GAT Asp	CGT Arg	TCC Ser	TTC Phe 95	AGG Arg	TAT Tyr	GAA Glu	AAT Asn	GAA Glu 100	AGT Ser	CTT Leu	CAG Gln	AAT Asn	GGA Gly 105	AGG Arg	AAG Lys	517
				CCA Pro												565
				AGC Ser												613
				TCA Ser												661
				AAG Lys 160												709
AAA Lys	GAC Asp	AGT Ser	GTT Val 175	GCT Ala	CAG Gln	GGA Gly	ACA Thr	ACT Thr 180	AAT Asn	GTT Val	CAT His	TCC Ser	TCA Ser 185	GAA Glu	CAT His	757
				GGC Gly												805
				AGC Ser												853
				ACA Thr												901
				CTT Leu 240												949
TCA Ser	CAA Gln	AAA Lys	GAA Glu 255	AAT Asn	GTC Val	CTA Leu	CAG Gln	TAT Tyr 260	TGT Cys	AGA Arg	AAA Lys	TCT Ser	GGA Gly 265	TTA Leu	CAA Gln	997
ACT Thr	GAT Asp	TAC Tyr 270	GCA Ala	ACA Thr	GAG Glu	AAA Lys	GAA Glu 275	AGT Ser	GCT Ala	GAT Asp	GGT Gly	TTA Leu 280	CAG Gln	GGG Gly	GAG Glu	1045
				GTC Val												1093
	His			GCA Ala		Pro										1141

THIS PAGE BLANK USPO)

AAC Asn	AAG Lys	GGG Gly	AAG Lys	GGA Gly 320	AGA Arg	GAC Asp	GTG Val	GAG Glu	TCT Ser 325	GTT Val	CAG Gln	ACT Thr	CCC Pro	AGC Ser 330	AAG Lys	1189
GCT Ala	GTG Val	GGC Gly	GCC Ala 335	AGC Ser	TTT Phe	CCT Pro	CTC Leu	TAT Tyr 340	GAG Glu	CCG Pro	GCT Ala	AAA Lys	ATG Met 345	AAG Lys	ACC Thr	1237
CCT Pro	GTA Val	CAA Gln 350	TAT Tyr	TCA Ser	CAG Gln	CAA Gln	CAA Gln 355	AAT Asn	TCT Ser	CCA Pro	CAA Gln	AAA Lys 360	CAT His	AAG Lys	AAC Asn	1285
AAA Lys	GAC Asp 365	CTG Leu	TAT Tyr	ACT Thr	ACT Thr	GGT Gly 370	AGA Arg	AGA Arg	GAA Glu	TCT Ser	GTG Val 375	AAT Asn	CTG Leu	GGT Gly	AAA Lys	1333
AGT Ser 380	GAA Glu	GGC Gly	TTC Phe	AAG Lys	GCT Ala 385	GGT Gly	GAT Asp	AAA Lys	ACT Thr	CTT Leu 390	ACT Thr	CCC Pro	AGG Arg	AAG Lys	CTT Leu 395	1381
TCA Ser	ACT Thr	AGA Arg	AAT Asn	CGA Arg 400	ACA Thr	CCA Pro	GCT Ala	AAA Lys	GTT Val 405	GAA Glu	GAT Asp	GCA Ala	GCT Ala	GAC Asp 410	TCT Ser	1429
GCC Ala	ACT Thr	AAG Lys	CCA Pro 415	GAA Glu	AAT Asn	CTC Leu	TCT Ser	TCC Ser 420	AAA Lys	ACC Thr	AGA Arg	GGA Gly	AGT Ser 425	ATT Ile	CCT Pro	1477
ACA Thr	GAT Asp	GTG Val 430	GAA Glu	GTT Val	CTG Leu	CCT Pro	ACG Thr 435	GAA Glu	ACT Thr	GAA Glu	ATT Ile	CAC His 440	AAT Asn	GAG Glu	CCA Pro	1525
TTT Phe	TTA Leu 445	ACT Thr	CTG Leu	TGG Trp	CTC Leu	ACT Thr 450	CAA Gln	GTT Val	GAG Glu	AGG Arg	AAG Lys 455	ATC Ile	CAA Gln	AAG Lys	GAT Asp	1573
TCC Ser 460	CTC Leu	AGC Ser	AAG Lys	CCT Pro	GAG Glu 465	AAA Lys	TTG Leu	GGC Gly	ACT Thr	ACA Thr 470	GCT Ala	GGA Gly	CAG Gln	ATG Met	TGC Cys 475	1621
TCT Ser	GGG Gly	TTA Leu	CCT Pro	GGT Gly 480	CTT Leu	AGT Ser	TCA Ser	GTT Val	GAT Asp 485	ATC Ile	AAC Asn	AAC Asn	TTT Phe	GGT Gly 490	GAT Asp	1669
TCC Ser	ATT Ile	AAT Äsn	GAG Glu 495	AGT Ser	GAG Glu	GGA Gly	ATA Ile	CCT Pro 500	TTG Leu	AAA Lys	AGA Arg	AGG Arg	CGT Arg 505	GTG Val	TCC Ser	1717
TTT Phe	GGT Gly	GGG Gly 510	His	CTA Leu	AGA Arg	CCT Pro	GAA Glu 515	CTA Leu	TTT Phe	GAT Asp	GAA Glu	AAC Asn 520	Leu	CCT Pro	CCT Pro	1765
AAT Asn	ACG Thr 525	Pro	CTC Leu	AAA Lys	AGG Arg	GGA Gly 530	Glu	GCC Ala	CCA Pro	ACC Thr	AAA Lys 535	Arg	AAG Lys	TCT Ser	CTG Leu	1813
GTA Val 540	Met	CAC His	ACT Thr	CCA Pro	CCT Pro 545	Val	CTG Leu	AAG Lys	AAA Lys	ATC Ile 550	Ile	AAG Lys	GAA Glu	CAG Gln	CCT Pro 555	1861
CAA Gln	CCA Pro	TCA Ser	GGA Gly	AAA Lys 560	Gln	GAG Glu	TCA Ser	GGT	TCA Ser 565	Glu	ATC	CAT	GTG Val	GAA Glu 570	GTG Val	1909

THIS PREFER BLANK USE OF

AAG Lys	GCA Ala	CAA Gln	AGC Ser 575	TTG Leu	GTT Val	ATA Ile	AGC Ser	CCT Pro 580	CCA Pro	GCT Ala	CCT Pro	AGT Ser	CCT Pro 585	AGG Arg	AAA Lys	1957
ACT Thr	CCA Pro	GTT Val 590	GCC Ala	AGT Ser	GAT Asp	CAA Gln	CGC Arg 595	CGT Arg	AGG Arg	TCC Ser	TGC Cys	AAA Lys 600	ACA Thr	GCC Ala	CCT Pro	2005
												AGA Arg				2053
AGA Arg 620	GTG Val	GCA Ala	ACC Thr	TGC Cys	CTT Leu 625	CAA Gln	AAG Lys	AGA Arg	GTG Val	TCT Ser 630	ATC Ile	AGC Ser	CGA Arg	AGT Ser	CAA Gln 635	2101
CAT His	GAT Asp	ATT Ile	TTA Leu	CAG Gln 640	ATG Met	ATA Ile	TGT Cys	TCC Ser	AAA Lys 645	AGA Arg	AGA Arg	AGT Ser	GGT Gly	GCT Ala 650	TCG Ser	2149
GAA Glu	GCA Ala	AAT Asn	CTG Leu 655	ATT Ile	GTT Val	GCA Ala	AAA Lys	TCA Ser 660	TGG Trp	GCA Ala	GAT Asp	GTA Val	GTA Val 665	AAA Lys	CTT Leu	2197
GGT Gly	GCA Ala	AAA Lys 670	CAA Gln	ACA Thr	CAA Gln	ACT Thr	AAA Lys 675	GTC Val	ATA Ile	AAA Lys	CAT His	GGT Gly 680	CCT Pro	CAA Gln	AGG Arg	2245
TCA Ser	ATG Met 685	AAC Asn	AAA Lys	AGG Arg	CAA Gln	AGA Arg 690	AGA Arg	CCT Pro	GCT Ala	ACT Thr	CCA Pro 695	AAG Lys	AAG Lys	CCT Pro	GTG Val	2293
GGC Gly 700	GAA Glu	GTT Val	CAC His	AGT Ser	CAA Gln 705	TTT Phe	AGT Ser	ACA Thr	GGC Gly	CAC His 710	GCA Ala	AAC Asn	TCT Ser	CCT Pro	TGT Cys 715	2341
												CAT His				2389
CGA Arg	CCC Pro	TAC Tyr	AGA Arg 735	GTG Val	CTC Leu	AAC Asn	AAC Asn	TTC Phe 740	ATT Ile	TCC Ser	AAC Asn	CAA Gln	AAA Lys 745	ATG Met	GAC Asp	2437
												AAG Lys 760				2485
												GCT Ala			AAT Asn	2533
	Glu											GAT Asp				2581
					Thr							AAT Asn				2629
				Ala					Ser			TGC Cys			AGC Ser	2677

THIS PACE BLANK USPIO!

CCT Pro	CCC Pro	TTA Leu 830	AGA Arg	CGG Arg	CAG Gln	TGT Cys	ATT Ile 835	AGA Arg	GAA Glu	AAT Asn	GGA Gly	AAC Asn 840	GTA Val	GCA Ala	AAA Lys	2725
ACG Thr	CCC Pro 845	AGG Arg	AAC Asn	ACC Thr	TAC Tyr	AAA Lys 850	ATG Met	ACT Thr	TCT Ser	CTG Leu	GAG Glu 855	ACA Thr	AAA Lys	ACT Thr	TCA Ser	2773
												GTA Val				2821
												CCT Pro				2869
												ATC Ile				2917
												GGA Gly 920				2965
												ATT Ile				3013
												AGA Arg				3061
												AAG Lys				3109
												AAT Asn				3157
												GGC Gly 1000	Lys			3205
AAA Lys	ATG Met 1005	Pro	TGC Cys	CAG Gln	TCA Ser	TTA Leu 1010	Gln	CCA Pro	GAA Glu	CCA Pro	ATA Ile 101:	AAC Asn	ACC Thr	CCA Pro	ACA Thr	3253
	Thr					Lys					Lys	GTA Val				3301
					Val					Arg		TCA Ser			Thr	3349
				Arg					Asp			AGC Ser		Arg		3397
			Ser					Leu				GCC Ala 108	Arg			3445

THIS PACE BLANK USPIO

				A GAG GCC CAG u Glu Ala Gln 1095	
		Lys Glu Le	eu Phe Gl	G ACA CCA GGT n Thr Pro Gly 10	
				A ATA GCC TGC s Ile Ala Cys	
		Asp Thr Pr		C ACA AAG CAA r Thr Lys Gln 114	Trp Pro
	Leu Arg Lys			A GAA TTC TTA u Glu Phe Leu 1160	
				G CTT ACG CCC t Leu Thr Pro 1175	
GCA GGA GGT Ala Gly Gly 1180	GAT GAG AAA Asp Glu Lys 118	Asp Ile Ly	AA GCA TT ys Ala Ph 11	T ATG GGA ACT e Met Gly Thr 90	CCA GTG 378: Pro Val 1195
CAG AAA CTG Gln Lys Leu	GAC CTG GCA Asp Leu Ala 1200	GGA ACT TO	TA CCT GG eu Pro G1 1205	C AGC AAA AGA y Ser Lys Arg	CAG CTA 3829 Gln Leu 1210
CAG ACT CCT Gln Thr Pro	AAG GAA AAG Lys Glu Lys 1215	Ala Gln Al	CT CTA GA la Leu Gl 220	A GAC CTG GCT u Asp Leu Ala 122	Gly Phe
AAA GAG CTC Lys Glu Leu 1230	Phe Gln Thr	CCT GGT CA Pro Gly H: 1235	AC ACC GA is Thr Gl	G GAA TTA GTG u Glu Leu Val 1240	GCT GCT 392. Ala Ala
GGT AAA ACC Gly Lys Thr 1245	ACT AAA ATA Thr Lys Ile	CCC TGC GA Pro Cys As 1250	AC TCT CC sp Ser Pr	A CAG TCA GAC o Gln Ser Asp 1255	CCA GTG 397
GAC ACC CCA Asp Thr Pro 1260	ACA AGC ACA Thr Ser Thr 126	Lys Gln Ai	GA CCC AA rg Pro Ly 12	G AGA AGT ATC s Arg Ser Ile 70	AGG AAA 4023 Arg Lys 1275
GCA GAT GTA Ala Asp Val	GAG GGA GAA Glu Gly Glu 1280	CTC TTA GO Leu Leu Al	CG TGC AG la Cys Ar 1285	G AAT CTA ATG g Asn Leu Met	CCA TCA 4069 Pro Ser 1290
GCA GGC AAA Ala Gly Lys	GCC ATG CAC Ala Met His 1295	Thr Pro Ly	AA CCA TC ys Pro Se 300	A GTA GGT GAA r Val Gly Glu 130.	Glu Lys
GAC ATC ATC Asp Ile Ile 1310	Ile Phe Val	GGA ACT CO Gly Thr Pr 1315	CA GTG CA ro Val Gl	G AAA CTG GAC n Lys Leu Asp 1320	CTG ACA 416
GAG AAC TTA Glu Asn Leu 1325	ACC GGC AGC Thr Gly Ser	AAG AGA CO Lys Arg Ar 1330	GG CCA CA rg Pro Gl	A ACT CCT AAG n Thr Pro Lys 1335	GAA GAG 421: Glu Glu

THIS PRESERVE BY BURNESHON

GCC Ala 1340	Gln	GCT Ala	CTG Leu	GAA Glu	GAC Asp 1345	Leu	ACT Thr	GGC Gly	TTT Phe	AAA Lys 1350	Glu	CTC Leu	TTC Phe	CAG Gln	ACC Thr 1355	4261
CCT Pro	GGT Gly	CAT His	ACT Thr	GAA Glu 1360	Glu	GCA Ala	GTG Val	GCT Ala	GCT Ala 1365	Gly	AAA Lys	ACT Thr	ACT Thr	AAA Lys 1370	Met	4309
CCC Pro	TGC Cys	GAA Glu	TCT Ser 1375	Ser	CCA Pro	CCA Pro	GAA Glu	TCA Ser 1380	Ala	GAC Asp	ACC Thr	CCA Pro	ACA Thr 1385	Ser	ACA Thr	4357
AGA Arg	AGG Arg	CAG Gln 1390	Pro	AAG Lys	ACA Thr	CCT Pro	TTG Leu 1395	Glu	AAA Lys	AGG Arg	GAC Asp	GTA Val 1400	Gln	AAG Lys	GAG Glu	4405
Leu	TCA Ser 1405	Ala	CTG Leu	AAG Lys	AAG Lys	CTC Leu 1410	Thr	CAG Gln	ACA Thr	TCA Ser	GGG Gly 1415	Glu	ACC Thr	ACA Thr	CAC His	4453
ACA Thr 1420	Asp	AAA Lys	GTA Val	CCA Pro	GGA Gly 1425	Gly	GAG Glu	GAT Asp	AAA Lys	AGC Ser 1430	Ile	AAC Asn	GCG Ala	TTT Phe	AGG Arg 1435	4501
GAA Glu	AC <b>T</b> Thr	GCA Ala	AAA Lys	CAG Gln 1440	Lys	CTG Leu	GAC Asp	CCA Pro	GCA Ala 144	GCA Ala	AGT Ser	GTA Val	ACT Thr	GGT Gly 1450	Ser	4549
AAG Lys	AGG Arg	CAC His	CCA Pro 145	Lys	ACT Thr	AAG Lys	GAA Glu	AAG Lys 146	Ala	CAA Gln	CCC Pro	CTA Leu	GAA Glu 146	Asp	CTG Leu	4597
GCT Ala	GGC Gly	TGG Trp 1470	Lys	GAG Glu	CTC Leu	TTC Phe	CAG Gln 147	Thr	CCA Pro	GTA Val	TGC Cys	ACT Thr 1480	Asp	AAG Lys	CCC Pro	4645
ACG Thr	ACT Thr 148	His	GAG Glu	AAA Lys	ACT Thr	ACC Thr 149	Lys	ATA Ile	GCC Ala	TGC Cys	AGA Arg 149	Ser	CAA Gln	CCA Pro	GAC Asp	4693
CCA Pro 1500	Val	GAC Asp	ACA Thr	CCA Pro	ACA Thr 150	Ser	TCC Ser	AAG Lys	CCA Pro	CAG Gln 151	Ser	AAG Lys	AGA Arg	AGT Ser	CTC Leu 1515	4741
AGG Arg	AAA Lys	GTG Val	GAC Asp	GTA Val 152	Glu	GAA Glu	GAA Glu	TTC Phe	TTC Phe 152	GCA Ala 5	CTC Leu	AGG Arg	AAA Lys	CGA Arg 153	Thr	4789
				Lys					Pro	AAA Lys				Ser		4837
GAG Glu	AAA Lys	AAC Asn 155	Ile	TAC	GCA Ala	TTT Phe	ATG Met 155	Gly	ACT Thr	CCA Pro	GTG Val	CAG Gln 156	Lys	CTG Leu	GAC Asp	4885
		Glu					Ser			CGG Arg		Gln				4933
	Lys					Glu				GGC Gly 159	Phe				TTC Phe 1595	4981

THE CORCLE BLANK USPION

CAG ACA Gln Thr	CGA GGT Arg Gly	CAC ACT His Thr 1600	GAG GAA Glu Glu	TCA ATO Ser Me	t Thr	AAC GA Asn As	T AAA p Lys	ACT Thr 1610	Ala	5029
AAA GTA Lys Val	GCC TGC Ala Cys 161	Lys Ser	TCA CAA Ser Glr	CCA GAG Pro As 1620	C CTA (	GAC AA Asp Ly	A AAC s Asn 1625	Pro	GCA Ala	5077
AGC TCC Ser Ser	AAG CGA Lys Arg 1630	CGG CTC Arg Leu	AAG ACA Lys Thr 163	Ser Le	G GGG A	Lys Va	G GGC 1 Gly 40	GTG Val	AAA Lys	5125
GAA GAG Glu Glu 164	CTC CTA Leu Leu 5	GCA GTT Ala Val	GGC AAG Gly Lys 1650	CTC AC	r Gln '	ACA TC Thr Se 1655	A GGA r Gly	GAG Glu	ACT Thr	5173
ACA CAC Thr His 1660	ACA CAC Thr His	ACA GAG Thr Glu 166	Pro Thi	GGA GA	r GGT A p Gly 1 1670	Lys Se	C ATG	AAA Lys	GCA Ala 1675	5221
	GAG TCT Glu Ser				p Ser				Thr	5269
	AAG AGG Lys Arg 169	Gln Leu						Val		5317
GAA GAC Glu Asp	CTG GCC Leu Ala 1710	GGC TTC Gly Phe	ATC GAC Ile Glu 171	Leu Ph	C CAG e Gln	Thr Pr	A AGT o Ser 20	CAC His	ACT Thr	5365
AAG GAA Lys Glu 172	TCA ATG Ser Met 5	ACT AAT Thr Asn	GAA AAA Glu Lys 1730	ACT AC	r Lys	GTA TO Val Se 1735	C TAC	AGA Arg	GCT Ala	5413
TCA CAG Ser Gln 1740	CCA GAC Pro Asp	CTA GTG Leu Val 174	Asp Thi	CCA AC	A AGC r Ser 1750	Ser Ly	G CCA	CAG Gln	CCC Pro 1755	5461
AAG AGA Lys Arg	AGT CTC Ser Leu	AGG AAA Arg Lys 1760	GCA GAG Ala Ası	ACT GA Thr Gl	u Glu	GAA TI Glu Ph	T TTA ie Leu	GCA Ala 1770	Phe	5509
	CAA ACG Gln Thr 177	Pro Ser						Lys		5557
GCA GTA Ala Val	GGT GAA Gly Glu 1790	GAG AAA Glu Lys	GAC ATO	Asn Th	G TTT r Phe	Leu Gl	A ACT y Thr	CCA Pro	GTG Val	5605
			<b>_</b>	, ,			, , , ,			
	CTG GAC Leu Asp		GGA AA'	TTA CC		AGC AA	AT AGA			5653
Gln Lys 180 CAA ACT	CTG GAC Leu Asp	Gln Pro	GGA AA' GIY ASI 1810 GCC CAG	TTTA CC Leu Pr	o Gly	AGC AA Ser As 1815 GAA CI Glu Le	AT AGA on Arg	Arg	Leu TTC	5653 5701

THE ORCH BLANK HERION

AAA Lys	ACT Thr	ACC Thr	AAA Lys 1855	Lys	ATA Ile	CTC Leu	TGC Cys	AAA Lys 1860	Ser	CCG Pro	CAA Gln	TCA Ser	GAC Asp 1865	Pro	GCG Ala	57	97
GAC Asp	ACC Thr	CCA Pro 1870	Thr	AAC	ACA Thr	Lys	Gln 1875	Arg	Pro	Lys	Arg	Ser 1880	Leu	AAG Lys	AAA Lys		345
GCA Ala	GAC Asp 1889	GTA Val	Glu	Glu	GAA Glu	Phe	TTA Leu	GCA	TTC	Arg	AAA	CTA Leu	ACA	CCA Pro	TCA Ser	5;8	93
Ala.	GGC Gly	Lys	Ala	Met,	His	Thr	Pro	Lys	Ala	Ala	Val	Gly	G l-ur	Glu	Lys 1915	.59	941
GAC Asp	ATC Île	AAC *	Thr	TTT	Val	GGG	ACI	Pro	Val	GAG	AAA. Lys	Leu	Asp	CIG	ĈTA Leu	<b>.**</b> '5.9	189 :
	Asn	Leu	Pro 1939	Gly; 5			Arg		Pro		Thr		Lys	Glu	AAG.** Lys	પ <b>્ર</b> ે 60	
GCC Ala	AAG Lys	GCT Ala 1950	CTĂ Leu	GAA	GAT Asp	CTG Leu	GCT Ala 1955	Gly	TTC Phe	AAA Lys	GAG Glu	CTC Leu 1960	Phe	CAG Gln	ACA Thr		85
CCA Pro	GGT Gly 1965	His	ACT Thr	GAG Glu	GAA Glu	TCA Ser 1970	Met	ACC Thr	GAT Asp	GAC Asp	AAA Lys 197	Ile	ACA Thr	GAA Glu	GTA Val	61	L33
TCC Ser 198	TGC Cys	AAA Lys	TCT Ser	CCA Pro	CAA Gln 1985	Pro	GAC Asp	CCA Pro	GTC Val	AAA Lys 1990	Thr	CCA Pro	ACA Thr	AGC Ser	TCC Ser 1995	61	181
AAG Lys	CAA Gln	CGA Arg	CTC Leu	AAG Lys 2000	Ile	TCC Ser	TTG Leu	GGG Gly	AAA Lys 200	Val	GGT Gly	GTG Val	AAA Lys	GAA Glu 201	Glu	62	229
ĠTC Val	CTA Leu	CCA Pro	GTC Val 201	Gly	AAG Lys	CTC Leu	ACA Thr	CAG Gln 2020	Thr	TCA	GGG Gly	AAG Lys	ACC Thr 202	Thr	CAG Gln	62	277
ACA Thr	His	AGA Arg 203	Glu	ACA Thr	GCA Ala	GGA Gly	GAT Asp 203	Gly	AAG Lys	AGC Ser	Ile	AAA Lys 204	Ala	Phe	AAG Lys	63	325
GAA Gʻlu	TCT Ser 204	Ala	AAG Lys	ČAG Gln	Met.	ČTĠ Le,u 205	Asp	"Pro	GCA Ala	AAC Asn	TAT Tyr 205	Gly	ACT This	GGG GTy	ATG Met	63	373
GAG Glu 206	AGG Arg 0	TGG Trp	CCA Pro	AGA Arg	AGA Thr 206	Pro	AAG Lys	GAA Glu	GAG Glu	GCC Ala 207	Gln	TCA Ser	CTA Leu	GAA Glu	GAC Asp 2075	64	421
CTG Leu	GCC Ala	GGC G1y	TTC Phe	AAA Lys 208	Glu	CTC Leu	TTC Phe	CAG Gln	ACA Thr 208	Pro	GAC Asp	CAC His	ACT Thr	GAG Glu 209	Glu	64	469
TCA Ser	ACA Thr	ACT Thr	GAT Asp 209	Asp	AAA Lys	ACT Thr	ACC Thr	AAA Lys 210	Ile	GCC Ala	TGC Cys	AAA Lys	TCT Ser 210	Pro	CCA Pro	6.	517

THIS PAGE BLANK USPO

CCA (	GAA Glu	TCA Ser 2110	Met	GAC Asp	ACT Thr	CCA Pro	ACA Thr 2115	Ser	ACA Thr	AGG Arg	AGG Arg	CGG Arg 2120	Pro	AAA Lys	ACA Thr	6565
CCT '	TTG Leu 2125	Gly	AAA Lys	AGG Arg	GAT Asp	ATA Ile 2130	Val	GAA Glu	GAG Glu	CTC Leu	TCA Ser 2135	Ala	CTG Leu	AAG Lys	CAG Gln	6613
CTC Leu '2140	ACA Thr	CAG Gln	ACC Thr	ACA Thr	CAC His 2145	Thr	GAC Asp	AAA Lys	GTA Val	CCA Pro 2150	Gly	GAT Asp	GAG Glu	GAT Asp	AAA Lys 2155	6661
GGC A	ATC Ile	AAC Asn	GTG Val	TTC Phe 2160	Arg	GAA Glu	ACT Thr	GCA Ala	AAA Lys 2165	Gln	AAA Lys	CTG Leu	GAC Asp	CCA Pro 2170	Ala	6709
GCA A	AGT Ser	GTA Val	ACT Thr 2175	Gly	AGC Ser	AAG Lys	AGG Arg	CAG Gln 2180	Pro	AGA Arg	ACT Thr	CCT Pro	AAG Lys 2185	Gly	AAA Lys	6757
GCC (	CAA Gln	CCC Pro 2190	Leu	GAA Glu	GAC Asp	TTG Leu	GCT Ala 2195	G1y	TTG Leu	AAA Lys	GAG Glu	CTC Leu 2200	Phe	CAG Gln	ACA Thr	6805
CCA (	GTA Val 2205	Cys	ACT Thr	GAC Asp	AAG Lys	CCC Pro 2210	Thr	ACT Thr	CAC His	GAG Glu	AAA Lys 2215	Thr	ACC Thr	AAA Lys	ATA Ile	6853
GCC Ala 2220	Cys	AGA Arg	TCT Ser	CCA Pro	CAA Gln 2223	Pro	GAC Asp	CCA Pro	GTG Val	GGT Gly 2230	Thr	CCA Pro	ACA Thr	ATC Ile	TTC Phe 2235	6901
AAG Lys					Arg					Ala					Glu	6949
TCC Ser	TTA Leu	GCA Ala	CTC Leu 225	Arg	AAA Lys	CGA Arg	ACA Thr	CCA Pro 2260	Ser	GTA Val	GGG Gly	AAA Lys	GCT Ala 226	Met	GAC Asp	6997
ACA Thr			Pro					Glu				AAA Lys 2280	Ala			7045
Gly		Pro					Asp					TTA Leu 5				7093
	Arg					Pro					Gln	GCT Ala				7141
					Glu					Pro		ACT Thr			Pro	7189
				Lys	ACT				Ala			TCT Ser		Gln		7237
GAC	CCA	GTG	GAC	ACC	CCA	GCA	AGC	ACA	AAG	CAA	CGG	CCC	AAG	AGA	AAC	7285

THIS PAGE BLANK USPO

	AGG Arg 236	Lys					Glu					Leu				7333
	CCA Pro					Ala					Lys					7381
	GAG Glu				Asn					Thr					Leu	7429
	CTG Leu			Asn					Lys					Thr		7477
	GAA Glu		Ala					Asp					Lys			7525
TTC Phe	CAG Gln 2445	Thr	CCA Pro	GGT Gly	CAC His	ACT Thr 2450	Glu	GAA Glu	TCA Ser	ATG Met	ACT Thr 2455	Asp	GAC Asp	AAA Lys	ATC Ile	7573
	GAA Glu O					Ser					Ser					7621
	AGC Ser				Arg					Leu					Met	7669
	GAA Glu			Leu					Leu					Gly		7717
ACT Thr	ACG Thr	CAA Gln 251	Thr	CAC His	ACA Thr	GAG Glu	CCA Pro 251	Thr	GGA Gly	GAT Asp	AGT Ser	AAG Lys 2520	Ser	ATC Ile	AAA Lys	7765
	TTT Phe 252	Lys					Gln					Ala				7813
	GGT Gly O					Leu					Glu					7861
СТА																
	GAA Glu				Asp					Phe					His	7909
Leu		Asp	Leu	Val 256 ATG Met	Asp O ACT	Phe ATT	Lys	Glu AAA	Leu 2565 AAC Asn	Phe 5	Ser	Ala ATT	Pro	Gly 2570 TGC Cys	His O AAA	7909 7957
ACT Thr	Glu GAA	GAG Glu CCA	TCA Ser 25.7: CCA Pro	Val 256 ATG Met 5	Asp ACT Thr	Phe ATT Ile	GAC Asp	AAA Lys 2580 ACT Thr	Leu 2569 AAC Asn O	Phe ACA Thr	Ser AAA Lys AGC	Ala ATT Ile	Pro CCC Pro 2585 AAG Lys	Gly 2570 TGC Cys 5	His C AAA Lys TGC	

THIS PACE OF BUNK USPION

GAG Glu 2620	Arg	CTC Leu	ACG Thr	CAA Gln	ACA Thr 2625	Ser	GGG Gly	CAA Gln	AGC Ser	ACA Thr 2630	His	ACA Thr	CAC His	AAA Lys	GAA Glu 2635	8101
CCA Pro	GCA Ala	AGC Ser	GGT Gly	GAT Asp 2640	Glu	GGC Gly	ATC Ile	AAA Lys	GTA Val 2645	Leu	AAG Lys	CAA Gln	CGT Arg	GCA Ala 2650	Lys	8149
AAG Lys	AAA Lys	CCA Pro	AAC Asn 2655	Pro	GTA Val	GAA Glu	GAG Glu	GAA Glu 2660	Pro	AGC Ser	AGG Arg	AGA Arg	AGG Arg 2665	Pro	AGA Arg	8197
GCA Ala	CCT Pro	AAG Lys 2670	Glu	AAG Lys	GCC Ala	CAA Gln	CCC Pro 2675	Leu	GAA Glu	GAC Asp	CTG Leu	GCC Ala 2680	Gly	TTC Phe	ACA Thr	8245
GAG Glu	CTC Leu 2685	Ser	GAA Glu	ACA Thr	TCA Ser	GGT Gly 2690	His	ACT Thr	CAG Gln	GAA Glu	TCA Ser 2695	CTG Leu	ACT Thr	GCT Ala	GGC Gly	8293
AAA Lys 2700	Ala	ACT Thr	AAA Lys	ATA Ile	CCC Pro 2703	Cys	GAA Glu	TCT Ser	CCC Pro	CCA Pro 2710	Leu	GAA Glu	GTG Val	GTA Val	GAC Asp 2715	8341
ACC Thr	ACA Thr	GCA Ala	AGC Ser	ACA Thr 2720	Lys	AGG Arg	CAT His	CTC Leu	AGG Arg 272	Thr	CGT Arg	GTG Val	CAG Gln	AAG Lys 2730	Val	8389
CAA Gln	GTA Val	AAA Lys	GAA Glu 273	Glu	CCT Pro	TCA Ser	GCA Ala	GTC Val 274	Lys	TTC Phe	ACA Thr	CAA Gln	ACA Thr 274	Ser	GGG Gly	8437
GAA Glu	ACC Thr	ACG Thr 2750	Asp	GCA Ala	GAC Asp	AAA Lys	GAA Glu 275	Pro	GCA Ala	GGT Gly	GAA Glu	GAT Asp 2760	Lys	GGC Gly	ATC Ile	8485
AAA Lys	GCA Ala 276	Leu	AAG Lys	GAA Glu	TCT Ser	GCA Ala 277	Lys	CAG Gln	ACA Thr	CCG Pro	GCT Ala 277	CCA Pro 5	GCA Ala	GCA Ala	AGT Ser	8533
GTA Val 2780	Thr	GGC Gly	AGC Ser	AGG Arg	AGA Arg 278	Arg	CCA Pro	AGA Arg	GCA Ala	CCC Pro 279	Arg	GAA Glu	AGT Ser	GCC Ala	CAA Gln 2795	8581
GCC Ala	Ile	Glu	Asp	Leu	Ala	Gly	Phe	Lys	Asp	Pro	Ala	GCA Ala	Gly	His	Thr	8629
GAA Glu	GAA Glu	TCA Ser	ATG Met 281	Thr	GAT Asp	GAC Asp	AAA Lys	ACC Thr 282	Thr	AAA Lys	ATA Ile	CCC Pro	TGC Cys 282	Lys	TCA Ser	8677
			Leu					Thr				AGA Arg 284	Arg			8725
ACA Thr	CGT Arg 284	Ala	CAG Gln	AAA Lys	GTA Val	GAA Glu 285	Val	AAG Lys	GAG Glu	GAG Glu	CTG Leu 285	TTA Leu 5	GCA Ala	GTT Val	GGC Gly	8773
AAG Lys 286	Leu	ACA Thr	CAA	ACC Thr	TCA Ser 286	Gly	GAG Glu	ACC Thr	ACG Thr	CAC His 287	Thr	GAC Asp	AAA Lys	GAG Glu	CCG Pro 2875	8821

THIS PASE OLANA USPO

GTA GGT GAG Val Gly Glu	GGC AAA GGC Gly Lys Gly 2880	ACG AAA GCA Thr Lys Ala	TTT AAG ( A Phe Lys ( 2885	CAA CCT GCA Gln Pro Ala	AAG CGG Lys Arg 2890	8869
AAC GTG GAC Asn Val Asp	GCA GAA GAT Ala Glu Asp 2895	GTA ATT GGC Val Ile Gly 290	, Ser Arg A	AGA CAG CCA Arg Gln Pro 2905	Arg Ala	8917
CCT AAG GAA Pro Lys Glu 291	AAG GCC CAA Lys Ala Gln O	CCC CTG GAA Pro Leu Glu 2915	A GAC CTG ( 1 Asp Leu A	GCC AGC TTC Ala Ser Phe 2920	CAA GAG Gln Glu	8965
CTC TCT CAA Leu Ser Gln 2925	ACA CCA GGC Thr Pro Gly	CAC ACT GAO His Thr Glu 2930	ı Glu Leu A	GCA AAT GGT Ala Asn Gly 2935	GCT GCT Ala Ala	9013
GAT AGC TTT Asp Ser Phe 2940	ACA AGC GCT Thr Ser Ala 294	Pro Lys Glr	A ACA CCT ( n Thr Pro A 2950	GAC AGT GGA Asp Ser Gly	AAA CCT Lys Pro 2955	9061
CTA AAA ATA Leu Lys Ile	TCC AGA AGA Ser Arg Arg 2960	GTT CTT CGC Val Leu Arg	G GCC CCT A g Ala Pro I 2965	AAA GTA GAA Lys Val Glu	CCC GTG Pro Val 2970	9109
GGA GAC GTG Gly Asp Val	GTA AGC ACC Val Ser Thr 2975	AGA GAC CC: Arg Asp Pro 298	o Val Lys S	TCA CAA AGC Ser Gln Ser 2985	Lys Ser	9157
AAC ACT TCC Asn Thr Ser 299	CTG CCC CCA Leu Pro Pro 0	CTG CCC TTG Leu Pro Phe 2995	C AAG AGG ( E Lys Arg (	GGA GGT GGC Gly Gly Gly 3000	AAA GAT Lys Asp	9205
GGA AGC GTC Gly Ser Val 3005	ACG GGA ACC Thr Gly Thr	AAG AGG CTG Lys Arg Let 3010	ı Arg Cys l	ATG CCA GCA Met Pro Ala 3015	CCA GAG Pro Glu	9253
GAA ATT GTG Glu Ile Val 3020	GAG GAG CTG Glu Glu Leu 302	Pro Ala Se	C AAG AAG ( r Lys Lys ( 3030	CAG AGG GTT Gln Arg Val	GCT CCC Ala Pro 3035	9301
AGG GCA AGA Arg Ala Arg	GGC AAA TCA Gly Lys Ser 3040	TCC GAA CCC Ser Glu Pro	C GTG GTC A D Val Val 1 3045	ATC ATG AAG Ile Met Lys	AGA AGT Arg Ser 3050	9349
TTG AGG ACT Leu Arg Thr	TCT GCA AAA Ser Ala Lys 3055	AGA ATT GA Arg Ile Gl	u Pro Ala (	GAA GAG CTG Glu Glu Leu 3065	Asn Ser	9397
	AAA ACC AAC Lys Thr Asn O					9445
CCT GAA AAT Pro Glu Asn 3085	AAG GGA ATA Lys Gly Ile	TCC CTG CG Ser Leu Ar 3090	g Ser Arg .	CGC CAA GAT Arg Gln Asp 3095	AAG ACT Lys Thr	9493
GAG GCA GAA Glu Ala Glu 3100	CAG CAA ATA Gln Gln Ile 310	Thr Glu Va	C TTT GTA 1 Phe Val 3110	Leu Ala Glu	AGA ATA Arg Ile 3115	9541
GAA ATA AAC Glu Ile Asn	AGA AAT GAA Arg Asn Glu 3120	AAG AAG CC Lys Lys Pr	C ATG AAG o Met Lys 3125	ACC TCC CCA Thr Ser Pro	GAG ATG Glu Met 3130	9589

ALE PROCE BLANK USETO

GAC ATT CAG AAT CCA GAT GAT GGA GCC CGG AAA CCC ATA CCT AGA GAC Asp Ile Gln Asn Pro Asp Asp Gly Ala Arg Lys Pro Ile Pro Arg Asp 3135 3140 3145	9637
AAA GTC ACT GAG AAC AAA AGG TGC TTG AGG TCT GCT AGA CAG AAT GAG Lys Val Thr Glu Asn Lys Arg Cys Leu Arg Ser Ala Arg Gln Asn Glu 3150 3155 3160	9685
AGC TCC CAG CCT AAG GTG GCA GAG GAG AGC GGA GGG CAG AAG AGT GCG Ser Ser Gln Pro Lys Val Ala Glu Glu Ser Gly Gly Gln Lys Ser Ala 3165 3170 3175	9733
AAG GTT CTC ATG CAG AAT CAG AAA GGG AAA GGA GAA GCA GGA AAT TCA Lys Val Leu Met Gln Asn Gln Lys Gly Lys Gly Glu Ala Gly Asn Ser 3180 3185 3190 . 3195	9781
GAC TCC ATG TGC CTG AGA TCA AGA AAG ACA AAA AGC CAG CCT GCA GCA Asp Ser Met Cys Leu Arg Ser Arg Lys Thr Lys Ser Gln Pro Ala Ala 3200 3205 3210	9829
AGC ACT TTG GAG AGC AAA TCT GTG CAG AGA GTA ACG CGG AGT GTC AAG Ser Thr Leu Glu Ser Lys Ser Val Gln Arg Val Thr Arg Ser Val Lys 3215 3220 3225	9877
AGG TGT GCA GAA AAT CCA AAG AAG GCT GAG GAC AAT GTG TGT GTC AAG Arg Cys Ala Glu Asn Pro Lys Lys Ala Glu Asp Asn Val Cys Val Lys 3230 3235 3240	9925
AAA ATA ACA ACC AGA AGT CAT AGG GAC AGT GAA GAT ATT TGACAGAAAA Lys Ile Thr Thr Arg Ser His Arg Asp Ser Glu Asp Ile 3245 3250 3255	9974
ATCGAACTGG GAAAAATATA ATAAAGTTAG TTTTGTGATA AGTTCTAGTG CAGTTTTTGT	10034
CATAAATTAC AAGTGAATTC TGTAAGTAAG GCTGTCAGTC TGCTTAAGGG AAGAAAACTT	10094
TGGATTTGCT GGGTCTGAAT CGGCTTCATA AACTCCACTG GGAGCACTGC TGGGCTCCTG	10154
GACTGAGAAT AGTTGAACAC CGGGGGCTTT GTGAAGGAGT CTGGGCCAAG GTTTGCCCTC	10214
AGCTTTGCAG AATGAAGCCT TGAGGTCTGT CACCACCCAC AGCCACCCTA CAGCAGCCTT	10274
AACTGTGACA CTTGCCACAC TGTGTCGTCG TTTGTTTGCC TATGTTCTCC AGGGCACGGT	10334
GGCAGGAACA ACTATCCTCG TCTGTCCCAA CACTGAGCAG GCACTCGGTA AACACGAATG	10394
AATGGATAAG CGCACGGATG AATGGAGCTT ACAAGATCTG TCTTTCCAAT GGCCGGGGGC	10454
ATTTGGTCCC CAAATTAAGG CTATTGGACA TCTGCACAGG ACAGTCCTAT TTTTGATGTC	10514
CTTTCCTTTC TGAAAATAAA GTTTTGTGCT TTGGAGAATG ACTCGTGAGC ACATCTTTAG	10574
GGACCAAGAG TGACTTTCTG TAAGGAGTGA CTCGTGGCTT GCCTTGGTCT CTTGGGAATA	10634
CTTTTCTAAC TAGGGTTGCT CTCACCTGAG ACATTCTCCA CCCGCGGAAT CTCAGGGTCC	10694
CAGGCTGTGG GCCATCACGA CCTCAAACTG GCTCCTAATC TCCAGCTTTC CTGTCATTGA	10754
AAGCTTCGGA AGTTTACTGG CTCTGCTCCC GCCTGTTTTC TTTCTGACTC TATCTGGCAG	10814
CCCGATGCCA CCCAGTACAG GAAGTGACAC CAGTACTCTG TAAAGCATCA TCATCCTTGG	10874
AGAGACTGAG CACTCAGCAC CTTCAGCCAC GATTTCAGGA TCGCTTCCTT GTGAGCCGCT	10934

THIS PACE BLANK USPION



PCT/EP99/03/451

THIS PACE BLANK USPIO

10 15 Gly Pro His Phe Pro Leu Ser Leu Ser Thr Cys Leu Phe Gly Arg Gly Ile Glu Cys Asp Ile Arg Ile Gln Leu Pro Val Val Ser Lys Gln His Cys Lys Val Glu Ile His Glu Gln Glu Ala Ile Leu His Asn Phe Ser Ser Thr Asn Pro Thr Gln Val Asn Gly Ser Val Ile Asp Glu Pro Val Arg Leu Lys His Gly Asp Val Ile Thr Ile Ile Asp Arg Ser Phe Arg Tyr Glu Asn Glu Ser Leu Gln Asn Gly Arg Lys Ser Thr Glu Phe Pro 100 Arg Lys Ile Arg Glu Gln Glu Pro Ala Arg Arg Val Ser Arg Ser Ser 120 Phe Ser Ser Asp Pro Asp Glu Lys Ala Gln Asp Ser Lys Ala Tyr Ser Lys Ile Thr Glu Gly Lys Val Ser Gly Asn Pro Gln Val His Ile Lys Asn Val Lys Glu Asp Ser Thr Ala Asp Asp Ser Lys Asp Ser Val Ala Gln Gly Thr Thr Asn Val His Ser Ser Glu His Ala Gly Arg Asn Gly 185 Arg Asn Ala Ala Asp Pro Ile Ser Gly Asp Phe Lys Glu Ile Ser Ser Val Lys Leu Val Ser Arg Tyr Gly Glu Leu Lys Ser Val Pro Thr Thr Gln Cys Leu Asp Asn Ser Lys Lys Asn Glu Ser Pro Phe Trp Lys Leu Tyr Glu Ser Val Lys Lys Glu Leu Asp Val Lys Ser Gln Lys Glu Asn Val Leu Gln Tyr Cys Arg Lys Ser Gly Leu Gln Thr Asp Tyr Ala Thr 265 Glu Lys Glu Ser Ala Asp Gly Leu Gln Gly Glu Thr Gln Leu Leu Val 275 280 Ser Arg Lys Ser Arg Pro Lys Ser Gly Gly Ser Gly His Ala Val Ala 295 Glu Pro Ala Ser Pro Glu Gln Glu Leu Asp Gln Asn Lys Gly Lys Gly 305 Arg Asp Val Glu Ser Val Gln Thr Pro Ser Lys Ala Val Gly Ala Ser

Gln Gln Gln Asn Ser Pro Gln Lys His Lys Asn Lys Asp Leu Tyr Thr 360 Thr Gly Arg Arg Glu Ser Val Asn Leu Gly Lys Ser Glu Gly Phe Lys Ala Gly Asp Lys Thr Leu Thr Pro Arg Lys Leu Ser Thr Arg Asn Arg Thr Pro Ala Lys Val Glu Asp Ala Ala Asp Ser Ala Thr Lys Pro Glu 410 Asn Leu Ser Ser Lys Thr Arg Gly Ser Ile Pro Thr Asp Val Glu Val Leu Pro Thr Glu Thr Glu Ile His Asn Glu Pro Phe Leu Thr Leu Trp Leu Thr Gln Val Glu Arg Lys Ile Gln Lys Asp Ser Leu Ser Lys Pro 450 460 Glu Lys Leu Gly Thr Thr Ala Gly Gln Met Cys Ser Gly Leu Pro Gly
465 470 480 Leu Ser Ser Val Asp Ile Asn Asn Phe Gly Asp Ser Ile Asn Glu Ser Glu Gly Ile Pro Leu Lys Arg Arg Val Ser Phe Gly Gly His Leu Arg Pro Glu Leu Phe Asp Glu Asn Leu Pro Pro Asn Thr Pro Leu Lys Arg Gly Glu Ala Pro Thr Lys Arg Lys Ser Leu Val Met His Thr Pro 530 540 Pro Val Leu Lys Lys Ile Ile Lys Glu Gln Pro Gln Pro Ser Gly Lys 550 Gln Glu Ser Gly Ser Glu Ile His Val Glu Val Lys Ala Gln Ser Leu Val Ile Ser Pro Pro Ala Pro Ser Pro Arg Lys Thr Pro Val Ala Ser Asp Gln Arg Arg Arg Ser Cys Lys Thr Ala Pro Ala Ser Ser Ser Lys 595 600 605 Ser Gln Thr Glu Val Pro Lys Arg Gly Glu Arg Val Ala Thr Cys Leu Gln Lys Arg Val Ser Ile Ser Arg Ser Gln His Asp Ile Leu Gln 635 630 Met Ile Cys Ser Lys Arg Arg Ser Gly Ala Ser Glu Ala Asn Leu Ile Val Ala Lys Ser Trp Ala Asp Val Val Lys Leu Gly Ala Lys Gln Thr Gln Thr Lys Val Ile Lys His Gly Pro Gln Arg Ser Met Asn Lys Arg Gln Arg Arg Pro Ala Thr Pro Lys Lys Pro Val Gly Glu Val His Ser

THIS PAGE BLANK USPO

Gln Phe Ser Thr Gly His Ala Asn Ser Pro Cys Thr Ile Ile Gly Lys Ala His Thr Glu Lys Val His Val Pro Ala Arg Pro Tyr Arg Val Leu Asn Asn Phe Ile Ser Asn Gln Lys Met Asp Phe Lys Glu Asp Leu Ser Gly Ile Ala Glu Met Phe Lys Thr Pro Val Lys Glu Gln Pro Gln Leu Thr Ser Thr Cys His Ile Ala Ile Ser Asn Ser Glu Asn Leu Leu Gly Lys Gln Phe Gln Gly Thr Asp Ser Gly Glu Glu Pro Leu Leu Pro Thr Ser Glu Ser Phe Gly Gly Asn Val Phe Phe Ser Ala Gln Asn Ala Ala Lys Gln Pro Ser Asp Lys Cys Ser Ala Ser Pro Pro Leu Arg Arg Gln Cys Ile Arg Glu Asn Gly Asn Val Ala Lys Thr Pro Arg Asn Thr 

THIS PACE BLANK USPO

Val Gly Lys Phe Thr Arg Thr Ser Gly Glu Thr Thr His Thr His Arg 1045 1050 Glu Pro Ala Gly Asp Gly Lys Ser Ile Arg Thr Phe Lys Glu Ser Pro 1065 1060 1070 Lys Gln Ile Leu Asp Pro Ala Ala Arg Val Thr Gly Met Lys Lys Trp 1080 Pro Arg Thr Pro Lys Glu Glu Ala Gln Ser Leu Glu Asp Leu Ala Gly 1095 Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly Pro Ser Glu Glu Ser Met Thr 1110 1105 Asp Glu Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Lys Ser Pro Pro Pro Glu Ser 1130 1125 Val Asp Thr Pro Thr Ser Thr Lys Gln Trp Pro Lys Arg Ser Leu Arg 1140 Lys Ala Asp Val Glu Glu Glu Phe Leu Ala Leu Arg Lys Leu Thr Pro 1160 Ser Ala Gly Lys Ala Met Leu Thr Pro Lys Pro Ala Gly Gly Asp Glu Lys Asp Ile Lys Ala Phe Met Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu 1190 Ala Gly Thr Leu Pro Gly Ser Lys Arg Gln Leu Gln Thr Pro Lys Glu 1205 1210 1215 Lys Ala Gln Ala Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln 1225 Thr Pro Gly His Thr Glu Glu Leu Val Ala Ala Gly Lys Thr Thr Lys 1240 1245 Ile Pro Cys Asp Ser Pro Gln Ser Asp Pro Val Asp Thr Pro Thr Ser 1255 Thr Lys Gln Arg Pro Lys Arg Ser Ile Arg Lys Ala Asp Val Glu Gly 1275 Glu Leu Leu Ala Cys Arg Asn Leu Met Pro Ser Ala Gly Lys Ala Met 1285 1290 1295 His Thr Pro Lys Pro Ser Val Gly Glu Glu Lys Asp Ile Ile Ile Phe 1305 Val Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Thr Glu Asn Leu Thr Gly 1315 Ser Lys Arg Arg Pro Gln Thr Pro Lys Glu Glu Ala Gln Ala Leu Glu 1335

Asp Leu Thr Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly His Thr Glu

Glu Ala Val Ala Ala Gly Lys Thr Thr Lys Met Pro Cys Glu Ser Ser

THIS PACE BLANK USPO

1715

1385 1390 1380 Thr Pro Leu Glu Lys Arg Asp Val Gln Lys Glu Leu Ser Ala Leu Lys 1400 Lys Leu Thr Gln Thr Ser Gly Glu Thr Thr His Thr Asp Lys Val Pro 1410 Gly Gly Glu Asp Lys Ser Ile Asn Ala Phe Arg Glu Thr Ala Lys Gln 1435 Lys Leu Asp Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Lys Arg His Pro Lys 1450 Thr Lys Glu Lys Ala Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Gly Trp Lys Glu 1460 1465 Leu Phe Gln Thr Pro Val Cys Thr Asp Lys Pro Thr Thr His Glu Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Arg Ser Gln Pro Asp Pro Val Asp Thr Pro 1495 Thr Ser Ser Lys Pro Gln Ser Lys Arg Ser Leu Arg Lys Val Asp Val 1510 1515 Glu Glu Glu Phe Phe Ala Leu Arg Lys Arg Thr Pro Ser Ala Gly Lys Ala Met His Thr Pro Lys Pro Ala Val Ser Gly Glu Lys Asn Ile Tyr 1540 1545 Ala Phe Met Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Thr Glu Asn Leu 1560 Thr Gly Ser Lys Arg Arg Leu Gln Thr Pro Lys Glu Lys Ala Gln Ala 1575 Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Arg Gly His 1590 1595 Thr Glu Glu Ser Met Thr Asn Asp Lys Thr Ala Lys Val Ala Cys Lys 1605 1610 Ser Ser Gln Pro Asp Leu Asp Lys Asn Pro Ala Ser Ser Lys Arg Arg 1625 Leu Lys Thr Ser Leu Gly Lys Val Gly Val Lys Glu Glu Leu Leu Ala Val Gly Lys Leu Thr Gln Thr Ser Gly Glu Thr Thr His Thr His Thr 1655 1660 Glu Pro Thr Gly Asp Gly Lys Ser Met Lys Ala Phe Met Glu Ser Pro 1670 1675 Lys Gln Ile Leu Asp Ser Ala Ala Ser Leu Thr Gly Ser Lys Arg Gln 1690 Leu Arg Thr Pro Lys Gly Lys Ser Glu Val Pro Glu Asp Leu Ala Gly 1705 Phe Ile Glu Leu Phe Gln Thr Pro Ser His Thr Lys Glu Ser Met Thr

1720

THIS PACE BLANK USPO

Asn Glu Lys Thr Thr Lys Val Ser Tyr Arg Ala Ser Gln Pro Asp Leu 1735 Val Asp Thr Pro Thr Ser Ser Lys Pro Gln Pro Lys Arg Ser Leu Arg 1745 1750 1755 Lys Ala Asp Thr Glu Glu Glu Phe Leu Ala Phe Arg Lys Gln Thr Pro 1770 Ser Ala Gly Lys Ala Met His Thr Pro Lys Pro Ala Val Gly Glu Glu 1785 Lys Asp Ile Asn Thr Phe Leu Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Gln 1800 Pro Gly Asn Leu Pro Gly Ser Asn Arg Arg Leu Gln Thr Arg Lys Glu 1815 1820 Lys Ala Gln Ala Leu Glu Glu Leu Thr Gly Phe Arg Glu Leu Phe Gln 1830 Thr Pro Cys Thr Asp Asn Pro Thr Ala Asp Glu Lys Thr Thr Lys Lys Ile Leu Cys Lys Ser Pro Gln Ser Asp Pro Ala Asp Thr Pro Thr Asn 1865 1870 Thr Lys Gln Arg Pro Lys Arg Ser Leu Lys Lys Ala Asp Val Glu Glu 1880 1885 Glu Phe Leu Ala Phe Arg Lys Leu Thr Pro Ser Ala Gly Lys Ala Met 1895 His Thr Pro Lys Ala Ala Val Gly Glu Glu Lys Asp Ile Asn Thr Phe 1915 Val Gly Thr Pro Val Glu Lys Leu Asp Leu Leu Gly Asn Leu Pro Gly 1925 1930 Ser Lys Arg Arg Pro Gln Thr Pro Lys Glu Lys Ala Lys Ala Leu Glu 1945 Asp Leu Ala Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly His Thr Glu 1960 Glu Ser Met Thr Asp Asp Lys Ile Thr Glu Val Ser Cys Lys Ser Pro 1975 Gln Pro Asp Pro Val Lys Thr Pro Thr Ser Ser Lys Gln Arg Leu Lys 1990 1995 Ile Ser Leu Gly Lys Val Gly Val Lys Glu Glu Val Leu Pro Val Gly 2005 2010 Lys Leu Thr Gln Thr Ser Gly Lys Thr Thr Gln Thr His Arg Glu Thr 2020 2025 2030 Ala Gly Asp Gly Lys Ser Ile Lys Ala Phe Lys Glu Ser Ala Lys Gln 2040 Met Leu Asp Pro Ala Asn Tyr Gly Thr Gly Met Glu Arg Trp Pro Arg 2050

Thr Pro Lys Glu Glu Ala Gln Ser Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys

THIS PAGE BLANK (USPIO)

2070 2075 2080 2065 Glu Leu Phe Gln Thr Pro Asp His Thr Glu Glu Ser Thr Thr Asp Asp 2090 2085 Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Lys Ser Pro Pro Pro Glu Ser Met Asp 2105 2100 Thr Pro Thr Ser Thr Arg Arg Pro Lys Thr Pro Leu Gly Lys Arg Asp Ile Val Glu Glu Leu Ser Ala Leu Lys Gln Leu Thr Gln Thr Thr 2135 His Thr Asp Lys Val Pro Gly Asp Glu Asp Lys Gly Ile Asn Val Phe Arg Glu Thr Ala Lys Gln Lys Leu Asp Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Lys Arg Gln Pro Arg Thr Pro Lys Gly Lys Ala Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Gly Leu Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Val Cys Thr Asp Lys Pro Thr Thr His Glu Lys Thr Thr Lys Ile Ala Cys Arg Ser Pro 2220 Gln Pro Asp Pro Val Gly Thr Pro Thr Ile Phe Lys Pro Gln Ser Lys Arg Ser Leu Arg Lys Ala Asp Val Glu Glu Glu Ser Leu Ala Leu Arg Lys Arg Thr Pro Ser Val Gly Lys Ala Met Asp Thr Pro Lys Pro Ala 2265 Gly Gly Asp Glu Lys Asp Met Lys Ala Phe Met Gly Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Pro Gly Asn Leu Pro Gly Ser Lys Arg Trp Pro Gln 2295 Thr Pro Lys Glu Lys Ala Gln Ala Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Lys 2310 Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly Thr Asp Lys Pro Thr Thr Asp Glu Lys 2330 Thr Thr Lys Ile Ala Cys Lys Ser Pro Gln Pro Asp Pro Val Asp Thr Pro Ala Ser Thr Lys Gln Arg Pro Lys Arg Asn Leu Arg Lys Ala Asp 2360 Val Glu Glu Glu Phe Leu Ala Leu Arg Lys Arg Thr Pro Ser Ala Gly 2375 2370 2380 Lys Ala Met Asp Thr Pro Lys Pro Ala Val Ser Asp Glu Lys Asn Ile 2390 2395 Asn Thr Phe Val Glu Thr Pro Val Gln Lys Leu Asp Leu Leu Gly Asn 2405 2410

THIS PACE BLANK USPO

Leu Pro Gly Ser Lys Arg Gln Pro Gln Thr Pro Lys Glu Lys Ala Glu 2420 2430

Ala Leu Glu Asp Leu Val Gly Phe Lys Glu Leu Phe Gln Thr Pro Gly 2435 2440 2445

His Thr Glu Glu Ser Met Thr Asp Asp Lys Ile Thr Glu Val Ser Cys 2450 2460

Lys Ser Pro Gln Pro Glu Ser Phe Lys Thr Ser Arg Ser Ser Lys Gln 2465 2470 2475 2480

Arg Leu Lys Ile Pro Leu Val Lys Val Asp Met Lys Glu Glu Pro Leu 2485 2490 2495

Ala Val Ser Lys Leu Thr Arg Thr Ser Gly Glu Thr Thr Gln Thr His 2500 2510

Thr Glu Pro Thr Gly Asp Ser Lys Ser Ile Lys Ala Phe Lys Glu Ser 2515 2520 2525

Pro Lys Gln Ile Leu Asp Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Arg Arg 2530 2540

Gln Leu Arg Thr Arg Lys Glu Lys Ala Arg Ala Leu Glu Asp Leu Val 2545 2550 2555 2560

Asp Phe Lys Glu Leu Phe Ser Ala Pro Gly His Thr Glu Glu Ser Met 2565 2570 2575

Thr Ile Asp Lys Asn Thr Lys Ile Pro Cys Lys Ser Pro Pro Pro Glu 2580 2580 2590

Leu Thr Asp Thr Ala Thr Ser Thr Lys Arg Cys Pro Lys Thr Arg Pro 2595 2600 2605

Arg Lys Glu Val Lys Glu Glu Leu Ser Ala Val Glu Arg Leu Thr Gln 2610 2615 2620

Thr Ser Gly Gln Ser Thr His Thr His Lys Glu Pro Ala Ser Gly Asp 2625 2630 2635

Glu Gly Ile Lys Val Leu Lys Gln Arg Ala Lys Lys Lys Pro Asn Pro 2645 2650 2655

Val Glu Glu Pro Ser Arg Arg Pro Arg Ala Pro Lys Glu Lys 2660 2665 2670

Ala Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Gly Phe Thr Glu Leu Ser Glu Thr 2675 2680 2685

Ser Gly His Thr Gln Glu Ser Leu Thr Ala Gly Lys Ala Thr Lys Ile 2690 2695 2700

Pro Cys Glu Ser Pro Pro Leu Glu Val Val Asp Thr Thr Ala Ser Thr 2705 2710 2715 2720

Lys Arg His Leu Arg Thr Arg Val Gln Lys Val Gln Val Lys Glu Glu 2725 2730 2735

Pro Ser Ala Val Lys Phe Thr Gln Thr Ser Gly Glu Thr Thr Asp Ala 2740 2755 2750

Asp Lys Glu Pro Ala Gly Glu Asp Lys Gly Ile Lys Ala Leu Lys Glu

THIS PAGE BLANK USPO

2755 2760 2765

Ser Ala Lys Gln Thr Pro Ala Pro Ala Ala Ser Val Thr Gly Ser Arg
2770 2775 2780

Arg Arg Pro Arg Ala Pro Arg Glu Ser Ala Gln Ala Ile Glu Asp Leu 2785 2790 2795 2800

Ala Gly Phe Lys Asp Pro Ala Ala Gly His Thr Glu Glu Ser Met Thr 2805 2810 2815

Asp Asp Lys Thr Thr Lys Ile Pro Cys Lys Ser Ser Pro Glu Leu Glu 2820 2825 2830

Asp Thr Ala Thr Ser Ser Lys Arg Arg Pro Arg Thr Arg Ala Gln Lys 2835 2840 2845

Val Glu Val Lys Glu Glu Leu Leu Ala Val Gly Lys Leu Thr Gln Thr 2850 2860

Ser Gly Glu Thr Thr His Thr Asp Lys Glu Pro Val Gly Glu Gly Lys 2865 2870 2875 2880

Gly Thr Lys Ala Phe Lys Gln Pro Ala Lys Arg Asn Val Asp Ala Glu 2885 2890 2895

Asp Val Ile Gly Ser Arg Arg Gln Pro Arg Ala Pro Lys Glu Lys Ala 2900 2905 2910

Gln Pro Leu Glu Asp Leu Ala Ser Phe Gln Glu Leu Ser Gln Thr Pro 2915 2920 2925

Gly His Thr Glu Glu Leu Ala Asn Gly Ala Ala Asp Ser Phe Thr Ser 2930 2935 2940

Ala Pro Lys Gln Thr Pro Asp Ser Gly Lys Pro Leu Lys Ile Ser Arg 2945 2950 2955 2960

Arg Val Leu Arg Ala Pro Lys Val Glu Pro Val Gly Asp Val Val Ser 2965 2970 2975

Thr Arg Asp Pro Val Lys Ser Gln Ser Lys Ser Asn Thr Ser Leu Pro 2980 2985 2990

Pro Leu Pro Phe Lys Arg Gly Gly Gly Lys Asp Gly Ser Val Thr Gly 2995 3000 3005

Thr Lys Arg Leu Arg Cys Met Pro Ala Pro Glu Glu Ile Val Glu Glu 3010 3015 3020

Leu Pro Ala Ser Lys Lys Gln Arg Val Ala Pro Arg Ala Arg Gly Lys 3025 3035 3040

Ser Ser Glu Pro Val Val Ile Met Lys Arg Ser Leu Arg Thr Ser Ala 3045 3050 3055

Lys Arg Ile Glu Pro Ala Glu Glu Leu Asn Ser Asn Asp Met Lys Thr 3060 3065 3070

Asn Lys Glu Glu His Lys Leu Gln Asp Ser Val Pro Glu Asn Lys Gly 3075 3080 3085

Ile Ser Leu Arg Ser Arg Arg Gln Asp Lys Thr Glu Ala Glu Gln Gln 3090 3095

THIS PACE BLANK USPO

Ile Thr Glu Val Phe Val Leu Ala Glu Arg Ile Glu Ile Asn Arg Asn 3110

Glu Lys Lys Pro Met Lys Thr Ser Pro Glu Met Asp Ile Gln Asn Pro 3125 3130

Asp Asp Gly Ala Arg Lys Pro Ile Pro Arg Asp Lys Val Thr Glu Asn 3145

Lys Arg Cys Leu Arg Ser Ala Arg Gln Asn Glu Ser Ser Gln Pro Lys 3160

Val Ala Glu Glu Ser Gly Gly Gln Lys Ser Ala Lys Val Leu Met Gln

Asn Gln Lys Gly Lys Gly Glu Ala Gly Asn Ser Asp Ser Met Cys Leu 3195 3190

Arg Ser Arg Lys Thr Lys Ser Gln Pro Ala Ala Ser Thr Leu Glu Ser 3210 3205

Lys Ser Val Gln Arg Val Thr Arg Ser Val Lys Arg Cys Ala Glu Asn

Pro Lys Lys Ala Glu Asp Asn Val Cys Val Lys Lys Ile Thr Thr Arg 3240 3245

Ser His Arg Asp Ser Glu Asp Ile 3255

- (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 3:
  - (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
    - (A) LÄNGE: 23 Basenpaare
    - (B) ART: Nucleotid
    - (C) STRANGFORM: Einzelstrang(D) TOPOLOGIE: linear
  - (ii) ART DES MOLEKÜLS: Sonstige Nucleinsäure (A) BESCHREIBUNG: /desc = "synthetisches Oligonukleotid"
  - (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 3:

ACCAGGCGTC TCGTGGGCCA CAT

THIS PAGE BLANK USPIO!